

ワークショップ

第1日目11月28日(水)

1AW-04 Room 4 (3F 303)	9:00-11:00 [E]
Intracellular signaling regulating animal behavior	
Organizer : Hiromasa Funato (Toho University / University of Tsukuba)	
Introduction	[9:00]
1AW-04-1 (1P-0507)	[9:02]
Rap2 and TNIK control Plexin-dependent tiled synaptic innervation in <i>C. elegans</i>	
Kota Mizumoto (University of British Columbia)	
1AW-04-2	[9:15]
Temporal coding of MAPK activation dynamics revealed by FRET imaging	
Taichiro Tomida, Kimitaka Yamaguchi, Masanori Ito, Yoshinori Mikami, Daisuke Ohshima, Satomi Adachi-Akahane (Dept of Physiol, Fac of Med, Sch of Med, Toho Univ)	
1AW-04-3	[9:28]
Role of striatal phosphorylation signaling in emotional behaviors	
Taku Nagai ¹ , Kozo Kaibuchi ² (¹ Dept of Neuropsychopharmacol & Hosp Pharm, Nagoya Univ Grad Sch of Med, ² Dept of Cell Pharmacol, Nagoya Univ Grad Sch of Med)	
1AW-04-4	[9:46]
Genetic and Pharmacological Disturbance of SIK Modulates the Pathogenesis of Experimental Colitis in Mice	
Hiroschi Takemori (Gifu University)	
1AW-04-5 (2P-0512)	[10:04]
Acting out Nightmares: the molecular and neural mechanisms of REM sleep behavior disorder	
Marina Takagi ^{1,2} , Mitsuaki Kashiwagi ^{1,3} , Mika Kanuka ¹ , Masashi Yanagisawa ¹ , Yu Hayashi ¹ (¹ International Institute for Integrative Sleep Medicine (WPI-IIS), Univ of Tsukuba, ² Master's Prog of Med Sci, Univ of Tsukuba, ³ Doctoral Prog in Kansei, Univ of Tsukuba)	
1AW-04-6	[10:22]
Altered sleep/wakefulness behavior and phosphoproteomics in <i>Sik3</i> mutant mice	
Hiromasa Funato (Toho University, University of Tsukuba)	
1AW-04-7	[10:40]
Plasticity of innate courtship behavior and its neural substrate in flies	
Daisuke Yamamoto (Advanced ICT Research Institute, NICT)	
Conclusion	[10:58]
1AW-06 Room 6 (3F 311+312)	9:00-11:00 [E]
Physiology and pathology of non-canonical nucleic acid structures and their regulation	
Organizers : Hiroyuki Seimiya (Japanese Foundation for Cancer Research) Hisao Masai (Tokyo Metropolitan Institute of Medical Sciences)	
Introduction	[9:00]
1AW-06-1	[9:02]
G-quadruplex as a molecular target for cancer therapy	
Hiroyuki Seimiya (Div Mol Biother, JFCR Cancer Chemother Ctr)	

1AW-06-2 (2P-0638)	[9:18]
An anionic phthalocyanine downregulates NRAS expression by cleavage of its RNA G-quadruplex	
Wataru Sugimoto ¹ , Keiko Kawauchi ¹ , Takatoshi Yasui ¹ , Kohei Murata ¹ , Katsuhiko Itoh ¹ , Kazuki Takagi ¹ , Takaaki Tsuruoka ¹ , Kensuke Akamatsu ¹ , Hisae Tateishi - Karimata ² , Naoki Sugimoto ² , Daisuke Miyoshi ¹ (¹ FIRST, Konan University, ² FIBER, Konan University)	
1AW-06-3	[9:28]
Molecular mechanisms of interaction between ALS causative proteins and RNA G-quadruplex	
Akira Ishiguro ¹ , Nobuyuki Kimura ² , Takashi Noma ³ , Takahide Kon ³ (¹ Research Center for Micro-Nano Technology, University of Hosei, ² Section of Cell Biology and Pathology, Department of Alzheimer's Disease Research, Center for Development of Advanced Medicine for Dementia, National Center for Geriatrics and Gerontology, ³ Department of Biological Science, Graduate School of Science, and Faculty of Science Osaka University)	
1AW-06-4	[9:44]
Visualization of G-quadruplex with chemical probes in Live Cells	
Kazuo Nagasawa (Tokyo University of Agriculture and Technology)	
1AW-06-5 (1P-0209)	[10:00]
Live cell imaging and cellular regulation by the amyloid-binding fluorescence compound Thioflavin T (ThT)	
Yui Takahoko ¹ , Saitoh Hisato ^{1,2} (¹ Dept of Biol, GSST, Kumamoto Univ., ² FAST, Kumamoto Univ.)	
1AW-06-6 (2P-0246)	[10:10]
Regulation of gene expression by triplex nucleic acid and triplex nucleic acid-binding proteins	
Maiko Shimmura, Kota Sugiyama, Kazuki Kiuchi, Norihiro Sato, Takuma Katayama, Hidetaka Torigoe (Department of Applied Chemistry, Faculty of Science, Tokyo University of Science)	
1AW-06-7	[10:20]
DNA-RNA hybrid and G-quadruplex: exploring their biological significance as new genome signatures	
Hisao Masai, Yutaka Kanoh, Naoko Kakusho, Rino Fukatsu, Taku Tanaka, Naoko Yoshizawa, Kenji Moriyama, Shunsuke Kobayashi, Tomoko Sagi, Naoki Sekiguchi, Seiji Matsumoto, Hiroyuki Kato (Genome Dynamics Project, Department of Genome Medicine, Tokyo Metropolitan Institute of Medical Science)	
1AW-06-8	[10:36]
Structure and dynamics of G-quadruplex nucleic acids	
Anh Tuan Phan (School of Physical and Mathematical Sciences, Nanyang Technological University, Singapore)	
1AW-07 Room 7 (3F 313+314)	9:00-11:00 [E]
Roles of Lymphatic Systems during Maintenance of Homeostasis and Cancer Progression	
Organizers : Fumiko Itoh (Tokyo University of Pharmacy and Life Sciences) Tetsuro Watabe (Tokyo Medical and Dental University)	
1AW-07-1 (1P-0535)	[9:00]
The specific induction of IgA production by PKC activators	
Hitomi Sakatani ¹ , Aoi Son ² , Reiko Shinkura ² (¹ Nara Institute of Science and Technology, ² Institute for Quantitative Biosciences, University of Tokyo)	
1AW-07-2 (3P-0357)	[9:14]
Analysis of endothelial cell behaviors as a fundamental process of angiogenesis and molecular mechanism underlying their regulation	
Kazuo Tonami ¹ , Masahiro Kana ² , Toshiyuki Ushijima ¹ , Kei Sugahara ¹ , Yasunobu Uchijima ¹ , Hiroki Kurihara ¹ (¹ Dept. Phys. Chem. Meta., Grad. Sch. of Med., Univ. Tokyo, ² Dept. Educ. Creation Engineering, Kurume Inst. Tech.)	
1AW-07-3	[9:28]
Foxc transcription factors in lymphatic valve development	
Tsutomu Kume (Northwestern University Sch of Med)	
1AW-07-4	[9:51]
BMP signal maintains lymphatic function	
Fumiko Itoh ¹ , Toshihiko Inagawa ¹ , Miho Ishibashi ¹ , Yuki Saito ¹ , Yoshiaki Kubota ² , Susumu Itoh ³ (¹ Tokyo Univ. of Pharm and Life Sci., ² Lab. Vascular Biol. School of Medicine, Keio Univ., ³ Lab. of Biochem, Showa Pharmaceutical Univ.)	

1AW-07-5	[10:14]
Mechanism underlying peripheral blood-lymph partitioning regulated by platelets	
Masanori Hirashima (Div of Vasc Biol, Kobe Univ Grad Sch of Medicine)	
1AW-07-6	[10:37]
TGF-β family signals in the formation and maintenance of lymphatic systems	
Tetsuro Watabe (Dept of Biochem, Tokyo Med Dent Univ)	
1AW-08 Room 8 (3F 315)	9:00-11:00 [E]
The Biology of RNA-Binding Proteins with Emerging Topics-Analysis at atomic and molecular levels, neurobiology and therapeutics-	
Organizers : Riki Kurokawa (Saitama Medical University) Masato Katahira (Kyoto University)	
Introduction	[9:00]
1AW-08-1	[9:05]
Arginine methylation of RNA binding protein TLS inhibits binding to long noncoding RNA, repressing the histone acetyltransferase activity	
Riki Kurokawa (Division of Gene Structure and Function RCGM Saitama Medical University)	
1AW-08-2	[9:17]
mRNA transport regulatory factor RNG105/caprin1 is essential for long-term memory	
Nobuyuki Shiina ^{1,2,3} (¹ National Institute for Basic Biology, ² Exploratory Research Center on Life and Living Systems (ExCELLS), ³ The Graduate University for Advanced Studies (SOKENDAI))	
1AW-08-3	[9:32]
Regulation of mRNA localization and translation by hnRNP A/B variants	
Nanaho Fukuda ¹ , Yasumasa Ishida ² , Tomoyuki Fukuda ³ , Toshikuni Sasaoka ¹ (¹ Brain Res Inst, Niigata Univ, ² Biosci Dept, NAIST, ³ Grad Sch Med, Niigata Univ)	
1AW-08-4 (1P-0192)	[9:44]
The mechanism to regulate the subcellular localization of nuclear RNA binding protein NONO	
Mari Furukawa ¹ , Kunio Inoue ² (¹ Biosignal Res Ctr, Kobe Univ, ² Dept Biol, Grad Sch Sci, Kobe Univ)	
1AW-08-5	[9:54]
Antisense Therapy for Fukuyama muscular dystrophy	
Mariko Taniguchi-Ikeda ¹ , Kazuhiro Kobayashi ² , Hiroki Kurahashi ³ , Tatsushi Toda ⁴ (¹ Dept of Clin Genet, Fujita Health Univ, ² Dept of Mol Brain Sci Kobe Univ, ³ Dept of Mol Genet Fujita Health University, ⁴ Dept of Neurol Univ of Tokyo)	
1AW-08-6	[10:06]
Importance of Functional Loss of FUS in neurodegenerative diseases	
Shinsuke Ishigaki ¹ , Gen Sobue ² (¹ Dept Neurology, Nagoya Univ, ² Dept Therapeutics for Intractable Neurological Disorders, Nagoya Univ)	
1AW-08-7	[10:21]
Epigenetics regulated by G-quadruplex binding proteins	
Takanori Oyoshi (Department of Chemistry, Graduate School of Science, Shizuoka University)	
1AW-08-8 (1P-0482)	[10:33]
Deciphering the RNA regulatory code by RNA-binding proteins in neural development and their associations with neurodegenerative and psychiatric diseases	
Akihide Takeuchi, Kei Iida, Motoyasu Hosokawa, Masatoshi Hagiwara (Dept of Anat Dev Biol, Grad Sch of Med, Kyoto Univ)	
1AW-08-9	[10:43]
Structural study of the interaction of TLS/FUS protein with non-coding RNA	
Masato Katahira (Institute of Advanced Energy, Kyoto University)	
Conclusion	[10:55]

1AW-09 Room 9 (4F 411+412)	9:00-11:00 [E]
You don't know TOR yet	
Organizers : Takashi Ushimaru (Shizuoka University) Tatsuya Maeda (Hamamatsu University School of Medicine)	
1AW-09-1	[9:00]
Novel regulatory factors in the TORC1-mediated nutrient sensing pathway in fission yeast	
Yoko Otsubo ^{1,2} , Masayuki Yamamoto ¹ , Akira Yamashita ¹ (¹ National Institute for Basic Biology, ² National Institute for Fusion Science)	
1AW-09-2 (2P-0340)	[9:18]
TORC1 directly controls serine synthesis pathway	
Yasuhiro Araki, Shunsuke Kawamura, Takumi Kitatani, Ryohei Sawada, Takeshi Noda (Osaka University Graduate School of Dentistry)	
1AW-09-3	[9:33]
The glutamine-responsive activation mechanism of TORC1 in yeast	
Mirai Tanigawa ¹ , Katsuyoshi Yamamoto ¹ , Tatsuya Maeda ^{1,2} (¹ Univ of Tokyo, IQB, ² Hamamatsu University School of Medicine)	
1AW-09-4	[9:51]
Evolutionarily conserved mechanism of insulin resistance	
Mitsugu Shimobayashi, Diana Weissenberger, Irina Frei, Michael N Hall (Biozentrum, University of Basel)	
1AW-09-5	[10:09]
Genotoxic stress regulates TORC1	
Takashi Ushimaru, Ryota Ozaki, Sayuri Ueda, Atsuki Kaneko (Faculty of Science, Shizuoka University)	
1AW-09-6 (1P-0413)	[10:27]
A Negative Regulator for the mTORC1 signal expressed in the floor plate of the neural tube	
Minoru Kadoya, Noriaki Sasai (Nara Institute of Science and Technology)	
1AW-09-7	[10:42]
Translational control of mitochondrial function and dynamics through the mTORC1/4E-BP signaling pathway	
Masahiro Morita ¹ , Heidi M McBride ² , John J Bergeron ² , Nahum Sonenberg ² (¹ Dept of Mol Med, Univ of Texas Health Science Center at San Antonio, ² Dept of Biochem, McGill University)	
1AW-11 Room 11 (4F 414+415)	9:00-11:00 [E]
"Zinc Biology" : An emerging life science research field	
Organizers : Toshiyuki Fukada (Tokushima Bunri University) Taiho Kambe (Kyoto University)	
Introduction	
	[9:00]
1AW-11-1	[9:03]
Dual functional roles of human zinc transporter-8 (ZnT8) in pancreatic beta cells	
Dax Fu, Chengfeng Merriman (Department of Physiology, Johns Hopkins University School of Medicine)	
1AW-11-2 (3P-0605)	[9:22]
How does zinc signaling control the fate determination of beige fat cells?	
Ayako Fukunaka ¹ , Toshiyuki Fukada ² , Shingo Kajimura ³ , Hiroataka Watada ¹ , Yoshio Fujitani ¹ (¹ Institute for Molecular & Cellular Regulation Gunma University, ² Faculty of Pharmaceutical Sciences, Tokushima Bunri University, ³ UCSF Diabetes Center, ⁴ Juntendo University Graduate School of Medicine)	
1AW-11-3	[9:41]
Role of zinc and zinc transporters in the progression of breast cancers	
Tomoka Takatani-Nakase (Department of Pharmaceutics, School of Pharmacy and Pharmaceutical Sciences, Mukogawa Women's University)	

1AW-11-4 (1P-0245) [10:00]

Identification of the zinc transporters involved in functional regulation of Erp44Momo Yamada¹, Yuta Amagai², Satoshi Watanabe², Roberto Sitia³, Kenji Inaba² (¹Dept of Chem, Grad Sch of Sci, Tohoku Univ, ²IMRAM, Tohoku Univ, ³IRCCS Ospedale San Raffaele, Italy)

1AW-11-5 [10:19]

Autophagy is induced under Zn limitation and contributes to Zn-limited stress tolerance in *Arabidopsis thaliana*Masatake Eguchi¹, Kazuhiko Kimura², Amane Makino¹, Hiroyuki Ishida¹ (¹Grad Schl of Agr Sci, Tohoku Univ, ²Agr Environ Sci, Miyagi Univ)

1AW-11-6 [10:38]

A conditional proteomics approach to identify zinc-related proteinsTomonori Tamura¹, Takayuki Miki², Yuki Nishikawa¹, Shigeki Kiyonaka¹, Masaki Wakabayashi³, Yasushi Ishihama⁴, Itaru Hamachi¹ (¹Grad Sch of Eng, Kyoto University, ²Grad Sch of Biosci and Biotech, Tokyo Tech, ³National Cerebral and Cardiovascular Center, ⁴Grad Sch of Pharm, Kyoto University)**Conclusion** [10:57]

1AW-12 Room 12 (4F 416+417) 9:00-11:00 [E]

Open the door to a more detailed understanding of Wnt signalingOrganizers : Bisei Ohkawara (Nagoya University)
Maki Takagishi (Nagoya University)**Introduction** [9:00]

1AW-12-1 [9:04]

Post-translational roles of Wnt signalling

Sergio P. Acebron (Heidelberg University)

1AW-12-2 [9:20]

Regulation of asymmetric cell division by Wnt signaling

Hitoshi Sawa (National Institute of Genetics)

1AW-12-3 (1P-0545) [9:36]

Enforced activation of β -catenin signaling in mouse thymic epithelial cells induces thymic dysplasiaSayumi Fujimori¹, Izumi Ohigashi¹, Shinji Takada^{2,3}, Yousuke Takahama^{1,4} (¹Div. of Exp. Immunol, IAMS, Univ. of Tokushima, ²Dev. Sig. Res., ExCELLS, NINS, ³SOKENDAI, ⁴Exp. Immunol, CCR, NCI, NIH)

1AW-12-4 (1P-0425) [9:52]

The Role of Non-Canonical WNT pathway in functional human β cells maturation

Eiji Yoshihara (Salk Institute)

1AW-12-5 [10:08]

Wnt/ β -catenin signaling in chondrocytes for cartilage degradation of osteoarthritisBisei Ohkawara¹, Toshiaki Okura², Yasuhiko Takegami², Taisuke Seki², Naoki Ishiguro², Kinji Ohno¹ (¹Division of Neurogenetics, Center for Neurological Diseases and Cancer, Nagoya Univ. Graduate School of Medicine, ²Orthopedics Department, Nagoya Univ. Graduate School of Medicine)

1AW-12-6 [10:24]

Functional relevance of cell competition in intestinal neoplasmsShunsuke Kon¹, Kazuki Nakai¹, Shinya Tanaka², Takanobu Shirai², Ayana Sasaki², Yasuyuki Fujita² (¹Inst of Bio Sci, Tokyo Univ of Sci, ²Inst of Gen Med, Hokkaido Univ)

1AW-12-7 [10:40]

The Dickkopf1-CKAP4 pathway, a novel cancer signaling, represents molecular targets for cancer therapy and diagnosis

Akira Kikuchi (Dept. Mol. Biol. & Biochem., Grad. Sch. Med., Osaka Univ.)

Conclusion [10:56]

1AW-13 Room 13 (4F 418)	9:00-11:00 [E]
Nascent chain polypeptides of organelle proteins: selective transport and quality control	
Organizers : Yukio Fujiki (Kyushu University) Hiroyuki Kawahara (Tokyo Metropolitan University)	
Introduction	[9:00]
1AW-13-1	[9:05]
BAG6 regulates cytoplasmic pool of Rab family small GTPases	
Hiroyuki Kawahara, Setsuya Minami, Toshiki Takahashi (Dept. Biol. Sci., Tokyo Metropol. Univ.)	
1AW-13-2 (2P-0288)	[9:23]
Identification and functional analysis of the novel E3 ligase complex that specifically degrades G0s2 protein regulating mitochondrial ATP production	
Kenta Kamikubo ¹ , Hisakazu Kato ² , Seiji Takashima ^{1,2} (¹ Dept. of Med. Biochem., Grad. Sch. of Front. BioSci, Osaka Univ., ² Dept. of Med. Biochem., Grad. Sch. of Med., Osaka Univ.)	
1AW-13-3	[9:34]
Topogenesis of peroxisomal tail-anchored membrane proteins	
Kanji Okumoto ^{1,2} , Shigehiko Tamura ^{2,3} , Yuichi Yagita ⁴ , Masanori Honsho ⁴ , Yukio Fujiki ¹ (¹ Dept. of Biol., Fac. of Sci., Kyushu Univ., ² Grad. Sch. of Sys. Life Sci., Kyushu Univ., ³ Fac. of Arts and Sci., Kyushu Univ., ⁴ Med. Inst. of Bioreg., Kyushu Univ.)	
1AW-13-4	[9:52]
Genetic analysis of ER membrane complex (EMC) function on the synthesis of multi-pass membrane proteins in <i>Drosophila</i>	
Naoki Hiramatsu, Takunori Satoh, Akiko Kono Satoh (Graduate School of Integrated Arts and Sciences, Hiroshima University)	
1AW-13-5	[10:10]
Roles of Listerin in protein translocation into the endoplasmic reticulum	
Ashuei Sogawa ^{1,2} , Miku Ohfurudono ¹ , Kota Yanagitani ¹ , Kenji Kohno ¹ (¹ Institute for Research Initiatives, Nara Institute of Science and Technology, ² Molecular and Cellular Biology, Osaka International Cancer Institute)	
1AW-13-6 (1P-0231)	[10:28]
EDEM1 maintains cellular homeostasis via ERAD	
Minori Ito ¹ , Nagisa Kato ² , Masaki Hikida ^{2,1} , Taku Tamura ^{1,2} (¹ Dept. Life Sci, Faculty of Engineering Science, Akita University, ² Grad. Sch. of Engineering Science, Akita University)	
1AW-13-7	[10:39]
UBE2O is an E2 built-in ubiquitin ligase for quality control of orphans of multiprotein complexes	
Kota Yanagitani ^{1,2} , Szymon Juszkiewicz ¹ , Ramanujan S. Hegde ¹ (¹ MRC Lab of Mol Biol (LMB), ² Inst for Res Init, Nara Inst of Sci and Tech (NAIST))	
Conclusion	[10:57]
1AW-14 Room 14 (4F 419)	9:00-11:00 [E]
Leading edge of pathophysiology of neurological disorders caused by Na pump gene mutations	
Organizers : Kiyoshi Kawakami (Jichi Medical University) Keiko Ikeda (International University of Health and Welfare)	
Introduction	[9:00]
1AW-14-1	[9:05]
Crystal structures of Na⁺,K⁺-ATPase toward understanding of pathology	
Haruo Ogawa (Institute for Quantitative Biosciences, The University of Tokyo)	

1AW-14-2

[9:25]

Enhanced susceptibility to cortical spreading depression possibly related to migraine aura in Na⁺,K⁺-ATPase α 2 subunit-deficient mice as a model of familial hemiplegic migraine 2Miyuki Unekawa^{1,2}, Keiko Ikeda^{2,3}, Yutaka Tomita¹, Kiyoshi Kawakami², Norihiro Suzuki^{1,4}, Jin Nakahara¹ (¹Dept of Neurology, Keio Univ School of Medicine, ²Div of Biology, Center for Molecular Medicine, Jichi Medical School, ³Dept of Physiology, International University of Health and Welfare, School of Medicine, ⁴Dept of Neurology, Shonan Keiiku Hospital)

1AW-14-3

[9:40]

Na pump dysfunction may cause dystonia by enhancing cortico-striato-pallidal neurotransmission

Atsushi Nambu, Satomi Chiken (Division of System Neurophysiology, National Institute for Physiological Sciences)

1AW-14-4

[9:55]

Weakened neuronal glutamate transporters in *Atp1a3*-haploinsufficient mice: glial compensation and its physiological significanceShin'ichiro Satake^{1,2}, Kiyoshi Kawakami², Keiji Imoto^{1,2}, Keiko Ikeda⁴ (¹Natl Inst for Physiol Sci, ²SOKENDAI, ³Jichi Med Univ, ⁴Int Univ of Health and Welfare)

1AW-14-5

[10:10]

Formation of respiratory neural network in brainstem is dependent on the sodium pumpKeiko Ikeda^{1,2}, Hiroshi Onimaru³ (¹Dept of Physiol, International Univ of Health and Welfare, ²Div of Cell Biol, Center for Mol Med, Jichi Medical University, ³Dept of Physiol, Showa Univ, Sch of Medicine)

1AW-14-6

[10:25]

Genotype-Structure-Phenotype: what makes *ATP1A3* mutations differentKathleen J Sweadner¹, Elena Arystarkhova¹, Laurie J Ozelius¹, John T Penniston¹, Allison Brashear² (¹Massachusetts General Hospital, Harvard Medical School, ²Wake Forest University Medical School)

Discussion

[10:55]

1PW1-02 第2会場(3階301)

15:45-17:15 [J]

プロテオゲノミクスが解き明かす新たな分子ネットワークと次世代創薬研究への応用オーガナイザー：植田 幸嗣(がん研究会)
荒木 令江(熊本大学)

1PW1-02-1

[15:45]

jPOSTプロジェクトが提供するプロテオミクスデータとその解析ツール五斗 進¹, 守屋 勇樹¹, 河野 信¹, 奥田 修二郎², 渡邊 由², 松本 雅記³, 高見 知代³, 小林 大樹⁴, 山ノ内 祥訓⁵, 荒木 令江⁴, 吉沢 明康⁶, 田畑 剛⁶, 岩崎 未央⁷, 杉山 直幸⁶, 田中 聡⁸, 石濱 泰⁶ (¹情報・システム研究機構 データサイエンス共同利用基盤施設 ライフサイエンス統合データベースセンター, ²新潟大学大学院医歯学総合研究科 新領域開拓研究センター, ³九州大学生体防御医学研究所 トランスオミクス医学研究センター, ⁴熊本大学大学院生命科学研究部, ⁵熊本大学医学部附属病院, ⁶京都大学大学院薬学研究所, ⁷京都大学IPS細胞研究所, ⁸Trans-IT)

1PW1-02-2

[16:03]

液相及び気相分離を駆使した次世代ショットガンプロテオゲノミクス

石濱 泰(京大・院薬)

1PW1-02-3 (3P-0081)

[16:21]

マウス臓器および糞便のメタプロテオミクス坂本 悠太¹, 伊藤 麻里子¹, 柏木 陽一郎², 野崎 剛徳², 村上 伸也², 吉沢 明康¹, 杉山 直幸¹, 石濱 泰¹ (¹京大・院薬, ²阪大・院薬)

1PW1-02-4

[16:39]

プロテオミクスを基盤としたプロテオゲノム情報の疾患研究への橋渡しとその応用荒木 令江¹, 南部(新堀) 晶子¹, 山崎 義宗¹, 山ノ内 祥訓², 當房 浩一¹, 小林 大樹¹ (¹阪大・院生命研・腫瘍医学, ²熊大・院医学教育・医療情報)

1PW1-02-5

[16:57]

プロテオゲノミクス解析による癌細胞表面提示抗原ペプチドの一斉プロファイリング

植田 幸嗣(がん研究会)

1PW1-03 第3会場(3階302)	15:45-17:15 [J]
クロマチンのもつ潜在的な遺伝子機能制御の分子機構	
オーガナイザー: 木村 宏(東京工業大学) 胡桃坂 仁志(東京大学)	
Introduction	[15:45]
1PW1-03-1	[15:46]
ヒストン修飾と転写の生細胞動態から捉えるクロマチンポテンシャル	
木村 宏(東工大・科学技術創成研究院・細胞制御工学セ)	
1PW1-03-2 (2P-0015)	[16:00]
エンハンサーによる転写制御動態のライブイメージング解析	
深谷 雄志 ^{1,2} , Bomyi Lim ² , Tyler Heist ² , Michael Levine ² (¹ 東大 定量研, ² Princeton Univ, LSI)	
1PW1-03-3 (2P-0132)	[16:15]
BRD4-NUTとZ4因子による高アセチル化メグドメイン形成とNUT Carcinomaの生存	
塩田 仁志 ¹ , Janine E. Elya ¹ , Artyom A. Alekseyenko ² , Paulin M. Chou ³ , Shelby A. Gorman ⁴ , Olena Barbash ⁴ , Kelly Becht ¹ , Kristina Danga ¹ , Mitzi I. Kuroda ² , Valentina Nardi ³ , Christopher A. French ¹ (¹ ブリガムアンドウィメンズ病院/ハーバードメディカルスクール・病理学, ² ブリガムアンドウィメンズ病院/ハーバードメディカルスクール・医学部・遺伝学, ³ アンアンドロバートH.ルーリー小児病院シカゴ・病理学, ⁴ グラクソ・スミスクライン・腫瘍研究開発・癌エビジェネティクスDPU, ⁵ マサチューセッツ総合病院/ハーバードメディカルスクール・病理学)	
1PW1-03-4	[16:30]
H3K9メチル化酵素によるレトロウイルス転写抑制の分子機構	
眞貝 洋一(国立研究開発法人理化学研究所)	
1PW1-03-5 (1P-0221)	[16:45]
クロマチン高次構造オーガナイザー Rif1の抑制により誘導される、2細胞期胚様マウスES細胞の不均一な核内構造変化	
吉沢 直子, 正井 久雄(東京都医学総合研究所)	
1PW1-03-6	[17:00]
クロマチンに潜在する遺伝子制御能の構造基盤	
胡桃坂 仁志(東大・定量研・クロマチン構造機能)	
Conclusion	[17:14]
1PW1-04 第4会場(3階303)	15:45-17:15 [J]
血管生物医学の最前線	
オーガナイザー: 吉田 雅幸(東京医科歯科大学) 福原 茂朋(日本医科大学)	
Introduction	[15:45]
1PW1-04-1	[15:48]
腫瘍血管形成の時間軸を埋めるレトロスペクティブ4Dイメージング	
木戸屋 浩康 ¹ , 村松 史隆 ¹ , 林 弓美子 ¹ , 島村 徹平 ² , 高倉 伸幸 ¹ (¹ 大阪大学 微生物病研究所 情報伝達分野, ² 名古屋大学大学院 医学系研究科総合医学専攻 システム生物学分野)	
1PW1-04-2	[16:12]
高脂肪食誘発性血管炎症反応における好中球シトルリン化の重要性	
大坂 瑞子, 吉田 雅幸(東京医科歯科大学大学院医歯学総合研究科先進倫理医科学)	
1PW1-04-3	[16:36]
CUL3型ユビキチンリガー複合体による血管新生制御機構	
坂上 倫久 ^{1,2} , 前川 大志 ¹ , 藤崎 亜耶子 ³ , 高橋 宏隆 ⁴ , 竹田 浩之 ⁵ , 中山 寛尚 ⁶ , 澤崎 達也 ⁴ , 泉谷 裕則 ² , 東山 繁樹 ^{1,3} (¹ 愛媛大・PROS・細胞増殖・腫瘍制御, ² 愛媛大・院医・心呼外, ³ 愛媛大・院医・生化学, ⁴ 愛媛大・PROS・無細胞, ⁵ 愛媛大・PROS・プロテオ創薬, ⁶ 広国大・保険医・臨床)	

1PW1-04-4 (2P-0453) [17:00]
Rap1 GTPase regulates Notch-dependent hematopoietic stem cell development by promoting integrin-mediated cell adhesion

 Rho Seung-Sik¹, Isao Kobayashi², Koji Ando³, Eri Oguri-Nakamura¹, Hiromi Hirata¹, Atsuo Iida⁵, Naoki Mochizuki³, Shigetomo Fukuhara¹ (¹Nippon Medical School, ²Kanazawa University, ³National Cerebral and Cardiovascular Center Research Institute, ⁴Aoyama Gakuin University, ⁵Kyoto University)

1PW1-05 第5会場(3階304) 15:45-17:15 [J]
超解像イメージングの近未来展望

 オーガナイザー：五十嵐 道弘(新潟大学)
 加藤 薫(産業技術総合研究所)

1PW1-05-1 [15:45]
超解像顕微鏡による微細構造の機能解析ー分子・細胞から、組織・個体へー

 加藤 薫¹, 田中 みなみ^{1,2}, 波平 昌一¹, 平野 和巳¹, 上条 桂樹³, 出口 友則¹, 足達 俊吾⁴, 光山 統泰⁵ (¹産総研・バイオメディカル, ²筑波大・院・生命環境, ³東北医薬大・医, ⁴産総研・創薬分子, ⁵産総研・AIRC)

1PW1-05-2 [16:05]
構造化照明による超解像顕微鏡(SIM)で明らかになった神経突起先端の3次元構造

野住 素広, 五十嵐 道弘(新潟大・院医・神経生化学)

1PW1-05-3 (2P-0313) [16:25]
F-BARタンパク質GAS7の細胞内高次構造形成

Maisarah Ab Fatah, 塙 京子, 末次 志郎(奈良先端大・バイオ)

1PW1-05-4 [16:35]
タンパク質の品質管理に関わる小胞体内ゾーンの解析

岡田 徹也, 杉本 岳大, 蛭川 暁, 石川 時郎, 森 和俊(京都大学大学院理学研究科 生物物理学教室)

1PW1-05-5 [16:55]
自発的な光滅機能を有する超解像イメージングプローブの開発

 神谷 真子¹, 浦野 泰照^{1,2,3} (¹東京大学大学院医学系研究科, ²東京大学大学院薬学系研究科, ³AMED CREST)

1PW1-06 第6会場(3階311+312) 15:45-17:15 [J]
共催：創薬等先端技術支援基盤プラットフォーム(AMED/日本医療研究開発機構)
共用基盤施設を使って加速する構造生命科学研究与創薬プロセス

 オーガナイザー：田之倉 優(東京大学)
 湯本 史明(高エネルギー加速器研究機構)

Introduction [15:45]
1PW1-06-1 [15:46]
創薬等ライフサイエンス研究のための相関構造解析プラットフォーム

山本 雅貴(理研 SPring-8)

1PW1-06-2 [16:01]
放射光施設における結晶化スクリーニングの自動化

加藤 龍一(高エネ研・物構研・放射光)

1PW1-06-3 [16:13]
多様なコンフォメーションの解析を可能にするクライオ電子顕微鏡解析

 岩崎 憲治¹, 川口 敦史² (¹大阪大学 蛋白質研究所, ²筑波大学 人間総合科学研究科)

1PW1-06-4 (2P-0721) [16:25]
人工デザイン膜タンパク質抗原を用いたClaudin-5細胞外領域結合抗体の開発

 橋本 洋佑¹, Wei Zhou¹, 浜内 孝太郎¹, 白倉 圭佑², 土井 健史², 八木 清仁², 澤崎 達也¹, 岡田 欣見², 近藤 昌夫², 竹田 浩之¹ (¹愛媛大・PROS, ²阪大院・薬)

1PW1-06-5	[16:37]
基礎研究から創薬プロセスへの一歩を手厚く支援する共用研究基盤	
小島 宏建(東大・創薬機構)	
1PW1-06-6	[16:49]
シミュレーションとAIを組み合わせたインシリコ創薬	
本間 光貴(理化学研究所 生命機能科学研究センター)	
1PW1-06-7	[17:01]
生命科学データベースを接続したVaProSiによるデータ解析	
由良 敬 ^{1,2} (¹ 早大・先進理工・生命医科, ² お茶大・基幹・自然科学)	
Conclusion	[17:13]

1PW1-07 第7会場(3階 313+314)	15:45-17:15 [J]
進むDNA複製フォークの研究: ゲノム恒常性維持の課題と解決	
オーガナイザー: 鐘巻 将人(国立遺伝学研究所) 吉田 和真(九州大学)	

Introduction **[15:45]**

1PW1-07-1 (2P-0080)	[15:51]
アーキア複製DNAポリメラーゼのDNA校正反応におけるPCNAの役割	
西田 洋一 ¹ , 白井 正敬 ¹ , 石野 園子 ² , 石野 良純 ² (¹ 日立・研開, ² 九大・院農・生命機能科学)	

1PW1-07-2	[16:03]
DNA複製バリアにおける複製フォークの停止機構	
日詰 光治 ^{1,2,3} , 遠藤 静子 ² , 村松 佐知子 ² , 小林 武彦 ⁴ , 荒木 弘之 ^{2,3} (¹ 埼玉医大・中央研究施設・RI部門, ² 遺伝研・微生物遺伝, ³ 総研大, ⁴ 東大・定量研)	

1PW1-07-3	[16:15]
DNA複製阻害時のDNA二重鎖切断修復機構の解明	
佐々木 真理子, 小林 武彦(東京大学定量生命科学研究所 ゲノム再生研究分野)	

1PW1-07-4	[16:27]
リピート配列におけるDNA-タンパク質複合体がヒト染色体上で誘導する複製ストレス応答の解析	
吉田 和真, 石本 理子, 都築 洋太, 松村 友輝, 比嘉 允宜, 松田 侑大, 杉本のぞみ, 藤田 雅俊(九大・院薬・医薬細胞生化学)	

1PW1-07-5	[16:39]
ゲノムの安定性を維持するためのヒトMCM8-9依存的な複製フォークの再生機構	
夏目 豊彰 ¹ , 西村 浩平 ² , Ian D Hickson ³ , 鐘巻 将人 ¹ (¹ 遺伝研・分子細胞工学/総研大・遺伝学, ² 阪大・生命機能, ³ Univ of Copenhagen)	

1PW1-07-6 (2P-0093)	[16:51]
食道上皮細胞におけるアセトアルデヒドに依存した複製ストレスの防御機構	
Jasmine Peake ¹ , Amber Theriault ¹ , Alyssa Duffy ¹ , Carly DeAntoneo ¹ , Baicheng Lin ¹ , 中川 裕 ² , 野口 英史 ¹ (¹ ドレクセル大学, ² ペンシルバニア大学)	

1PW1-07-7	[17:03]
がん遺伝子誘導性DNA複製ストレスに対するATR応答機構	
塩谷 文章, Marianne Mazevet, 倉島 公憲(国立がん研究センター研究所)	

1PW1-08 第8会場(3階 315)	15:45-17:15 [J]
アミノアシルtRNA合成酵素とtRNA研究の新展開 -「遺伝暗号の起源」50周年	
オーガナイザー: 田村 浩二(東京理科大学) 相馬 亜希子(千葉大学)	

Introduction **[15:45]**

1PW1-08-1 [15:47]

tRNAのL-アミノ酸特異的アミノアシル化の起源と分子メカニズム安藤 裕士^{1,2}, 田村 浩二^{2,3}(¹東京理科大・基礎工・電子応用工, ²東京理科大・総研, ³東京理科大・基礎工・生物工)

1PW1-08-2 [16:01]

どンドン見つかる例外的な遺伝暗号

向井 崇人(立教大学理学部生命理学科)

1PW1-08-3 [16:19]

植物オルガネラにおけるtRNAとARSレパートリー

相馬 亜希子, 佐野 光(千葉大・園芸学研究所)

1PW1-08-4 [16:33]

ピロリシルtRNA合成酵素の構造生物学: 様々な非天然型アミノ酸を割り当てる遺伝暗号拡張の構造基盤柳沢 達男^{1,4}, 倉谷 光央¹, 関 英子^{1,5}, 樋野 展正³, 坂本 健作^{2,4}, 横山 茂之^{1,5}(¹理研・横山構造生物学研, ²理研・CLST, ³阪大院・薬, ⁴理研・BDR, ⁵理研・横山特別研)

1PW1-08-5 (2P-0033) [16:51]

アミノアシルtRNA合成酵素の新規機能の探索若杉 桂輔^{1,2}, 宮ノ腰 美希¹, 横沢 匠²(¹東大・院総合文化・生命環境, ²東大・院理・生物科学)

Conclusion [17:09]

1PW1-09 第9会場(4階411+412)

15:45-17:15 [J]

核-細胞質間輸送関連因子に関わる多様な生命現象

オーガナイザー: 小瀬 真吾(理化学研究所)

岡 正啓(医薬基盤・健康・栄養研究所)

Introduction [15:45]

1PW1-09-1 [15:48]

分子シャペロンHSP70の核内輸送運搬体Hikeshi: その輸送機構と生理機能について

小瀬 真吾, 今本 尚子(理研・開拓研究本部・今本細胞核機能)

1PW1-09-2 [16:00]

核輸送因子importin α ファミリーによる細胞運命決定機構安原 徳子¹, 地引 和也², 浅野 僚二², 前原 一満³, 仙波 雄一郎³, 胡桃坂 仁志⁴, 大川 恭行³, 木村 宏⁵(¹日本大学文理学部生命科学科, ²日本大学大学院総合基礎科学研究科相関理化学, ³九州大学生体防御医学研究所附属トランスオミクス医学研究センター, ⁴東京大学定量生命科学研究所, ⁵東京工業大学科学技術創成研究院細胞制御工学研究センター)

1PW1-09-3 [16:12]

核-細胞質間輸送ダイナミクスによる高等植物の環境応答機構

田村 謙太郎(静岡県大・食品・環境生命)

1PW1-09-4 (1P-0229) [16:24]

分裂酵母に特異的な核膜孔複合体の構造と機能浅川 東彦¹, 梶谷 知子^{2,3}, 楊 恵¹, 大槻 千鶴¹, 小坂田 裕子², 松田 厚志^{2,1}, 岩本 政明², 近重 裕次^{2,5}, 高木 尚充⁴, 長尾 恒治^{4,5}, 小布施 力史^{4,5}, 平岡 泰^{1,2,5}, 原口 徳子^{2,1,5}(¹阪大・院生命, ²情報通信研・未来ICT, ³日本女子大・理, ⁴北大・生命, ⁵阪大・院理)

1PW1-09-5 [16:36]

核膜孔複合体内部の選択的バリア形成におけるタンパク質相分離の役割

小西 秀明, 吉村 成弘(京大院・生命)

1PW1-09-6 (1P-0271) [16:48]

細胞がん化は核内プロテアソームの発現量を減弱させる木藤 有紀¹, 松本 雅記², 押川 清孝¹, 中山 敬一¹(¹九大・生医研・分子医科学, ²九大・生医研・プロテオミクス)

1PW1-09-7 [17:00]

異所的な核膜孔構成因子-核輸送因子の相互作用がもたらす遺伝子発現異常

岡 正啓(医薬基盤・健康・栄養研究所)

Conclusion	[17:12]
1PW1-10 第10会場(4階413) 哺乳動物胚発生研究の新展開 オーガナイザー：相賀 裕美子(国立遺伝学研究所) 松尾 勲(大阪母子医療センター)	15:45-17:15 [J]
1PW1-10-1 着床過程における胚と子宮内膜の相互作用 金井 正美(東京医科歯科大学・実験動物センター)	[15:45]
1PW1-10-2 マウス着床後胚におけるライヘルト膜の力学的機能の解析 上田 陽子, 吉田 千春, 爪 麻美, 持田 京子, 松尾 勲(大阪母子医療センター研究所・病因病態部門)	[16:00]
1PW1-10-3 (2P-0449) 1細胞RNA-seq解析を用いた体細胞クローン胚由来TS細胞に特異的な発現変動遺伝子の探索 羽田 政司 ¹ , 廣瀬 美智子 ¹ , 上村 悟氏 ² , 小倉 淳郎 ¹ (¹ 理研BRC, ² 放医研)	[16:15]
1PW1-10-4 (2P-0388) FGFシグナルによる、細胞表面fluctuationで起こる初期胚の細胞分離機構 柳田 純加 ^{1,2} , Christopher Revell ³ , Giuliano G Stirparo ¹ , Sarra Achouri ^{1,2} , Davide A.D Cassani ⁴ , Raphael Blumenfeld ^{3,5} , Kristian Franze ⁶ , Ewa K Paluch ⁴ , Jennifer Nichols ^{1,2,6} , Kevin J Chalut ^{1,3} (¹ ケンブリッジ大学・幹細胞研究所, ² ケンブリッジ大学・トロフォプラスト研究所, ³ ケンブリッジ大学・物理学科, ⁴ UCL・分子細胞生物学研究所, ⁵ インベリアル・カレッジ・ロンドン・地球科学&工学科, ⁶ ケンブリッジ大学・生理/発生/神経 学科)	[16:30]
1PW1-10-5 (2P-0415) レトロトランスポゾン由来 <i>Peg10</i> 遺伝子のプロテアーゼ活性は胎盤の血管構造維持に必須である 志浦 寛相 ^{1,2} , 小野 竜一 ³ , 立花 沙織 ² , 田中 希弥 ² , 金児-石野 知子 ⁴ , 石野 史敏 ² (¹ 山梨大学 生命環境学域, ² 東京医科歯科大学 難治疾患研究所, ³ 国立医薬品食品衛生研究所, ⁴ 東海大学 健康科学)	[16:45]
1PW1-10-6 マウス生殖細胞の性分化を制御するシグナル系 相賀 裕美子(国立遺伝学研究所)	[17:00]
1PW1-11 第11会場(4階414+415) 生命機能を利用した新しいエネルギー生産 —生命科学の産業応用に向けて— オーガナイザー：美川 務(理化学研究所)	15:45-17:15 [J]
1PW1-11-1 実用化に向けたバイオ燃料電池の高出力・高容量化 美川 務(理研・BDR)	[15:45]
1PW1-11-2 印刷型ウェアラブルバイオ燃料電池/バイオセンサを用いた体液中成分のリアルタイムモニタリング 四反田 功(東京理科大学理工学部先端化学科)	[16:03]
1PW1-11-3 シビレエイ発電器官を利用した発電機 田中 陽(理化学研究所)	[16:27]
1PW1-11-4 深海熱水噴出孔：天然における化学物質製造プラント 中村 龍平(東京工業大学 地球生命研究所)	[16:51]

1PW1-12 第12会場(4階 416+417)	15:45-17:15 [J]
普遍性を志向した研究	
オーガナイザー：堀越 正美(東京大学) 関 政幸(東北医科薬科大学)	
Introduction	[15:45]
1PW1-12-1	[15:50]
転写制御指令書の文法を求めて	
中井 謙太(東大・医科研)	
1PW1-12-2	[16:15]
ヒストン残基レベルの情報統合から見えてくる基本原理	
関 政幸 ¹ , 長谷川 恭子 ² , 中林 悠 ¹ , 堀越 正美 ² (¹ 東北医薬大・薬, ² 東大・定量研)	
1PW1-12-3 (2P-0169)	[16:40]
オリゴヌクレオチドの位置関係と畳み込みニューラルネットワークを利用したプロモーター配列の解析	
青砥 早希 ¹ , 岡村 浩司 ² (¹ 成育医療セ・メディカルゲノム, ² 成育医療セ・システム医学)	
1PW1-12-4	[16:50]
真核生物における転写システムの複雑さの確立におけるTATAボックス結合因子の先導的役割	
堀越 正美(東大・定量研)	
1PW1-13 第13会場(4階 418)	15:45-17:15 [J]
鉄と活性酸素種が操る生命現象の解明とその制御に向けた新展開	
オーガナイザー：永野 修(慶應義塾大学) 杉浦 麗子(近畿大学)	
Introduction	[15:45]
1PW1-13-1 (2P-0656)	[15:48]
Regnase-1は鉄代謝関連のmRNAを分解することで鉄恒常性を維持する	
吉永 正憲, 三野 享史, 竹内 理(京都大学ウイルス・再生医科学研究所)	
1PW1-13-2 (3P-0608)	[16:01]
分泌型ヘムタンパク質Neudesin遺伝子欠損マウスは赤血球代謝亢進と脾臓における貯蔵鉄減少を示す	
中山 喜明 ¹ , 土居 晃平 ¹ , 榎林 桃子 ¹ , 石垣 大地 ¹ , 中牟田 綾佳 ¹ , 松井 佑莉 ¹ , 迎 武紘 ¹ , 増田 有紀 ¹ , 伊藤 信行 ² , 小西 守周 ¹ (¹ 神戸薬科大学微生物化学研究室, ² 京都大学大学院薬学研究所)	
1PW1-13-3	[16:14]
ユビキチンリガーゼFBXL5による鉄代謝制御とその破綻	
武藤 義治 ^{1,2,3} , 中山 敬一 ¹ (¹ 九大・生医研・分子医科学, ² ワシントン大・腎臓内科, ³ 九大・病態機能内科・腎研)	
1PW1-13-4	[16:30]
鉄によるミトコンドリア傷害とその疾患への関与	
岩井 一宏, 武田 有紀子(京都大学・大学院医学研究科・細胞機能制御学)	
1PW1-13-5	[16:46]
免疫調節薬を超えて：フィンゴリモド (FTY720)の細胞死誘導機構における酸化ストレスと鉄ホメオスタシスの関わり	
杉浦 麗子(近大・院薬・創薬科学)	
1PW1-13-6	[16:59]
癌細胞に鉄依存性細胞死を誘導するxCT標的治療とその抵抗性を克服する薬剤の探索	
永野 修(慶應大・医・先端研・遺伝子制御)	

1PW1-14 第14会場(4階 419) 15:45-17:15 [J]

新たな技術がもたらすがん治療難治性の克服にむけた新しいアプローチ

オーガナイザー：岡本 康司(国立がん研究センター研究所)
井上 聡(東京都健康長寿医療センター研究所)

1PW1-14-1 [15:45]

子宮内膜がんにおけるミトコンドリア呼吸鎖超複合体の役割と患者由来三次元培養モデルを用いた解析

池田 和博¹, 堀江 公仁子¹, 井上 聡^{1,2}(¹埼玉医科大学・ゲノム医学研究センター・遺伝子情報制御部門, ²東京都健康長寿医療センター研究所・老化制御・システム加齢医学研究)

1PW1-14-2 (2P-0092) [15:57]

MCM10は複製ストレスへの迅速な対処を促すことで乳がん幹細胞を維持する

村山 貴彦¹, 西村 建徳², 矢野 正雄³, 笹原 麻子⁴, 多田 敬一郎⁴, 東條 有伸¹, 後藤 典子²(¹東大・医科研・分子療法, ²金大・がん進展制御・分子病態, ³南町田病院・外科, ⁴東大・乳腺内分泌外科)

1PW1-14-3 (3P-0785) [16:09]

高感度発光イメージングによる腫瘍内間質細胞のHIF活性可視化による免疫抑制機構の解明

平野 龍一郎¹, 宮原 瞳¹, 門之園 哲哉¹, 口丸 高弘², 渡邊 仁美³, 近藤 玄³, 近藤 科江¹(¹東京工業大学 生命理工学院 ライフエンジニアリングコース, ²自治医科大学 分子病態治療研究センター 分子病態研究部, ³京都大学 ウイルス・再生医学研究所 統合生体プロセス分野)

1PW1-14-4 [16:18]

統合的ゲノム解析により同定されたアンドロゲン受容体標的遺伝子COBLL1を介した前立腺癌の悪化機構の同定

高山 賢一, 井上 聡(東京都健康長寿医療センター研究所 老化制御)

1PW1-14-5 [16:30]

乳がんの三次元培養とPDXを用いたがん幹細胞制御機構解明へのアプローチ

後藤 典子(金沢大学がん進展制御研究所 分子病態)

1PW1-14-6 [16:42]

がん三次元培養及びPDXモデルを用いたシングルセル解析によるがん組織多様性の解明

岡本 康司(国立がん研究センター 研究所・がん分化制御解析分野)

1PW1-14-7 (2P-0634) [16:54]

動物個体を用いた新規創薬基盤

園下 将大^{1,2}, Ross Cagan², Arvin Dar³(¹北大・遺制研・がん制御, ²マウントサイナイ医大・発生再生, ³マウントサイナイ医大・腫瘍科学)

1PW1-14-8 [17:03]

Epigenetic regulators Bmi1 and Sox2 in therapeutic resistance to anti-androgen therapy

Sarki A Abdulkadir, Young A Yoo (Dept of Urology and Pathology, Northwestern University Chicago)

1PW-15 第15会場(5階 501) 15:45-17:45 [J]

がん免疫細胞の代謝競合

オーガナイザー：曾我 朋義(慶應義塾大学)
本橋 ほづみ(東北大学)

1PW-15-1 [15:45]

がん組織の代謝制御機構

曾我 朋義^{1,2}(¹慶應義塾大学先端生命科学研究所, ²AMED-CREST)

1PW-15-2 (2P-0576) [16:07]

パルミトイル-L-カルニチンは大腸がん細胞株においてアポトーシスを誘導し、浸潤を抑制する

小又 樹広¹, 山岸 直子², 高山 善晴¹(¹農研機構・畜産研究部門・畜産物研究領域・畜産物機能ユニット, ²和歌山県立医大・医・解剖第一)

1PW-15-3 (1P-0616) [16:23]

CD146は大腸がん細胞の転移特性および抗腫瘍免疫に寄与する

山崎 拓実, 加藤 和則(東洋大学大学院・理工・生体医工)

1PW-15-4	[16:39]
レドックスと代謝変化による癌免疫研究 鶴殿 平一郎, 西田 充香子, 榮川 伸吾, 國定 勇希, 上原 健敬(岡山大学大学院医歯薬学総合研究科 免疫学分野)	
1PW-15-5	[17:01]
転写因子NRF2が制御する生体防御とがんの悪性化 本橋 ほづみ ¹ , 井田 智章 ² , Md. Morshedul Alam ¹ , 北村 大志 ¹ , 赤池 孝章 ² (¹ 東北大学加齢医学研究所, ² 東北大学大学院医学系研究科)	
1PW-15-6	[17:23]
免疫代謝制御によるがん免疫治療の増強効果 茶本 健司(京都大学大学院医学研究科免疫ゲノム医学講座)	
1PW-16 第16会場(5階 502)	15:45-17:45 [J]
共催：新学術領域研究「酸素生物学」 生物の生存戦略としての活動抑制・休眠 オーガナイザー：井上 正宏(京都大学) 後藤 由季子(東京大学)	
Introduction	[15:45]
1PW-16-1	[15:48]
種子の休眠と寿命 瀬尾 光範 ¹ , 佐野 直人 ^{1,2,3} , Helen M North ³ (¹ 理研・環境資源科学研究センター, ² 日本学術振興会海外特別研究員, ³ Institut Jean-Pierre Bourgin, INRA, AgroParisTech, CNRS, Université Paris-Saclay)	
1PW-16-2 (2P-0250)	[16:06]
分裂酵母の休止状態への移行にはサイクリン依存性キナーゼが必要である 清田 由紀, 平岡 幹章, 野津 裕佑, 山本 歩(静大院・総合科学・理)	
1PW-16-3	[16:21]
老化・がん化耐性菌類ハダカデバネズミの代謝制御と疾患との関わり 岡 香織 ¹ , 大岩 祐基 ¹ , 河村 佳見 ¹ , 杉浦 悠毅 ² , 南嶋 洋司 ³ , 末松 誠 ² , 上原 ひかる ⁴ , 松田 史生 ⁴ , 和氣 正樹 ⁵ , 武田 憲彦 ⁵ , 城戸 康年 ⁶ , 稲岡 健 ⁷ , 北 潔 ⁷ , 三浦 恭子 ¹ (¹ 熊大・老化/健康長寿, ² 慶大・医・医化学, ³ 九大・生医研・分子医科学, ⁴ 阪大・情報・バイオ情報, ⁵ 東大・医・循環器, ⁶ 大分大・医・環境予防, ⁷ 長崎大・熱帯医学)	
1PW-16-4 (3P-0673)	[16:39]
冬眠する哺乳類シリアンハムスターの細胞自律的な低温耐性 姉川 大輔 ^{1,2} , 茶山 由一 ² , 安藤 理沙 ² , 秦井 宙輝 ² , 重信 秀治 ³ , 佐藤 佑哉 ² , 三浦 正幸 ² , 山口 良文 ¹ (¹ 北大・低温研・冬眠, ² 東大・院薬・遺伝学, ³ 基生研)	
1PW-16-5 (2P-0490)	[16:54]
マウスdaily torporを制御する視床下部背内側部GABA作動性神経 山口 裕嗣, Luis de Lecea (スタンフォード大学)	
1PW-16-6	[17:09]
癌の生存戦略としての休眠状態の誘導 遠藤 洋子 ¹ , 近藤 純平 ² , 井上 正宏 ² (¹ 大阪国際がんセンター・分子細胞生物学, ² 京大・院医・クリニカルバイオリソース研)	
1PW-16-7	[17:27]
胎生期神経系前駆細胞の運命決定における細胞周期制御因子p57の機能解析 原田 雄仁, 川口 大地, 後藤 由季子(東京大学薬学系研究科)	

1PW-17 第17会場(5階 503)	15:45-17:45 [J/E]
まだまだオモロイ生き物の分子生物学 オーガナイザー：三浦 恭子(熊本大学) 山口 良文(北海道大学)	
1PW-17-1	[15:45]
最長寿・がん化耐性・真社会性齧歯類ハダカデバネズミ 三浦 恭子 ^{1,2} (熊本大学 大学院生命科学研究所 老化・健康長寿学分野/大学院先導機構, ² 熊本大学 健康長寿代謝制御研究センター)	
1PW-17-2	[16:03]
X-midge: cell and tissue-specific genetic mechanisms to cope with complete desiccation in a unique insect Oleg Gusev ^{1,2} (KFU-RIKEN Translational Genomics Unit, Cluster for Science, Tech Innov Hub, RIKEN, ² IFMB, Kazan Federal Univ)	
1PW-17-3	[16:21]
地球生命(圏)の限界は何によって支配されているか？ 高井 研(海洋研究開発機構 深海・地殻内生物圏研究分野)	
1PW-17-4 (2P-0384)	[16:39]
新奇“捕食性”バクテリアのゲノム解析から見えてきた原核生物の捕食性への適応進化 鈴木 重勝 ¹ , 白鳥 峻志 ² , 柿澤 侑花子 ³ , 石田 健一郎 ⁴ (¹ 国立環境研, ² 海洋機構, ³ 筑波大・院・生命環境, ⁴ 筑波大・生命環境系)	
1PW-17-5 (2P-0499)	[16:54]
線虫を食べる線虫における捕食行動の神経制御メカニズム 奥村 美紗子 ¹ , 井下 結葵 ¹ , Ralf J Sommer ² , 千原 崇裕 ¹ (¹ 広大・院理・生物科学, ² マックス・プランク研究所・進化生物)	
1PW-17-6	[17:09]
生後能力発達に影響する「生まれ」と「育ち」 安部 健太郎(東北大学 大学院生命科学研究所)	
1PW-17-7	[17:27]
シリアンハムスターの冬眠生活環と連動した遺伝子発現変化 山口 良文(北大・低温研・冬眠)	
1PW1-18 第18会場(5階 511+512)	15:45-17:15 [J/E]
疾患克服バイオロジー：「若さ」と「老い」から探る疾患の発症原理 オーガナイザー：中林 一彦(国立成育医療研究センター) 宮戸 健二(国立成育医療研究センター)	
Introduction [15:45]	
1PW1-18-1	[15:46]
ヒト常在細菌叢の視点からの“若さ”と“老い” 中村 昇太(大阪大学微生物病研究所)	
1PW1-18-2	[16:04]
初期化因子の発現レベルが及ぼすiPS細胞における分化指向性の変化 田口 純平 ^{1,2} , 柴田 博史 ² , 加藤 雅紀 ³ , 田中 彰人 ² , 太田 翔 ¹ , 鶴飼 智代 ¹ , 光永 佳奈枝 ² , 山田 洋介 ² , 大西 紘太郎 ² , Woltjen Knut ² , 眞貝 洋一 ³ , 山本 拓也 ² , 山田 泰広 ¹ (¹ 東大・医科研・先進病態モデル, ² 京大・CiRA, ³ 理研・細胞記憶)	
1PW1-18-3	[16:22]
神経芽腫におけるエピジェネティック修飾を介した細胞分化回避機構 竹信 尚典 ¹ , 杉野 隆一 ¹ , 大平 美紀 ¹ , 上條 岳彦 ^{1,2} (¹ 埼玉県立がんセンター・臨牀腫瘍研究所, ² 埼玉大学理工学研究科・分子腫瘍学)	
1PW1-18-4 (1P-0303)	[16:40]
Hyperinsulinemia promotes tumorigenesis by abrogating cell competition Yuya Sanaki, Daisuke Kizawa, Tatsushi Igaki (Grad. Sch. of Biostudies, Kyoto Univ.)	

1PW1-18-5 [16:56]

ゲノム不安定性が引き起こす加齢性皮膚疾患の分子病態解析

久保 亮治¹, 藤田 春美², 佐々木 貴史³, 中林 一彦⁴, 宮本 達雄⁵, 小崎 健次郎⁶ (¹慶應義塾大学医学部皮膚科, ²慶應義塾大学医学部コースー寄附講座, ³慶應義塾大学医学部百寿総合研究センター, ⁴国立成育医療研究センター周産期病態研究部, ⁵広島大学原爆放射線医学研究所放射線ゲノム疾患, ⁶慶應義塾大学医学部臨床遺伝学センター)

Conclusion [17:14]

1PW2-02 第2会場(3階301) 17:30-19:00 [J]

【日本分子生物学会・日本生態学会合同企画】 分子生物学×生態学：生物学を原点に回帰する

オーガナイザー：杉本 亜砂子(東北大学)

占部 城太郎(東北大学)

Introduction [17:30]

1PW2-02-1 [17:34]

抑制型ヒストン修飾H3K27me3におけるエピジェネティックランドスケープの季節変化

工藤 洋(京都大学・生態学研究センター)

1PW2-02-2 [17:53]

頑健な代謝制御システムが支えるショウジョウバエ広食性種の栄養環境への適応

服部 佑佳子¹, 渡辺 佳織¹, 金岡 泰哲¹, 水谷 祥子¹, 内山 博充², 矢嶋 俊介^{2,3}, 和多田 正義¹, 上村 匡^{1,5} (¹京都大学大学院生命科学研究科, ²東京農薬大学生物資源ゲノム解析センター, ³東京農薬大学バイオサイエンス学科, ⁴愛媛大学大学院理工学研究科, ⁵AMED-CREST)

1PW2-02-3 [18:12]

クマムシ乾眠機構の適応と進化

荒川 和晴^{1,2} (¹慶大・先端生命, ²慶大・環境情報)

1PW2-02-4 [18:31]

環境DNA：微生物からマクロ生物へ

源 利文(神戸大学大学院人間発達環境学研究所)

総合討論 [18:50]

1PW2-03 第3会場(3階302) 17:30-19:00 [J]

組織恒常性のフレキシビリティ低下と加齢関連疾患

オーガナイザー：尾池 雄一(熊本大学)

真鍋 一郎(千葉大学)

1PW2-03-1 [17:30]

組織恒常性における「免疫-代謝」連関

大石 由美子(日本医大・生化学)

1PW2-03-2 [17:50]

骨格筋のインスリン・Aktシグナルによる代謝・老化制御

植木 浩二郎(国立国際医療研究センター研究所)

1PW2-03-3 [18:10]

アンジオポエチン様因子2シグナルによる加齢関連疾患の発症・進展の分子機構

門松 毅, 尾池 雄一(熊本大学 大学院生命科学研究部 分子遺伝学分野)

1PW2-03-4 [18:30]

加齢により発症するトランスサイレチンアミロイドーシスの病態解析

植田 光晴¹, 安東 由喜雄² (¹熊本大学 医学部附属病院 脳神経内科, ²熊本大学 大学院生命科学研究部 脳神経内科学)

1PW2-03-5 (3P-0786)	[18:50]
新規イメージング技術による線維化の定量的・経時的解析	
三輪 佳宏 ¹ , 森 夕海 ² , 田中 順子 ¹ , 逆井 智貴 ³ , 水野 聖哉 ^{1,2} , 杉山 文博 ^{1,2} , 高橋 智 ^{1,2} (筑波大・医, ² 筑波大・実験動物セ, ³ 筑波大・人間総合)	
1PW2-04 第4会場(3階303)	17:30-19:00 [J/E]
後援：新学術領域研究「細胞社会ダイバーシティの統合的解明と制御」	
異分野融合で切り拓く細胞ダイバーシティ —若手研究者が挑む統合解析アプローチ—	
オーガナイザー：中戸 隆一郎(東京大学) 片山 量平(がん研究会)	
Introduction	[17:30]
1PW2-04-1	[17:31]
数理科学的手法を取り入れた1細胞RNA-seqデータの統合的解析への取り組み	
林 寛敦 ¹ , 川崎 秀二 ² , 仲嶋 なつ ¹ , 中戸 隆一郎 ¹ , 秋山 徹 ¹ (東大・定量研, ² 岩手大・理工)	
1PW2-04-2	[17:43]
シングルセルRNA-seqのためのデータ高感度化及び数理モデリング手法の開発	
中戸 隆一郎(東京大学)	
1PW2-04-3	[17:55]
多細胞システムの状態定義・分離を目指す技術開発	
洲崎 悦生 ^{1,2,3} (¹ 東京大学大学院医学系研究科システムズ薬理学教室, ² 科学技術振興機構さきかけ, ³ 理化学研究所生命機能科学研究センター合成生物学研究チーム)	
1PW2-04-4 (1P-0095)	[18:07]
An automated system for combining single-cell RNA-seq with live cell imaging	
Taisaku Ogawa ¹ , Tomokatsu Ikawa ^{2,3} , Katsuyuki Shiroguchi ^{1,3,4} (¹ RIKEN BDR, ² RIBS, Tokoyo Univ of Sci, ³ RIKEN IMS, ⁴ JST PRESTO)	
1PW2-04-5	[18:19]
ショウジョウバエ腸管の生理的および病態変化における細胞ダイバーシティの理解に向けて	
中嶋 悠一郎 ^{1,2} , 長谷川 景太 ² , 田中 芳音 ² , 倉永 英里奈 ² (¹ 東北大学学際科学フロンティア研究所, ² 東北大学大学院生命科学研究所)	
1PW2-04-6 (2P-0467)	[18:31]
数理モデリングと遺伝学的解析による「分化の波」進行現象の理解	
八杉 徹雄 ¹ , 田中 吉太郎 ² , 長山 雅晴 ³ , 柴 伸一郎 ⁴ , 佐藤 純 ¹ (¹ 金沢大学・新学術創成研究機構, ² はこだて未来大学・複雑系知能, ³ 北大・電子科学研究所, ⁴ 北大・大学院・理学研究院)	
1PW2-04-7	[18:43]
骨髄球バイパスを含む造血システムの数理モデル	
岩見 真吾(九州大学大学院理学研究院生物科学部門数理生物学研究室)	
Conclusion	[18:55]
1PW2-05 第5会場(3階304)	17:30-19:00 [J]
後援：ナショナルバイオリソースプロジェクト	
生物種横断的研究の進展とバイオリソースの役割	
オーガナイザー：浅川 和秀(国立遺伝学研究所) 川本 祥子(国立遺伝学研究所)	
Introduction	[17:30]

1PW2-05-1 [17:33]

害虫の行動制御-モデル植物から作物への応用-安部 洋¹, 櫻井 民人², 大矢 武志³, 松浦 昌平⁴, 富高 保弘², 三富 正明⁵, 梅村 賢司⁶, 腰山 雅巳⁶, 津田 新哉², 小林 正智¹(理化学研究所バイオリソース研究センター, ²中央農業総合研究センター, ³神奈川農林技術センター, ⁴広島県立総合技術研究所, ⁵Meiji Seikaファルマ社, ⁶日本ゼオン社)

1PW2-05-2 [17:47]

メダカとゼブラフィッシュにおける色素細胞の比較発生学橋本 寿史¹, 成瀬 清¹(名古屋大学 生物機能開発利用研究センター, ²基礎生物学研究所)

1PW2-05-3 (2P-0417) [18:01]

脊椎動物における心臓再生能力を制御するホルモンの解析廣瀬 健太郎¹, Alexander Y Payumo¹, Stephen Cutie¹, Alison Hoang¹, Hao Zhang¹, Dominic Lunn¹, Rachel B Bigley¹, Hongyao Yu², Jiajia Wang², Megan Smith¹, Ellen Gillett¹, Sandra Muroy³, Emily Wilson¹, Kenneth A Field⁴, DeeAnn M Reeder⁵, Malcom Maden¹, Michael M Yartsev⁵, Frank Grutzner¹, Thomas S Scanlan⁵, Frederic Flamant⁶, Rochelle Buffenstein³, Guang Hu², Jeffrey E Olgin¹, Guo N Huang¹(¹UCSF CVRI, ²National Institute of Environmental Health Sciences, ³Calico Life Sciences, ⁴アデレード大学, ⁵UCB, ⁶バックネル大学, ⁷フロリダ大学, ⁸オレゴンヘルス&サイエンス大学, ⁹クロード・ベルナル・リヨン1大学)

1PW2-05-4 [18:15]

ネッタイツメガエルやメダカから得る造血システムの多様性と普遍性の知見加藤 尚志^{1,2}, 佐藤 圭^{1,2}(¹早大・院先進理工・生命理工, ²早大・教育・理・生物学)

1PW2-05-5 [18:29]

光刺激によるTDP-43分子間相互作用の増強は、細胞質局在化を促進し、脊髄運動ニューロンの軸索伸長を阻害する浅川 和秀^{1,2}, 川上 浩一^{1,2}(¹遺伝研・初期発生, ²総研大・遺伝学)

1PW2-05-6 [18:43]

高次生命現象の理解、人の健康増進と病克服のマウスモデル

吉木 淳(理化学研究所バイオリソース研究センター)

Conclusion [18:57]

1PW2-06 第6会場(3階311+312) 17:30-19:00 [J]

生殖系列の突然変異は、どのようにして発生するのか？オーガナイザー：内村 有邦(放射線影響研究所)
大野 みずき(九州大学)

Introduction [17:30]

1PW2-06-1 [17:33]

生殖細胞ゲノム変異の発生原因と遺伝情報維持を担う分子機構大野 みずき¹, 鷹野 典子¹, 作見 邦彦²(¹九大・院医・基礎放射線医学, ²九大・生医研・脳機能制御学)

1PW2-06-2 [17:50]

Whole genome sequencing and mutation rate analysis of trios with paternal dioxin exposureNguyen Dang Ton¹, Akihiro Fujimoto^{2,3}, Hidewaki Nakagawa⁴, Nong Van Hai¹(¹Institute of Genome Research, Vietnam Academy of Science and Technology, ²Department of Drug Discovery Medicine, Graduate School of Medicine, Kyoto University, ³Laboratory of Genome Sequencing Analysis, RIKEN Center for Integrative Medical Sciences)

1PW2-06-3 [18:07]

マウス生殖系列で発生するde novo変異から見る哺乳類ゲノムの進化内村 有邦^{1,2}, 樋口 真弓³, 水口 洋平³, 松本 拓高⁴, 若山 清香⁵, 若山 照彦⁵, 佐藤 康成¹, 福村 龍太郎⁶, 辻 隆弘¹, 今中 正明¹, 中本 芳子¹, 三浦 昭子¹, 権藤 洋一⁷, 豊田 敦³, 八木 健²(¹放射研・分子生物学部, ²阪大・生命機能, ³遺伝研, ⁴理研BDR, ⁵山梨大学・発生工学研究センター, ⁶理研BRC, ⁷東海大学医学部)

1PW2-06-4 (1P-0309) [18:24]

ショウジョウバエ生殖細胞におけるRecQ5ゲノム安定性維持機構について千場 和貴¹, 河村 香寿美^{1,3}, 高井 理², 田代(桜井) 晴奈³, 川崎 勝己¹(¹摂南大・理工・生命科学, ²摂南大・薬, ³京大・放生研)

1PW2-06-5	[18:41]
マウス生殖細胞系列突然変異の起源とほ乳類における遺伝的多様性維持機構	
榎藤 洋一(東海大・医・分子生命科学)	
総合討論	[18:58]

1PW2-07 第7会場(3階 313+314)	17:30-19:00 [J]
統合的転写マシナリーによる細胞機能制御	
オーガナイザー：秋山 智彦(慶應義塾大学)	
落合 恭子(東北大学)	

Introduction	[17:30]
--------------	---------

1PW2-07-1	[17:32]
転写因子結合DNAモチーフの多様性が制御する細胞分化	
落合 恭子(東北大学大学院医学系研究科生物化学分野)	

1PW2-07-2	[17:44]
公共ChIP-seqデータと疾患関連SNPの統合解析	
沖 真弥(九大・院医・発生再生医学)	

1PW2-07-3	[17:56]
細胞同一性を制御する転写因子	
升井 伸治 ^{1,2} (¹ 京大・iPS研・未来生命, ² 京府医大・院医・視覚機能)	

1PW2-07-4 (3P-0185)	[18:08]
ショウジョウバエ脳腫瘍抑制遺伝子 <i>lethal (3) malignant brain tumor</i> によるpiRNA因子転写制御機構の解明	
山本 瞳, 佐藤 薫, 塩見 美喜子(東大・院理・生物学)	

1PW2-07-5	[18:20]
マスター転写因子とヒストン脱メチル化酵素の関連性	
秋山 智彦(慶應義塾大学)	

1PW2-07-6	[18:32]
マウスにおける減数分裂の開始機構	
石黒 啓一郎(熊本大学発生医学研究所)	

1PW2-07-7	[18:44]
ヒストンH3K36メチル化酵素を介したB細胞のゲノム機能制御	
浦 聖恵(千葉大・理学院・生物)	

Conclusion	[18:56]
------------	---------

1PW2-08 第8会場(3階 315)	17:30-19:00 [J]
エピゲノムからみた人類の進化と疾患	
オーガナイザー：一柳 健司(名古屋大学)	
田嶋 敦(金沢大学)	

Introduction	[17:30]
--------------	---------

1PW2-08-1	[17:33]
ゲノムコホートにおける大規模エピゲノム研究	
小巻 翔平(岩手医科大学)	

1PW2-08-2	[17:51]
ヒトの表現型とエピゲノムの多様性	
中山 一大(東大・院新領域・先端生命)	

1PW2-08-3	[18:09]
アレル特異的クロマチン相互作用を介した疾患感受性領域の転写制御メカニズム解明	
中岡 博史(国立遺伝学研究所人類遺伝研究部門)	
1PW2-08-4	[18:27]
ヒト疾患エピゲノム解析における細胞サブタイプ推定の有用性	
鈴木 雅子(アルベルト・アインシュタイン医学校・遺伝)	
1PW2-08-5 (2P-0131)	[18:45]
特定の炎症性サイトカインの組み合わせはTET遺伝子の発現抑制及びDNMT活性化を介して異常DNAメチル化を誘発する	
竹島 秀幸, 丹羽 透, 若林 美香, 牛島 俊和(国立がん研究センター研究所エピゲノム解析分野)	
Conclusion	[18:58]
1PW2-09 第9会場(4階411+412)	17:30-19:00 [J]
生命科学のデータベース活用法2018	
オーガナイザー: 科学技術振興機構バイオサイエンスデータベースセンター (NBDC)	
Introduction	[17:30]
1PW2-09-1	[17:32]
KEGG NETWORK: 疾患に関連したネットワークバリエーションのデータベース	
金久 實(京都市大学化学研究所)	
1PW2-09-2	[17:43]
糖鎖関連生命情報を統合化するGlyCosmos Portalの構築	
塩田 正明 ¹ , 土屋 伸一郎 ¹ , 小野 多美子 ¹ , 李 宣明 ¹ , Thukaa Kuoka ¹ , 三浦 信明 ² , 平木 愛子 ² , 山田 一作 ² , 新町 大輔 ³ , 青木 博行 ³ , 金 進東 ⁴ , 渡邊 由 ⁵ , 奥田 修二郎 ⁵ , 鈴木 芳典 ⁶ , 藤田 典昭 ⁶ , 安形 清彦 ⁶ , 成松 久 ⁶ , 木下 聖子 ¹ (¹ 創価大・理工, ² 野口研, ³ SparqLite, ⁴ DBCLS, ⁵ 新潟大院・医歯, ⁶ 産総研・創薬基盤)	
1PW2-09-3	[17:54]
Protein Data Bank Japan (PDBj)の紹介とProtein Data Bank (PDB)の活用法	
栗栖 源嗣(阪大・蛋白研)	
1PW2-09-4	[18:05]
メタボロームリポジトリの設計と機能	
有田 正規 ¹ , 金谷 重彦 ³ , 櫻井 望 ¹ , 平川 英樹 ¹ , 福島 敦史 ² (¹ 国立遺伝学研究所, ² 理研 環境資源科学研究セ, ³ 奈良先端科学技術大学院大学, ⁴ かずさDNA研究所)	
1PW2-09-5	[18:16]
植物ゲノム情報統合ポータルサイトPlant GARDENの構築	
平川 英樹 ¹ , 原田 大士朗 ¹ , Andrea Ghelfi ¹ , Jeffrey Fawcett ¹ , 白澤 沙知子 ¹ , 市原 寿子 ² , 中谷 明弘 ² , 磯部 祥子 ¹ , 田畑 哲之 ¹ (¹ かずさDNA研究所, ² 大阪大学大学院医学系研究科)	
1PW2-09-6	[18:27]
微生物統合データベースMicrobeDB.jpの活用法	
森 宙史, 黒川 顕(国立遺伝学研究所生命情報研究センター)	
1PW2-09-7	[18:38]
公共のChIP-seqデータをフル活用できるChIP-Atlas	
本田 瑞沖, 沖 真弥(九州大学大学院医学研究院 発生再生医学分野)	
1PW2-09-8 (3P-0769)	[18:49]
SSBD: 細胞・発生画像情報と生命動態情報の統合データベース	
Kenneth H.L. Ho ¹ , 遠里 由佳子 ^{1,2} , 京田 耕司 ¹ , 糸賀 裕弥 ¹ , 大浪 修一 ¹ (¹ 国立研究開発法人理化学研究所生命機能科学研究センター発生動態研究チーム, ² 大阪電気通信大学情報通信工学部情報工学科)	

1PW2-10 第10会場(4階413) 17:30-19:00 [J]

運動器の恒常性と分泌因子シグナル

オーガナイザー：乾 雅史(明治大学)
早田 匡芳(東京理科大学)

1PW2-10-1 [17:30]

モルフォゲンの分布と活性化範囲を制御する2つのヘパラン硫酸クラスター

山元 孝佳^{1,2}, 三井 優輔³, 大塚 祐太², 平良 眞規^{2,4}(¹東大・院総文・広域科学・生命, ²東大・院理・生物科学, ³基生研, ⁴中央大・理工・生命科学)

1PW2-10-2 [17:40]

中内胚葉形成におけるzebrafish胚のNodalシグナル時間変化1細胞解析

近藤 晶子¹, 大沼 清², 野中 茂紀³, 亀井 保博³, 備瀬 竜馬⁴, 佐藤 洋一⁵, 橋本 敬一郎¹(¹藤田保健衛生大・総医研, ²長岡技科大・技学研究院, ³基生研, ⁴九大・システム情報, ⁵東大・生産研)

1PW2-10-3 [17:50]

胚パターンングにおけるFam46aのBMPシグナリング調節機構

道上 達男, 渡邊 朋子(東京大学大学院総合文化研究科)

1PW2-10-4 (2P-0354) [18:00]

C2C12筋管細胞における運動及び暑熱ストレスに応答したCXCL10発現の変化

石内 友里, 佐藤 圭, 藤沼 奈津季, 根建 拓(東洋大・生命科学)

1PW2-10-5 (1P-0570) [18:10]

若齢マウス血漿で高発現するmiRNAの筋細胞分化および筋再生における効果

福岡 聖之, 北條 浩彦(国立精神神経セ・神経研・神経薬理)

1PW2-10-6 [18:20]

骨格筋の恒常性の維持における長鎖非コードRNA *Myoparr*の機能解析

常陸 圭介, 土田 邦博(藤田保健衛生大学・総合医科学研究所・難病治療学研究部門)

1PW2-10-7 (1P-0402) [18:30]

マウス線維芽細胞増殖因子9のN143T変異は長管骨を太くする

原田 理代, 秋田 恵一(東京医科歯科大学大学院医歯学総合研究科臨床解剖学分野)

1PW2-10-8 [18:40]

TGF- β /BMPシグナル抑制分子Dullard/Ctdnep1の多彩な生理機能

早田 匡芳(東京理科大・薬・分子薬理)

1PW2-10-9 [18:50]

骨形成制御に関わるcAMP経路の標的分子と下流バランス

江面 陽一¹, 梶川 修平¹, 勝村 早恵^{1,3}, 白川 純平^{1,2}, 早田 匡芳⁴, 野田 政樹^{1,5}(¹医科歯科大・難研・骨分業, ²ベンシルバニア大, ³テキサス大サンアントニオ, ⁴東理大・薬・分業, ⁵横浜市立みなと赤十字病院)

1PW2-11 第11会場(4階414+415) 17:30-19:00 [J]

ネオ血管学が解き明かす、多様性に満ちた脈管系新世界

オーガナイザー：村松 昌(熊本大学)
木戸屋 浩康(大阪大学)

Introduction [17:30]

1PW2-11-1 [17:35]

急性骨髄性白血病におけるRUNX転写因子ファミリーと血管性ニッチ

森田 剣(ハーバード大学ダナ・ファーバー癌研究所)

1PW2-11-2 [17:51]

microRNA-ヒストン修飾による動脈硬化関連遺伝子の転写制御機構解析

東島 佳毅^{1,3}, 松井 佑介², 島村 徹平², 大坂 瑞子³, 吉田 雅幸³, 南学 正臣⁴, 和田 洋一郎⁵, 古川 哲史¹, 神吉 康晴⁵(¹東京医科歯科大・難治研・生体情報薬理, ²名大・院医・システム生物, ³東京医科歯科大・先進臨床医科学開発, ⁴東大・院医・腎内, ⁵東大・アイントープ総合センター)

1PW2-11-3	[18:07]
脳虚血病態におけるストレス応答性分子の保護的効果	
宝田 美佳 ¹ , 沖谷 なほ子 ¹ , 吉川 陽文 ² , 中田 光俊 ² , 堀 修 ¹ (¹ 金沢大学 医薬保健研究域医学系 神経解剖学, ² 金沢大学 医薬保健研究域医学系 脳神経外科)	
1PW2-11-4	[18:23]
リンパ管の形成過程や恒常性維持における転写因子・シグナル経路	
吉松 康裕(東京医科歯科大学 大学院医歯学総合研究科 硬組織病態生化学)	
1PW2-11-5	[18:39]
血管内皮細胞が産生するE-EVの生物学	
山本 誠士(富山大・院・病態・病理学講座)	
Conclusion	[18:55]

1PW2-12 第12会場(4階 416+417)	17:30-19:00 [J]
発生・内分泌を中心とした成育疾患の基礎生物学	
オーガナイザー: 荻野 由紀子(九州大学) 宮戸 真美(国立成育医療研究センター研究所)	

Introduction	[17:30]
---------------------	----------------

1PW2-12-1	[17:35]
メダカとその飼育方法を利用した糖尿病と合併症の研究へのアプローチ	
菅田 慎一(杏林大学医学部衛生学公衆衛生学教室)	

1PW2-12-2	[17:53]
頭部顔面形成異常と織毛病	
小松 義広(テキサス大学ヒューストン校・医学部・小児科)	

1PW2-12-3 (2P-0427)	[18:11]
ヒトiPS細胞由来腎臓ネフロン前駆細胞の増幅培養法の確立と病態再現への応用	
谷川 俊祐 ¹ , 賀来 祐介 ¹ , 長沼 英和 ¹ , 太口 敦博 ^{1,2} , 西中村 隆一 ¹ (¹ 熊大・発生研・腎臓発生, ² マックス・プランク研究所)	

1PW2-12-4	[18:23]
食虫目スンスを用いた消化管運動研究	
坂田 一郎, 坂井 貴文(埼玉大学大学院理工学研究科)	

1PW2-12-5	[18:41]
ヒト性分化関連遺伝子<i>POR1</i>は女性不妊症の原因となる	
齊藤 和毅 ^{1,2} (¹ 東京医科歯科大学大学院医歯学総合研究科茨城県小児周産期地域医療学講座, ² 国立成育医療研究センター研究所 分子内分泌研究部)	

Conclusion	[18:59]
-------------------	----------------

1PW2-13 第13会場(4階 418)	17:30-19:00 [J]
Notchシグナルによる組織構築のコンテキスト依存的な制御機構	
オーガナイザー: 山川 智子(大阪大学) 北川 元生(国際医療福祉大学)	

Introduction	[17:30]
---------------------	----------------

1PW2-13-1	[17:33]
Notchシグナルによる動的情報伝達の光制御と光計測	
磯村 彰宏 ^{1,2} (¹ JST さきがけ, ² 京大 ウイ・再生研)	

1PW2-13-2 **[17:47]**

O-結合型糖鎖は上皮増殖因子様リピートの安定性を変化させることによりNotchのトラフィックを制御する
 竹内 英之¹, Hongjun Yu², Huilin Hao³, 竹内 恵³, 伊藤 敦子³, 岡島 徹也¹, Huilin Li², Robert S. Haltiwanger³ (¹名大・院医・機能分子制御, ²ヴァン・アンデル研究所, ³ジョージア大学・複合糖質研究センター)

1PW2-13-3 **[18:01]**

Notch2 変異を介した骨粗鬆症病態の分子機構解明
 犬塚 博之(東北大・院歯・先端再生医学研究セ)

1PW2-13-4 **[18:15]**

小胞体調節因子、PecanexのNotchシグナル伝達とWntシグナル伝達における細胞型特異的な機能の解析
 山川 智子, 松野 健治(大阪大学大学院理学研究科)

1PW2-13-5 **[18:29]**

BCOR遺伝子のNotchシグナルを介したがん抑制遺伝子としての役割
 中島 やえ子(千葉大・医学研究院・細胞分子医学)

1PW2-13-6 (1P-0477) **[18:43]**

単細胞コンテキストにおけるNotchシグナリング
 青野 克俊¹, 菅 裕², 小出 尚史², 小西 博昭², 八木 俊樹², 國村 尚人³ (¹県立広島大・院・生命システム科学, ²県立広島大・生命環境, ³神大・科学技術イノベーション)

総合討論 **[18:57]**

Conclusion **[18:59]**

1PW2-14 第14会場(4階 419) **17:30-19:00 [J]**

ヒトiPS細胞を用いた発がん初期過程の解析

オーガナイザー：岡 素雅子(福岡歯科大学)
 安川 武宏(九州大学)

1PW2-14-1 **[17:30]**

酸化ストレスの起点としてのミトコンドリアとミトコンドリアゲノムの複製
 安川 武宏, 康 東天(九大・院医・臨床検査医学)

1PW2-14-2 **[17:48]**

ミトコンドリア呼吸鎖複合体不全によるヒトiPS細胞由来がん細胞モデル
 岡 素雅子¹, 林 道夫², 續 輝久¹, 関口 睦夫¹ (¹福岡歯科大学 先端科学研究センター, ²福岡歯科大学 生化学)

1PW2-14-3 (2P-0594) **[18:08]**

DNA修復とアポトーシス誘導を欠失したヒトiPS細胞における発がん初期過程の解析
 林 道夫¹, 岡 素雅子², 橋口 一成¹, 日高 真純³, 續 輝久², 梅津 桂子¹, 関口 睦夫¹ (¹福岡大・生化学, ²福岡大・先端科学, ³福岡大・細胞分子生物学)

1PW2-14-4 **[18:23]**

がん幹細胞モデルにおけるCpGアイランドの低メチル化とPI3K-Aktシグナルの活性化
 妹尾 昌治¹, Aung Ko Ko Oo², 妹尾 彬正¹, Maram Hussein Zaky Zahra¹, 岡田 宣宏¹, 岩崎 良章³ (¹岡山大学大学院ヘルスシステム統合科学研究科, ²マンダレー工科大学, ³岡山大学保健管理センター)

1PW2-14-5 **[18:43]**

ヒトiPS細胞を用いた再生医療における腫瘍化抑制戦略
 遠山 周吾(慶應義塾大学医学部)

1PW2-18 第18会場(5階 511+512) **17:30-19:00 [J]**

生物における自発的秩序形成

オーガナイザー：松野 健治(大阪大学)
 佐々木 伸雄(慶應義塾大学)

Introduction **[17:30]**

1PW2-18-1	[17:31]
アクチンとミオシンによる自発的な極性形成	
伊藤 光二 ¹ , 原口 武士 ¹ , 吉村 孝平 ¹ , 鯉江 信慶 ¹ , 富永 基樹 ² , 平塚 祐一 ³ (¹ 千葉大学・院理・生物学, ² 早稲田大・教育, ³ 北陸先端大・院・マテリアルサイエンス)	
1PW2-18-2	[17:45]
接触誘導型の追従運動と走化性の2つの集団運動による自己組織化	
藤森 太平, 中島 昭彦, 島田 奈央, 澤井 哲(東京大学 大学院総合文化研究科)	
1PW2-18-3 (2P-0266)	[17:59]
制御・計測・情報システムの高度融合による細胞集団形成における秩序の解明	
丸本 萌 ^{1,2} , 白石 大和 ^{1,3} , 山口 明日香 ^{1,4} , 萩原 将也 ¹ (¹ 大阪府大・NanoSquare拠点研究所, ² 大阪府大・院理・生物, ³ 大阪府大・院工・機械, ⁴ 大阪府大・自然・生物)	
1PW2-18-4	[18:07]
細胞の集団運動を表現するための自己駆動粒子系の数理モデル	
秋山 正和 ¹ , 須志田 隆道 ¹ , 森 暉 ³ , 石田 すみれ ³ , 古澤 和也 ² , 芳賀 永 ² (¹ 北海道大学 電子科学研究所, ² 北海道大学大学院 先端生命科学研究院, ³ 北海道大学大学院 生命科学院)	
1PW2-18-5 (1P-0393)	[18:21]
細胞間相互作用に基づいた多細胞集団の3次元的な形態の自己組織化の原理	
小山 宏史 ^{1,2} , 藤森 俊彦 ^{1,2} (¹ 基生研・初期発生, ² 総研大)	
1PW2-18-6	[18:29]
キラルな細胞変形によって駆動される組織自律的な内臓捻転の機構	
楠木 美紀子 ¹ , 大久保 明野 ¹ , 須志田 隆道 ² , 秋山 正和 ² , 井上 康博 ³ , 松野 健治 ¹ (¹ 阪大・院理・生物科学, ² 北大・電子科学, ³ 京大・ウイルス再生)	
1PW2-18-7	[18:43]
組織環境でのヒト大腸幹細胞の時空間ダイナミクスのモデリング	
杉本 真也, 太田 悠木, 金井 隆典, 佐藤 俊朗(慶大・医・消化器内科)	
Conclusion	[18:57]

第2日目11月29日(木)

2AW-04 Room 4 (3F 303) 9:00-11:00 [E]

Molecular and neural basis for appetite and food preferences

 Organizers : Hiroo Imai (Kyoto University)
 Tsutomu Sasaki (Gunma University)

2AW-04-1 [9:00]

Structural basis for recognition of preferable taste substances by T1r taste receptors

Atsuko Yamashita (Grad. Sch. Med. Dent. & Pharm. Sci., Okayama U.)

2AW-04-2 [9:24]

Molecular basis for food preferences in primates

Hiroo Imai (Primate Res Inst, Kyoto Univ)

2AW-04-3 (2P-0502) [9:48]

Gonadal maturation changes chemotaxis to a food-associated odorant and neural processing in *C. elegans*

Manabi Fujiwara, Hiroshi Wada, Takeshi Ishihara (Dept of Bio, Fac of Sci, Kyushu Univ)

2AW-04-4 [10:00]

Roles of orexin neurons in appetite, reward motivation and reward-based decision-making in rats

Hiroyuki Mizoguchi (Research Center for Next-Generation Drug Development, Research Institute of Environmental Medicine, Nagoya University)

2AW-04-5 [10:24]

Rare sugar D-Allulose releases GLP-1 and improves hyperphagic obesity and diabetes via <vagal afferent nerves-brain> axis

Yusaku Iwasaki (Graduate School of Life and Environmental Sciences, Kyoto Prefectural University)

2AW-04-6 (2P-0805) [10:48]

Identification of 12q24 locus associated with fish intake frequency by genome-wide meta-analysis in Japanese populations

 Maki Igarashi^{1,2}, Shun Nogawa³, Kaoru Kawafune³, Tsuyoshi Hachiya^{3,4}, Shoko Takahashi³, Kenji Saito³, Huijuan Jia¹, Hisanori Kato¹(¹Lab of Health Nutr, Dept of Appl Biol Chem, Univ of Tokyo, ²Dept of Mol Endocrinol, Natl Res Inst for Child Health and Dev, ³Genequest Inc, ⁴Genome Analytics Japan Inc)

2AW-06 Room 6 (3F 311+312) 9:00-11:00 [E]

Single-cell Analytical Technology & Its Application in Lifesciences, Update

 Organizers : Itoshi Nikaido (RIKEN)
 Hajime Mizuno (University of Shizuoka)

2AW-06-1 [9:00]

Single-cell full-length total RNA sequencing uncovers dynamics of recursive splicing and enhancer RNAs

Itoshi Nikaido (Laboratory for Bioinformatics Research, RIKEN Center for Biosystems Dynamics Research)

2AW-06-2 [9:15]

Challenge to Regeneration of Hair Cells in the Cochlea Sensory Epithelia by Single Cell Transcriptomics

 Tomoko Kita^{1,2}, Satoko Sakamoto¹, Mami Matsunaga², Akiko Hasegawa¹, Chihiro Okada¹, Takayuki Nakagawa², Akira Watanabe¹(¹Department of Life Science Frontiers, CiRA, Kyoto University, ²Department of Otolaryngology Head and Neck Surgery, Kyoto University Hospital)

2AW-06-3 [9:30]

Single cell epigenomics by super-resolution imaging

 Yasushi Okada^{1,2,3,4}(¹BDR, RIKEN, ²Dept Physics, Univ Tokyo, ³UBI, Univ Tokyo, ⁴IRCN, Univ Tokyo)

2AW-06-4 [9:45]

Development and improvement of "Live single-cell mass spectrometry" for metabolomics in a single cell

 Hajime Mizuno¹, Naohiro Tsuyama², Kenichiro Todoroki¹, Shinobu Kudoh³(¹Univ. of Shizuoka, ²Fukushima Medical Univ., ³Yokogawa Electric Co.)

2AW-06-5 [10:00]

Single cell analysis techniques and their application in drug discovery

Andy West, Carla Newman (Dept of Bioimaging, GSK)

2AW-06-6 [10:15]

Single cell analysis for circulating tumor cellsTakanori Harada¹, Yasmine Abouleila², Ahmed Ali², Nagisa Morihara¹, Yoko Hayashi¹, Shingo Kimura¹, Ai Nimura¹, Shoko Hirano¹, Fumiko Irisuna¹, Eiso Hiyama¹ (¹N-BARD, Hiroshima Univ, ²BDR, RIKEN)

2AW-06-7 (2P-0254) [10:30]

Manipulation of organelles heterogeneity using a microfluidic device toward single cell analysis

Ken-Ichi Wada, Kazuo Hosokawa, Yoshihiro Ito, Mizuo Maeda (RIKEN)

2AW-06-8 (1P-0302) [10:40]

3D microstructural model of intracellular organelle at a single cell level using a tip electron microscope and prospects for biological tissueTakako M. Ichinose¹, Takeshi Itabashi^{1,2,3}, Hikari Mori¹, Junpei Kuroda⁴, Shigeru Kondo⁴, Atsuko H. Iwane^{1,2,3} (¹Cell Field Struc., BDR, RIKEN, ²Spec. Res. Promot. Group, Grad. Sch. Fronti., Biosci., Osaka Univ., ³Grad. Sci., Hiroshima Univ., ⁴Pattern Formation, Grad. Sch. Fronti., Biosci., Osaka Univ.)

2AW-06-9 (2P-0740) [10:50]

Creation of simple artificial cell-based biosensor that detects tag-specific antibodyJiulong Su^{1,2}, Cyrus Beh³, Tetsuya Kitaguchi², Yuki Ohmuro², Theresa Seah³, Shawn Hoon³, Hiroshi Ueda² (¹Sch. of Life Sci. Technol., Tokyo Tech., ²Lab. for Chem. and Life Sci., Tokyo Tech., ³BMSI, A*STAR)

2AW-07 Room 7 (3F 313+314) 9:00-11:00 [E]

Recent progress of RNA synthesis coupled to transcription, RNA processing and signal transduction

Organizers : Hidehisa Takahashi (Yokohama City University)

Yuki Yamaguchi (Tokyo Institute of Technology)

2AW-07-1 [9:00]

Stepwise and mutual activation of enhancers and promoters during cell differentiationAkira Nishiyama¹, Tatsuma Ban¹, Kentaro Fushimi¹, Jun Nakabayashi², Daisuke Kurotaki¹, Tomohiko Tamura^{1,2} (¹Department of Immunology, Yokohama City University Graduate School of Medicine, ²Advanced Medical Research Center, Yokohama City University)

2AW-07-2 [9:12]

Structural basis for the recognition of the antioxidant response element by the Nrf2-MafG heterodimer

Toru Sengoku, Masaaki Shiina, Akiko Uchiyama, Shiho Baba, Chikako Okada, Ko Sato, Keisuke Hamada, Kazuhiro Ogata (School of Medicine, Yokohama City University)

2AW-07-3 [9:24]

Histone H2A Thr 120 phosphorylation results in cancer via up regulation of Cyclin D1

Takashi Ito (Nagasaki University School of Medicine)

2AW-07-4 [9:36]

Mechanism of YAP-mediated 3D organogenesis against gravityYoichi Asaoka¹, Hiroshi Nishina², Carl-Philipp Heisenberg³, Makoto Furutani-Seiki¹ (¹Dept of Microbial Immunol, Yamaguchi Univ Grad Sch Med, ²Dept of Dev Regen Biol, MRI, TMDU, ³IST, Austria, ⁴Dept of Systems Biochem Pathol Regen, Yamaguchi Univ Grad Sch Med)

2AW-07-5 [9:48]

The role of Mediator in transcription terminationHidehisa Takahashi¹, Amol Ranjan², Shiyuan Chen², Mio Shibata³, Ichigaku Takigawa⁴, Masashi Watanabe³, Tadasuke Tsukiyama³, Satoshi Fujii⁵, Junichi Yamamoto⁶, Yuki Yamaguchi⁶, Masaki Matsumoto⁷, Keiichi Nakayama⁷, Yutaka Suzuki⁸, Chieri Sato², Shigeo Sato², Ronald C. Conaway², Joan W. Conaway², Shigetugu Hatakeyama³ (¹Dept of Mol Biol, Yokohama City Univ Grad Sch of Med, ²Stowers Inst for Med Res, ³Dept of Biochem, Grad Sch of Med, Hokkaido Univ, ⁴Grad Sch of Info Sci and Tech, Hokkaido Univ, ⁵Dept of Biosci and Bioinfo, Kyushu Inst of Tech, ⁶Grad Sch of Biosci and Biotech, Tokyo Inst of Tech, ⁷Dept of Mol Cell Biol, Med Inst of Bioreg, Kyushu Univ, ⁸Dept of Comput Biol and Med Sci, Grad Sch of Front Sci, Tokyo Univ)

2AW-07-6	[10:00]
Molecular mechanisms controlling pathways and sites for Pol II transcription termination	
Yuki Yamaguchi (Tokyo Institute of Technology, School of Life Science and Technology)	
2AW-07-7	[10:12]
The spatial and temporal dynamics of chromatin remodeling by autism-related protein CHD8	
Masaaki Nishiyama ¹ , Keiichi I. Nakayama ² (¹ Dept Hist Cell Biol, Grad Sch Med Sci, Kanazawa Univ, ² Dept Mol Cell Biol, Med Inst Bioreg, Kyushu Univ)	
2AW-07-8 (2P-0171)	[10:24]
Regulation of the heat shock response by a chromatin-segmentation factor	
Ryosuke Takii, Mitsuaki Fujimoto, Arpit Katiyar, Pratibha Srivastava, Akira Nakai (Dept. of Biochem. & Mol. Biol, Grad. Sch. of Med., Yamaguchi Univ.)	
2AW-07-9 (2P-0248)	[10:36]
Contribution of nuclear actin to transcriptional machinery: analysis with bicyclic peptide for nuclear G-actin	
Shogo Hiratsuka ¹ , Nanako Machida ¹ , Christian Heinis ² , Bertoldo Davide ² , Masahiko Harata ¹ (¹ Graduate School of Agricultural Science, Tohoku University, ² EPFL · LPPT)	
2AW-07-10	[10:48]
Genome-Wide Kinetic Analysis of Pre-mRNA Processing in a Living Organism	
Eichi Watabe ¹ , Hidehito Kuroyanagi ^{1,2} (¹ Med Res Inst, Tokyo Med Dent Univ, ² MIMG, UCLA)	
2AW-08 Room 8 (3F 315)	9:00-11:00 [E]
Co-hosted by: Grant-in-Aid for Scientific Research on Innovative Areas 「ncRNA neo-taxonomy」	
Formation of non-membranous organelles driven by liquid-liquid phase separation	
Organizers : Daiju Kitagawa (The University of Tokyo) Tetsuro Hirose (Hokkaido University)	
Introduction	[9:00]
2AW-08-1	[9:02]
Self-organization of Plk4 regulates symmetry breaking in centriole duplication	
Daiju Kitagawa, Shohei Yamamoto (Graduate School of Pharmaceutical Sciences, University of Tokyo)	
2AW-08-2	[9:18]
Single nucleosome dynamics reveal compact chromatin domain organization in living cells	
Kazuhiro Maeshima (National Institute of Genetics)	
2AW-08-3	[9:35]
Formation and function of phase separated nuclear bodies with architectural noncoding RNAs	
Tetsuro Hirose (Institute for Genetic Medicine)	
2AW-08-4	[9:52]
RNP Granules in Health and Disease	
Roy Parker ^{1,2} , Briana Van Treeck ² , Bhalchandra Rao ¹ , Saumya Jain ⁴ , Tyler Matheny ² , Stephanie Moon ¹ , Joshua Wheeler ³ , Anthony Khong ¹ , Devin Tauber ² , Gabe Tauber ² , James Burke ² , Evan Lester ² (¹ Howard Hughes Med Inst, ² Dept of Biochem, Univ of Colorado Boulder, ³ Dept of Mol Cell & Dev Biol, Univ of Colorado Boulder, ⁴ Dept of Biol Chem, Univ of California Los Angeles)	
2AW-08-5 (2P-0372)	[10:13]
Acetylation of intrinsically disordered regions regulates stress granule formation	
Makoto Saito ^{1,2} , Daniel Hess ¹ , Jan Eglinger ¹ , Anatol W. Fritsch ^{3,4} , Moritz Kreysing ^{3,4} , Brian T. Weinert ⁵ , Chunaram Choudhary ² , Patrick Matthias ^{1,2} (¹ FMI, ² Univ of Basel, ³ MPI-CBG, ⁴ CSBD, ⁵ Dept of Proteomics, NNFPCR)	
2AW-08-6 (2P-0518)	[10:26]
Dysregulated translation of localized RNA induced by cytoplasmic protein aggregation potentially leads to neurodegenerative disease	
Kyota Yasuda (Graduate School of Science, Hiroshima University)	

2AW-08-7

[10:39]

Organizing living matter: the emerging role of phase transitions in cell biology and disease

Simon Alberti (Max Planck Institute of Molecular Cell Biology and Genetics)

2AW-09 Room 9 (4F 411+412)

9:00-11:00 [E]

ADP-ribosylation in intra- & extracellular communication and diseases

Organizers : Hideaki Tsuge (Kyoto Sangyo University)

Mitsuko Masutani (Nagasaki University)

Introduction

[9:00]

2AW-09-1 (2P-0611)

[9:03]

Identification of the synthetic lethal gene under the condition of PARG dysfunction and analysis of cell death mechanismsYuka Sasaki^{1,2}, Hiroaki Fujimori³, Miyuki Hozumi^{3,4}, Takae Onodera^{1,2}, Yasufumi Murakami⁴, Fumiaki Koizumi^{5,1}, Kengo Inoue⁶, Mitsuko Masutani^{1,2} (¹Dept. Frontier Life Sci., Grad. Sch. Biomed. Sci., Nagasaki Univ., ²Lab of Collaborative Research, Div. Cell Signaling, Natl. Cancer Ctr. Res. Inst., ³Div. Chemother. and Clin. Res., Natl. Cancer Ctr. Res. Inst., ⁴Tokyo Univ. Sci., Fac. Indus. Sci. Tech., ⁵Div. Clin. Res. Support, Komagome Hosp., ⁶Pharma Valley Center)

2AW-09-2 (2P-0635)

[9:19]

Targeting colorectal cancer stem cells by tankyrase inhibitionTetsuo Mashima¹, Myung-Kyu Jang^{1,2}, Hiroyuki Seimiya^{1,2} (¹Div. Mol. Biother., JFCR Cancer Chemother. Ctr., ²Dept. Med. Sci., Grad. Sch. Frontier Sci., Univ. Tokyo)

2AW-09-3

[9:35]

Functional deficiency of PARG and PAR accumulating agentsMitsuko Masutani^{1,2}, Tatsuo Shimoyama³, Yuka Sasaki^{1,2}, Takae Onodera^{1,2}, Kenji Matsuno⁴, Takeji Takamura⁵, Kengo Inoue⁶, Fumiaki Koizumi^{1,3} (¹Department of Frontier Life Sciences, Nagasaki University Graduate School of Biomedical Sciences, ²National Cancer Center Institute, ³Tokyo Metropolitan Cancer and Infectious Diseases Center Komagome Hospital, ⁴Kogakuin University, ⁵Kanagawa Institute of Technology, ⁶Fuji Pharma Valley)

2AW-09-4

[9:52]

Control of cell proliferation by polyADP-ribosylationMasanao Miwa¹, Sachiko Yamashita¹, Chieri Ida², Masataka Tsuda^{1,3}, Jun Takahashi¹, Masatoshi Mushiake¹, Yoshisuke Nishi¹, Joel Moss⁴, Masakazu Tanaka⁵ (¹Nagahama Inst of Bio-Sci and Tech, ²Dept of Appl Life Sci, College of Nagoya Women's Univ, ³Dept of Math Life Sci, Hiroshima Univ, ⁴Pulmonary Branch, NHLBI, NIH, USA, ⁵Centr for Chr Viral Dis, Kagoshima Univ)

2AW-09-5

[10:09]

Function of the ARH Family of ADP-ribose-acceptor HydrolasesJiro Kato¹, Xiangning Bu¹, Hiroko Ishiwata-Endo¹, Masato Mashimo^{1,2}, Joel Moss¹ (¹Pulmonary Branch, National Heart, Lung, and Blood Institute, National Institutes of Health, ²Department of Pharmacology, Faculty of Pharmaceutical Sciences, Doshisha Women's College of Liberal Arts)

2AW-09-6

[10:34]

From Protein to DNA Modification: Substrate recognition mechanism in pierisin family DNA-targeting guanin-specific ADP-ribosyltransferase ScARPHideaki Tsuge^{1,2,3}, Toru Yoshida^{1,2} (¹Faculty of Life Sciences, Kyoto Sangyo University, ²Institute for Protein Dynamics, Kyoto Sangyo University, ³Center for Molecular Research in Infectious Diseases, Kyoto Sangyo University)**Conclusion**

[10:57]

2AW-11 Room 11 (4F 414+415) 9:00-11:00 [E]
Signaling and disease affected by pseudokinase

 Organizers : Takuro Nakamura (Japanese Foundation for Cancer Research)
 Yoshikane Kikushige (Kyushu University)

Introduction [9:00]
2AW-11-1 (2P-0341) [9:03]
Functional characterization of lysosomal interaction of Akt with VRK2

 Noriyuki Hirata¹, Futoshi Suizu¹, Mami Matsuda-Lennikov¹, Tsutomu Tanaka¹, Tatsuma Edamura¹, Satoko Ishigaki¹, Thoria Donia¹, Pathrapol Lithanatudom¹, Chikashi Obuse², Toshihiko Iwanaga³, Masayuki Noguchi¹ (¹Div of Cancer Biol, Inst for Genet Med, Hokkaido Univ, ²Div of Mol Life Sci, Grad Sch of Life Sci, Hokkaido Univ, ³Lab of Hist and Cyto, Grad Sch of Med, Hokkaido Univ)

2AW-11-2 (2P-0331) [9:22]
Molecular mechanisms underlying the control of Nrk protein levels and Nrk-mediated anti-proliferation effects

 Satomi Naito¹, Akinori Endo², Toshiaki Fukushima^{1,2}, Kimitoshi Denda², Akira Kato¹, Masayuki Komada^{1,2} (¹Sch. of Life Sci. and Tech., Tokyo Tech., ²Cell Biol. Center, Inst. of Innov. Res., Tokyo Tech.)

2AW-11-3 [9:41]
Identification of IRAK-M as a key molecule in the pathogenesis of chronic lymphocytic leukemia

Yoshikane Kikushige (Department of Medicine and Biosystemic Sciences, Kyushu University Graduate School of Medicine)

2AW-11-4 [10:00]
Tribbles-COP1 ligase complex in acute myeloid leukemia

Noriko Kato, Hidenori Ito, Ikuko Nakamae, Takashi Yokoyama, Jun-ya Kato (Division of Biological Science, Nara Institute of Science and Technology)

2AW-11-5 [10:19]
Trib1 functions as a critical epigenetic regulator in AML

 Seiko Yoshino¹, Takashi Yokoyama², Takuro Nakamura¹ (¹Div. Cacinogenesis, Cancer Inst. JFCR, ²NAIST, Biol. Sci.)

2AW-11-6 [10:38]
Targeted Protein degrader: Novel Approach for Drug Discovery of Pseudokinases

Yusuke Tominari (FIMECS, Inc.)

Conclusion [10:57]
2AW-12 Room 12 (4F 416+417) 9:00-11:00 [E]
Multi-scale pattern formation by cilia

 Organizers : Daisuke Takao (The University of Tokyo)
 Kogiku Shiba (University of Tsukuba)

2AW-12-1 [9:00]
Multi-scale pattern formation by cilia

Daisuke Takao (University of Tokyo, Graduate School of Pharmaceutical Sciences)

2AW-12-2 [9:10]
Functions of γ -tubulin in assembling centriolar triplet microtubules

Yuki Nakazawa (Department of Frontier Science, Hosei University)

2AW-12-3 (2P-0286) [9:30]
Cryo-electron tomography of the radial spokes in mouse motile cilia

 Hiroshi Yoke¹, Hironori Ueno², Hiroshi Hamada³, Kyosuke Shinohara¹ (¹Department of Biotechnology and Life Science, Tokyo University of Agriculture and Technology, ²Department of Molecular Function and Life Science, Aichi University of Education, ³RIKEN Center for Developmental Biology)

2AW-12-4	[9:45]
Structure and role of Primary Ciliary Dyskinesia protein, Dpcc	
Kyosuke Shinohara (Department of Biotechnology & Life Science, Tokyo University of Agriculture & Technology)	
2AW-12-5 (2P-0398)	[10:05]
Cadherin-7 enhances Sonic Hedgehog signaling by preventing Gli3 repressor formation during neural tube patterning	
Rie Kawano ¹ , Kunimasa Ohta ² , Giuseppe Lupo ³ (¹ Department of Medical Oncology and Hematology, Oita University Faculty of Medicine, ² Division of Developmental Neurobiology, Graduate School of Life Sciences, Kumamoto University, ³ Department of Chemistry, Sapienza University of Rome)	
2AW-12-6	[10:20]
Analysis of intraciliary Calcium signals that initiate mouse Left-Right asymmetry	
Katsutoshi Mizuno, Kei Shiozawa, Hiroshi Hamada (RIKEN Center for the Biosystems Dynamics Research)	
2AW-12-7	[10:40]
Collective motion of the unicellular green alga <i>Chlamydomonas reinhardtii</i>	
Azusa Kage (Dept. Mech. Eng., Toyohashi University of Technology)	
2AW-13 Room 13 (4F 418)	9:00-11:00 [E]
Cell and Molecular Mechanisms leading to the morphological diversity of vertebrates	
Organizers : Yuki Sato (Kyushu University) Noriaki Sasai (Nara Institute of Science and Technology)	
Introduction	[9:00]
2AW-13-1	[9:01]
A novel membrane structure orchestrates centrosome positioning during embryogenesis	
Takefumi Negishi (RCMB, Life Sci, Tohoku University)	
2AW-13-2	[9:18]
The molecular mechanisms determining the size of the vertebrate neural tube	
Noriaki Sasai, Rena Yoshitaka (Nara Institute of Science and Technology)	
2AW-13-3 (2P-0123)	[9:35]
Conservation and variations of bimodal <i>HoxD</i> gene regulation during tetrapod limb development	
Nayuta Yakushiji-Kaminatsui ¹ , Lucille Lopez-Delisle ¹ , Christopher Chase Bolt ¹ , Guillaume Andrey ¹ , Leonardo Beccari ² , Denis Duboule ^{1,2} (¹ EPFL, ² University of Geneva)	
2AW-13-4	[9:52]
Morphological novelty created by the transition from water-to-land	
Mikiko Tanaka (Tokyo Institute of Technology)	
2AW-13-5	[10:09]
Revisiting Bergmann's rule: temperature adaptation and its evolutionary significance of the Japanese and Ryukyu bell-ring frogs	
Takeshi Igawa, Hajime Ogino (Amphibian Research Center, Hiroshima University)	
2AW-13-6 (1P-0395)	[10:26]
Transcriptome analysis of the cardiac neural crest reveals a critical role for <i>MafB</i>	
Saori Tani-Matsuhana ^{1,2} , Kunio Inoue ¹ , Marianne Bronner ² (¹ Dept. of Biol., Grad. Sch. of Sci., Kobe Univ., ² Caltech)	
2AW-13-7	[10:43]
Epiblast Pluripotency Exit is regulated by Mesenchymal-Epithelial Transition before Gastrulation	
Sheng Guojun (International Research Center for Medical Sciences, Kumamoto University)	

2PW1-02 第2会場(3階 301) 15:45-17:15 [J/E]
RNA制御による疾病理解

 オーガナイザー：竹内 理(京都大学)
 山下 暁朗(横浜市立大学)

Introduction [15:45]
2PW1-02-1 [15:47]
PI3 kinase様タンパク質リン酸化酵素SMG1によるアミノ酸飢餓応答依存的遺伝子発現制御

山下 暁朗(横浜市大・医・分子細胞)

2PW1-02-2 [16:00]
mRNA分解を介した免疫制御機構

竹内 理(京都大学医学研究科医化学分野)

2PW1-02-3 [16:13]
細胞・組織特異性を規定するリボソーム結合因子を介した転写後制御機構

藤原 俊伸(近大 薬学)

2PW1-02-4 (3P-0182) [16:26]
一次piRNA合成経路におけるRNAヘリカーゼArmitageの機能

 石津 大嗣¹, 木下 達貴², 塩見 春彦¹, 塩見 美喜子²(¹慶大・医, ²東大・院理・生物科学)

2PW1-02-5 [16:36]
デザイナー RNAによる遺伝子操作と細胞運命の制御

齊藤 博英(京都大学)

2PW1-02-6 [16:49]
立体構造に基づくCRISPR-Cas9の分子改変

西増 弘志(東京大学)

2PW1-02-7 [17:02]
RNA Biology + Chemical Biology = Drug Discovery

Masatoshi Hagiwara (Kyoto University Graduate School of Medicine)

2PW1-03 第3会場(3階 302) 15:45-17:15 [J]
がん遺伝子MYCの新たな展開

 オーガナイザー：奥田 晶彦(埼玉医科大学)
 佐谷 秀行(慶應義塾大学)

Introduction [15:45]
2PW1-03-1 [15:50]
体細胞分裂からの減数分裂への切り替えのためのMYC-MAX-MGAネットワーク

奥田 晶彦, 平崎 正孝, 鈴木 歩(埼玉医科大学 ゲノム医学研究センター 発生・分化・再生部門)

2PW1-03-2 (2P-0186) [16:05]
転写因子 EGR1 は DLBCL 細胞生存に必須である

金原 秀一, Li Lu, Lixin Rui (ウィスコンシン大学・アメリカ合衆国)

2PW1-03-3 (3P-0084) [16:20]
MYCによる大腸がんの代謝リプログラミング

 佐藤 清敏^{1,2}, 谷内田 真一³, 杉本 昌弘^{1,2}, 田畑 祥^{1,2}, 梶野 リエ⁴, 小島 康⁴, 藤下 晃章⁴, 平山 明由^{1,2}, 青木 正博⁴, 曾我 朋義^{1,2}
 (¹慶應大・先端生命研, ²AMED-CREST, ³阪大・医学部・がんゲノム情報, ⁴愛知がんセンター・がん病態)

2PW1-03-4 [16:35]
Mycをドライバーとする発がん誘導モデルの構築と応用

 杉原 英志^{1,2}, 佐谷 秀行²(¹筑波大学 プレシジョンメディスン開発研究センター, ²慶應義塾大学 医学部 先端医学研究 所 遺伝子制御研究部門)

2PW1-03-5 **[16:50]**
c-Mycによって統合されるがん代謝ネットワークの全貌

中山 敬一(九州大学生体防御医学研究所分子医科学分野)

Conclusion **[17:10]**
2PW1-04 第4会場(3階 303) **15:45-17:15 [J]**
生物間の化学コミュニケーション ～化合物を通した生命の生き残り戦略～

オーガナイザー：八代田 陽子(理化学研究所)

西村 慎一(東京大学)

2PW1-04-1 **[15:45]**
分裂酵母の化学コミュニケーション ～環境適応のための代謝戦略～

八代田 陽子, 大澤 晋, 吉田 稔(理化学研究所 環境資源科学研究センター ケミカルゲノミクス研究グループ)

2PW1-04-2 (1P-0662) **[16:00]**
腸内細菌代謝産物スカトールを介した高食肉摂取によるトリアシルグリセロール代謝改善メカニズムに関する解析

 湯浅 佳奈¹, 蔵田 航一⁵, 戸松 良介², 田中 愛建³, 野勢 琢馬⁴, 河原 秀明⁵, 渡辺 優太¹, 西村 浩二⁴, 地阪 光生⁴, 横田 一成⁴, 石塚 敏³, 清水 英寿⁴(¹島根大院・自然科学, ²島根大・生資, ³北大・農院, ⁴島根大・学術院, ⁵島根大院・生資)

2PW1-04-3 **[16:15]**
腸内細菌脂質代謝物がヒトに及ぼす影響について

岸野 重信, 小川 順(京大院農・応用生命)

2PW1-04-4 **[16:30]**
海綿動物由来の細胞毒性物質を生産する共生微生物の発見と伝播機構の解明

高田 健太郎(北里大・海洋)

2PW1-04-5 **[16:45]**
クチナシ由来イリドイドをめぐる鱗翅目昆虫の解毒戦略

 吉永 直子¹, 志野 真美子¹, 吉岡 英晃¹, 岩井 崇晃¹, 内藤 裕彬², 齊藤 準², 森 直樹¹(¹京大・院農・応用生命, ²京工織大・応用生物)

2PW1-04-6 **[17:00]**
微生物が産生する脂溶性小分子群が示す膜親和性

西村 慎一(東大・院農 農学生命科学研究科)

2PW1-05 第5会場(3階 304) **15:45-17:15 [J]**
虫の会(まじめ版) 5: (昆虫学と分子生物学の融合によるオリジナリティーの発信に向けて)

オーガナイザー：横井 翔(農業・食品産業技術総合研究機構)

仲里 猛留(ライフサイエンス統合データベースセンター)

2PW1-05-1 **[15:45]**
虫の会(まじめ版) 5:趣旨説明

横井 翔(農研機構・生物機能利用研究部門)

2PW1-05-2 **[15:50]**
マサキタマバエを寄主とする*Platygaster ingeniosus*における寄主操作の発見

藤井 智久(農研機構 九州沖縄農業研究センター)

2PW1-05-3 (3P-0718) **[16:07]**
ネムリユスリカにおける新規プロモーターの同定とその応用

 宮田 佑吾^{1,2}, 徳本 翔子³, 櫻井 実¹, 黄川田 隆洋^{2,3}(¹東工大, ²農研機構, ³東大)

2PW1-05-4 **[16:24]**
テナガショウジョウバエを用いた闘争性の制御に関わる遺伝子の探索

工藤 愛弓(東大・院農・応用昆虫)

2PW1-05-5	[16:41]
スズメガの“知らせの発散物”	
上原 拓也 ¹ , 本田 洋 ² (¹ 国立研究開発法人 農業・食品産業技術総合研究機構 生物機能利用研究部門 昆虫制御研究領域, ² 東京農大)	
2PW1-05-6	[16:58]
ミツバチの初期応答遺伝子プロファイルから見えてきたこと	
宇賀神 篤 ¹ , 内山 博允 ² (¹ JT生命誌研究館, ² 東京農大・NGRC)	
2PW1-06 第6会場(3階311+312)	15:45-17:15 [J]
AAA+ ATPaseリングが織りなす多彩な細胞機能とそのしくみ	
オーガナイザー：江崎 雅俊(熊本大学) 丹羽 一(京都産業大学)	
2PW1-06-1	[15:45]
Cdc48-20Sプロテアソームによるタンパク質分解	
江崎 雅俊 ² , Md. Tanvir Islam ^{1,3} , 大石 宙人 ¹ , 小椋 光 ^{1,2,3} (¹ 熊大・発生研, ² JST・CREST, ³ 熊大・HIGOプログラム)	
2PW1-06-2	[15:58]
2つのAAA-ATPアーゼによるミトコンドリア外膜に誤局在したテイルアンカータンパク質の分解機構	
松本 俊介 ¹ , 角田 千香 ¹ , 中務 邦雄 ² , 田村 康 ³ , 江崎 雅俊 ⁴ , 遠藤 斗志也 ¹ (¹ 京産大・総合生命, ² 名市大・院・システム, ³ 山大・理・物生化, ⁴ 熊大・発生研・細胞制御)	
2PW1-06-3 (3P-0059)	[16:11]
可溶性の代謝酵素の分解におけるAAA ATPase Cdc48/p97の役割	
川原崎 智之 ² , 森山 昭彦 ² , 中務 邦雄 ¹ (¹ 名古屋市立大学大学院システム自然科学研究科, ² 中部大学応用生物学部環境生物科学科)	
2PW1-06-4	[16:23]
フラビウウイルスの複製オルガネラ形成におけるVCP/p97の役割	
森田 英嗣(弘前大学 農学生命科学部 分子生命科学科 細胞分子生物学分野)	
2PW1-06-5 (3P-0067)	[16:36]
シアノバクテリアのClpB1とClpB2の比較生化学的解析；高濃度の変性タンパク質存在下ではClpB1による凝集塊可溶化が顕在化する	
玉井 真悟 ¹ , 仲本 準 ² (¹ 埼玉大・理・分子, ² 埼玉大院・理工・分子)	
2PW1-06-6	[16:48]
脂質代謝を制御するAAA+ / ユビキチンリガーゼ、ミスレリン	
森戸 大介 ¹ , 會退 詩史莉 ² , 杉原 宗親 ² , 永田 和宏 ² (¹ 昭和 大・医, ² 京産大・総合生命)	
2PW1-06-7 (1P-0253)	[17:01]
新しく単離したPex7結合PTS2タンパク質P7BP2は新規ダイニンタイプAAA+である	
藤本 幸夫 ¹ , 丹羽 一 ² , 宮内(南里) 康弘 ³ , 奥本 寛治 ³ , 向井 悟 ³ , 野井 健太郎 ³ , 小椋 光 ⁴ , 遠藤 斗志也 ⁵ (¹ 九大・生医研, ² 京産大・タンパク質動態研, ³ 九大・理学研究院・生物科学, ⁴ 熊大・発生研, ⁵ 京産大・総合生命科学部)	
総合討論	[17:14]
2PW1-07 第7会場(3階313+314)	15:45-17:15 [J]
3 Rシステムと高次複合体動態の法則性と多様性	
オーガナイザー：片山 勉(九州大学) 岩崎 博史(東京工業大学)	
2PW1-07-1	[15:45]
染色体の複製開始メカニズムとその制御システムにおける共通性と多様性：細菌細胞を中心に	
片山 勉(九州大学 大学院薬学研究院 分子生物薬学分野)	
2PW1-07-2	[16:02]
出芽酵母の染色体DNA複製機構	
荒木 弘之 ^{1,2} , 遠藤 静子 ¹ , 村松 佐知子 ¹ , 日詰 光治 ^{1,2,3} (¹ 遺伝研・微生物遺伝, ² 総研大, ³ 埼玉医大・RI)	

2PW1-07-3 (2P-0083)	[16:19]
ヒトORCのグアニン四重鎖形成1本鎖DNA結合活性の生化学的な解析	
堀之内 遥香 ¹ , 女部田 寛子 ¹ , 飯野 美穂 ¹ , 由良 敬 ² , 和賀 祥 ¹ (¹ 日本女子大・理・物質生物, ² お茶大・生命情報、早稲田大・理工)	
2PW1-07-4	[16:30]
アーキアにおけるレプリソーム構成因子とその機能の多様性について	
石野 良純(九州大学大学院 農学研究院 生命機能科学部門 生物化学分野)	
2PW1-07-5 (3P-0119)	[16:47]
RAD51パラログSWSAP1と新規アンチリコンビナーゼFIGL1による相同組換え制御の解析	
松壽 健一郎 ¹ , 近藤 静香 ² , 石川 達也 ² , 篠原 彰 ^{1,2} (¹ 阪大・蛋白研, ² 阪大・院理・生物科学)	
2PW1-07-6	[16:58]
相同組換えにおけるDNA鎖交換反応のリアルタイム解析	
岩崎 博史 ^{1,2} (¹ 東工大・科学技術創成研究院, ² 東工大・生命理工学院)	
2PW1-08 第8会場(3階 315)	15:45-17:15 [J]
生体现象における組織内・間の細胞リポジショニング	
オーガナイザー：澤本 和延(名古屋市立大学) 滝澤 仁(熊本大学)	
Introduction	[15:45]
2PW1-08-1	[15:47]
造血幹細胞の臓器間リポジショニング	
瀬崎 真衣子 ¹ , 林 慶和 ¹ , 波江野 洋 ² , 滝澤 仁 ¹ (¹ 熊本大学国際先端医学研究機構, ² 国立がん研究センター)	
2PW1-08-2 (3P-0518)	[16:05]
Rap1GEFのフォスファチジン酸依存的な局在と脱リン酸化は、T細胞の移動を制御する	
桃井 康行, 石原 沙耶花, 錦見 昭彦, 佐藤 健, 片桐 晃子(北里大学理学部生物科学科)	
2PW1-08-3	[16:21]
免疫細胞の脳損傷部位への移動と修復機能	
吉村 昭彦, 伊藤 美菜子(慶應義塾大学医学部)	
2PW1-08-4	[16:39]
胎生期神経前駆細胞の核の集団的配置転換システム	
宮田 卓樹(名大・院医・細胞生物)	
2PW1-08-5	[16:57]
生後脳における新生ニューロンの移動機構と意義	
澤本 和延 ^{1,2} (¹ 名古屋市立大学, ² 生理学研究所)	
2PW1-09 第9会場(4階 411+412)	15:45-17:15 [J]
細胞は機能調節に力学因子をいかに利用しているのか	
オーガナイザー：川内 敬子(甲南大学) 平田 宏聡(名古屋大学)	
2PW1-09-1	[15:45]
フォルミンとGアクチンホメオスタシスが織りなす多様なアクチン線維寿命と物理ストレス抵抗性	
渡邊 直樹 ^{1,2} (¹ 京大・生命, ² 京大・医)	
2PW1-09-2 (3P-0263)	[16:03]
細胞接着斑：微小管-アクチン細胞骨格のクロストークを制御する構造基盤	
西村 有香子 ¹ , Nisha Bte Mohd Rafiq ^{1,3} , Sergey V Plotnikov ² , Visalatchi Thiagarajan ¹ , Zhen Zhang ¹ , Meenubharathi Natarajan ¹ , Gareth E Jones ³ , Pakorn Kanchanawong ^{1,4} , Alexander D Bershadsky ^{1,5} (¹ メカノバイオロジー研究所, ² トロント大, ³ ロンドン大キングスカレッジ, ⁴ シンガポール大, ⁵ ワイズマン研究所)	

2PW1-09-3 (2P-0261)	[16:15]
細胞-基質接着においてなぜ異なる大きさの力を感知できるか?	
出口 真次, 徳永 昌也, 吉本 昂平, 松井 翼, 福島 修一郎(阪大・基礎工・生体)	
2PW1-09-4	[16:27]
角化細胞の力依存的な増殖抑制と、皮膚腫瘍におけるその破綻	
平田 宏聡 ^{1,2} , 榎本 篤 ³ , 砂川 真輝 ³ , Oleg Dobrokhotov ^{1,2} , 高橋 雅英 ³ , 曾我部 正博 ¹ (¹ 名大・院医・メカノバイオロジー, ² R-Pharm Japan, ³ 名大・院医・腫瘍病理)	
2PW1-09-5	[16:39]
Circumferential actin beltの張力は、Merlinの核細胞質シャトリングを介してYAP/TAZの核局在を抑制する	
田村 可奈 ¹ , 山下 和成 ³ , 大野 茂男 ² (¹ 理化学研究所生命機能科学研究センター呼吸器形成研究チーム, ² 横浜市立大学大学院医学研究科分子細胞生物学教室, ³ 東北大学大学院生命科学研究所分子細胞生物分野)	
2PW1-09-6 (2P-0260)	[16:51]
間葉系幹細胞のメカノトランスダクションは液性因子Prosaposinを介して乳がん細胞の増殖を促進する	
石原 誠一郎 ¹ , Suzanne M Ponik ² , David R Inman ² , Wan-Ju Li ³ , 芳賀 永 ¹ , Patricia J Keely ² (¹ 北海道大・院先端生命, ² Dept of Cell and Regenerative Biol, Univ of Wisconsin-Madison, ³ Dept of Orthopedics and Rehabilitation & Biomed Eng, Univ of Wisconsin-Madison)	
2PW1-09-7	[17:03]
DNA損傷応答におけるアクチンの役割	
川内 敬子 ¹ , 伊藤 功彦 ¹ , 杉本 渉 ¹ , 平田 宏聡 ² (¹ 甲南大・フロンティア, ² 名大・院医)	
2PW1-10 第10会場(4階 413)	15:45-17:15 [J]
ゲノム情報中の相同性が見い出されない機能未知遺伝子・蛋白質へのアプローチ	
オーガナイザー: 河原林 裕(産業技術総合研究所) 倉光 成紀(大阪大学)	
Introduction	[15:45]
2PW1-10-1	[15:48]
好酸好熱性アーキア由来の機能不明遺伝子の同定: 解糖系関連酵素を例として	
若木 高善(東大・院農生科・応生工)	
2PW1-10-2 (3P-0052)	[16:08]
<i>Thermus thermophilus</i>における機能未知タンパク質の解析	
増井 良治(大阪市立大学)	
2PW1-10-3	[16:28]
環境ストレス耐性に関与する新規な短いペプチドの機能解析	
中南 健太郎 ¹ , Khurram Bashir ^{1,2} , Sultana Rasheed ^{1,2} , Zarnab Ahmad ¹ , 松井 章浩 ^{1,3} , 田中 真帆 ^{1,3} , 岡本 昌憲 ^{1,4} , 山口 夕 ⁵ , 花田 耕介 ^{1,6} , 関 原明 ^{1,2,3,7} (¹ 理研・CSRS, ² JST・CREST, ³ 理研・開拓研究本部, ⁴ 宇都宮大, ⁵ 大阪府立大, ⁶ 九州工業大, ⁷ 横浜市立大)	
2PW1-10-4	[16:48]
相同性情報を用いない新規機能の探索、超好熱アーキアでの試み	
河原林 裕(国立研究開発法人 産業技術総合研究所)	
総合討議	[17:08]
Conclusion	[17:14]
2PW1-11 第11会場(4階 414+415)	15:45-17:15 [J]
ライブラリー構築技術の革新による分子標的創薬の加速	
オーガナイザー: 坂野 大介(東京工業大学) 門之園 哲哉(東京工業大学)	
Introduction	[15:45]

2PW1-11-1 [15:50]

新しい創薬標的の探索を支えるインフォマティクス技術

大上 雅史^{1,2}(¹東工大・情報理工,²東工大・MIDL)

2PW1-11-2 [16:10]

酵素活性の網羅的探索(enzymomics)に基づく疾患関連タンパク質の探索と機能評価

小松 徹¹, 浦野 泰照^{1,2,3}(¹東大院薬,²東大院医,³AMED-CREST)

2PW1-11-3 (3P-0732) [16:30]

ファージ提示法とドメインライブラリー発想を連結した高活性T-cell recruiting抗体の迅速創出

杉山 在生¹, 中澤 光¹, 村上 明一², 岸本 英博², 梅津 光央¹(¹東北大・院工・バイオ工,²琉球大・院医)

2PW1-11-4 [16:50]

大規模CRISPRスクリーニングによる新規がん創薬ターゲットの同定

遊佐 宏介(ウエルカム サンガー研究所)

Conclusion [17:10]

2PW1-12 第12会場(4階416+417) 15:45-17:15 [J]

脊椎動物の性決定、性分化の分子機構

オーガナイザー：黒岩 麻里(北海道大学)
高田 修治(国立成育医療研究センター研究所)

2PW1-12-1 [15:45]

トゲネズミ属におけるSRF遺伝子の機能と進化

黒岩 麻里(北海道大学大学院理学研究院)

2PW1-12-2 [16:00]

ステロイド代謝酵素多型によるプリ属の遺伝的性決定機構

小山 喬¹, 中本 正俊², 森島 輝³, 山下 量平³, 山下 雄史⁴, 佐々木 皓平⁴, 水野 直樹¹, 車 遙介¹, 鈴木 萌¹, 家田 梨櫻¹, 内野 翼², 田角 聡志¹, 細谷 将¹, 宇野 誠一⁵, 小山 次朗⁶, 豊田 敦⁶, 菊池 潔¹, 坂本 崇¹(¹東大・院農・水実,²海洋大・海洋科学・生物資源,³日水・大分海洋研,⁴東大・先端研,⁵鹿大・水産,⁶遺伝研・比較ゲノム)

2PW1-12-3 [16:15]

魚類性決定遺伝子の多様化機構

竹花 佑介(長浜バイオ大・バイオサイエンス・アニマルバイオ)

2PW1-12-4 (3P-0414) [16:30]

一細胞トランスクリプトーム解析による胎仔型ライディッヒ前駆細胞の探索

井上 実紀¹, 馬場 崇^{1,2}, 齋藤 大助^{1,3}, 大川 恭行^{1,4}, 須山 幹太^{1,3}, 諸橋 憲一郎^{1,2}(¹九大院・システム生命科学,²九大院・医・性差生物学,³九大・生医研・情報生物学,⁴九大・生医研・トランスクリプトミクス)

2PW1-12-5 [16:45]

Amh欠損雄マウスを用いたミューラー管遺残症における遺残子宮の比較病態解析

平松 竜司¹, 村田 千晴¹, 三浦 健人¹, 平手 良和², 金井 正美², 金井 克晃¹(¹東大・院農・獣医解剖,²東京医科歯科大学・実験動物センター)

2PW1-12-6 [17:00]

ゲノム編集技術によるマウス胎仔期生殖腺におけるSox9の発現をシスに調節する配列の探索

高田 修治(成育センター・システム発生)

2PW1-13 第13会場(4階418) 15:45-17:15 [J]

多角的解析から迫るがんの本態

オーガナイザー：梶原 健太郎(大阪大学)
大西 伸幸(慶應義塾大学)

2PW1-13-1 [15:45]

がんの進化と多様性により生み出される治療抵抗性機構の解析

片山 量平(公益財団法人がん研究会 がん化学療法センター 基礎研究部)

2PW1-13-2	[16:02]
<i>in vivo</i>発光イメージングを革新する新技術 AkaBLI	
岩野 智 ¹ , 牧 昌次郎 ² , 宮脇 敦史 ¹ (¹ 理化学研究所 脳神経科学研究センター, ² 電気通信大学 情報理工学研究所)	
2PW1-13-3	[16:19]
がんエクソソームのメタボロミクス	
平山 明由(慶大・先端生命研)	
2PW1-13-4 (1P-0620)	[16:36]
エピトランスクリプトームによる消化器癌の進展、転移メカニズムの解明	
今野 雅允, 浅井 歩, 小関 準, 石井 秀始(大阪大学)	
2PW1-13-5	[16:53]
大腸がんにおいて1細胞レベルで明らかにされた単一腫瘍内における不均一性の網羅的解析	
佐々木 伸雄 ^{1,2} , Hans Clevers ² (¹ 慶大・医・消化器内科, ² Hubrecht研究所)	
Conclusion	[17:10]
<hr/>	
2PW1-14 第14会場(4階 419)	15:45-17:15 [J]
遺伝子改変非ヒト霊長類モデルがひらくヒト疾患研究の新潮流	
オーガナイザー：河合 純(理化学研究所) 依馬 正次(滋賀医科大学)	
Introduction	[15:45]
2PW1-14-1	[15:50]
遺伝子改変マーマーセットモデルの現状と課題	
高橋 司, 佐々木 えりか(公益財団法人実験動物中央研究所)	
2PW1-14-2	[16:10]
CRISPR/Cas9を用いた遺伝性腎疾患モデルカニクイザルの作出	
築山 智之 ¹ , 小林 憲市 ¹ , 中家 雅隆 ¹ , 岩谷 千鶴 ¹ , 土屋 英明 ¹ , 清田 弥寿成 ¹ , 松下 淳 ¹ , 北嶋 郁 ¹ , 河本 育士 ¹ , 中川 孝博 ¹ , 福田 浩司 ² , 岩切 哲平 ² , 和泉 博之 ² , 板垣 伊織 ¹ , 中村 紳一郎 ¹ , 河内 明宏 ¹ , 依馬 正次 ¹ (¹ 滋賀医大, ² 新日本科学)	
2PW1-14-3 (3P-0440)	[16:30]
マーマーセット生殖細胞発生の理解	
渡部 聡朗 ¹ , 藪上 春香 ² , 井上 貴史 ¹ , 峰重 隆幸 ¹ , 坂本 晃海 ¹ , 黒滝 陽子 ¹ , 川路 英哉 ² , 蓑田 亜希子 ² , 佐々木 えりか ¹ (¹ 実験動物中央研究所, ² 理化学研究所)	
2PW1-14-4	[16:50]
次世代ヒト科学を推進するゲノム基盤の構築	
村川 泰裕 ¹ , 廣瀬 直毅 ² , 佐野 浩美 ² , 川路 英哉 ^{1,2} , 河合 純 ¹ (¹ 理化学研究所 予防医療・診断技術開発プログラム, ² 理化学研究所 生命医学研究センター 予防医療・ゲノミクス応用開発ユニット)	
Conclusion	[17:10]
<hr/>	
2PW1-15 第15会場(5階 501)	15:45-17:15 [J]
いかにして公共データベースを生命科学研究に活用するか?	
オーガナイザー：児玉 悠一(国立遺伝学研究所) 坊農 秀雅(ライフサイエンス統合データベースセンター)	
2PW1-15-1	[15:45]
公共データベースに登録されたNGSデータを検索・活用する	
大田 達郎, 仲里 猛留, 坊農 秀雅(情報・システム研究機構 データサイエンス共同利用基盤施設 ライフサイエンス統合データベースセンター)	
2PW1-15-2 (1P-0113)	[16:03]
ウイルスと原核生物における逆転写酵素の大規模進化解析	
永田 祥平 ^{1,2} , 富田 勝 ^{1,2} , 金井 昭夫 ^{1,2} (¹ 慶大・先端生命研, ² 慶大院・政策メディア・先端生命)	

2PW1-15-3	[16:21]
NBDCにおけるヒト由来データの共有と利活用促進のための活動	
川嶋 実苗(国立研究開発法人科学技術振興機構 バイオサイエンスデータベースセンター)	
2PW1-15-4	[16:39]
ゲノムワイド関連解析における公共データベースの活用	
秋山 雅人 ^{1,2} (¹ 理研・IMS, ² 九州大・眼科)	
2PW1-15-5	[16:57]
生命情報・DDBJセンターにおけるデータベースサービスのこれまでとこれから	
児玉 悠一(国立遺伝学研究所 生命情報・DDBJセンター)	
2PW1-16 第16会場(5階 502)	15:45-17:15 [J]
多細胞生物の発生における細胞接着・移動	
オーガナイザー：松井 貴輝(奈良先端科学技術大学院大学) 坂根 亜由子(徳島大学)	
2PW1-16-1	[15:45]
集団的細胞運動において一分子構造変化が生み出す多様な運動様式とその役割	
坂根 亜由子 ¹ , 吉澤 信 ² , 土屋 裕子 ^{3,5} , 松井 翼 ⁴ , 出口 真次 ⁴ , 水口 賢司 ⁵ , 横田 秀夫 ² , 佐々木 卓也 ¹ (¹ 徳島大院・歯歯薬学研究所・生化学分野, ² 理研・画像情報処理研究チーム, ³ 産総研, ⁴ 大阪大院・基礎工・生体工学, ⁵ 医薬健康研)	
2PW1-16-2 (2P-0284)	[16:00]
上皮細胞の細胞脱落における細胞接着分子の動態解析	
服部 和泉, 中井 彩香, 山田 信人, 梶田 春奈, 村田 真智子, 川根 公樹(京産大・院生科)	
2PW1-16-3	[16:15]
自然免疫センサーTLRは上皮組織パターン形成過程で細胞間接着分子として機能する	
梅津 大輝, 飯島 寛大, 倉永 英里奈(東北大学大学院生命科学研究所)	
2PW1-16-4	[16:30]
リーリングシグナルによるニューロン移動停止制御機構	
廣田 ゆき, 仲嶋 一範(慶應義塾大学医学部解剖学)	
2PW1-16-5	[16:45]
成体脳における新生ニューロンの傷害部への移動制御機構とニューロン再生	
金子 奈穂子, 澤本 和延(名古屋市立大学大学院医学研究科再生医学分野)	
2PW1-16-6	[17:00]
ゼブラフィッシュの側線形成において、異種細胞間の相互作用は、器官前駆細胞の集団移動、器官パターンングに必須である	
若狭 瑞帆 ¹ , 唐岩 藍翔梨 ¹ , 山田 壮平 ² , 細川 陽一郎 ² , 別所 康全 ¹ , 松井 貴輝 ¹ (¹ 奈良先端科学技術大学院大学 先端科学技術研究科 バイオサイエンス領域, ² 奈良先端科学技術大学院大学 先端科学技術研究科 物質創成科学領域)	
2PW1-17 第17会場(5階 503)	15:45-17:15 [J]
ビックデータをどう使い生物学的知見をものにするか？	
オーガナイザー：金井 昭夫(慶應義塾大学) 岡田 典弘(国際科学振興財団)	
Introduction	[15:45]
2PW1-17-1	[15:47]
闘魚の戦い時のペアーに見られる行動と神経ゲノム上の同調現象	
岡田 典弘, Trieu-Duc Vu, 岩崎 裕貴(国際科学振興財団)	
2PW1-17-2	[16:02]
LGP2-TRBP相互作用により制御されるmicroRNAの同定と、そのターゲット遺伝子の網羅的発現解析	
中野 悠子 ¹ , 高橋 朋子 ¹ , 尾野本 浩司 ⁴ , 村上 文則 ³ , 鈴木 稔 ³ , 米山 光俊 ² , 程 久美子 ^{1,3} (¹ 東大・院理・生物科学, ² 千葉大・真菌医学研究センター, ³ 東大・院新領域・メディカル情報生命)	

2PW1-17-3 (3P-0083)	[16:17]
大規模ユビキチン化及びアセチル化プロテオーム解析によるシグナル伝達制御機構の解明	
小塚(泰) 裕子 ¹ , 北村 亜矢 ¹ , 廣木 朋子 ¹ , 相澤 愛子 ¹ , 津本 浩平 ^{1,2} , 井上 純一郎 ^{1,3} , 尾山 大明 ¹ (¹ 東大・医科研・疾患プロテオミクス, ² 東大・院工・バイオエンジニアリング, ³ 東大・医科研・分子発癌)	
2PW1-17-4	[16:30]
配列と構造データ解析に基づいたtRNAとアミノシルRNA合成酵素の結合表面の系統的解析	
玉木 聡志 ¹ , 富田 勝 ^{1,2,3} , 鈴木 治夫 ^{1,2} , 金井 昭夫 ^{1,2,3} (¹ 慶大・先端生命研, ² 同・環境情報, ³ 同・政策メディア・先端生命)	
2PW1-17-5	[16:45]
The FANTOM web resourceの概要と活用	
野口 修平 ¹ , Marina Lizio ¹ , Imad Abugessaisa ¹ , Chung Chau Hon ¹ , 長谷川 哲 ¹ , Michiel De Hoon ¹ , 川路 英哉 ^{1,2} , 粕川 雄也 ¹ (¹ 理研・IMS, ² 理研・PMI)	
2PW1-17-6 (1P-0097)	[17:00]
マウス表現型間の関係性の全体像の提示	
田中 信彦, 榎屋 啓志(理研・BRC・統合情報)	
Conclusion	[17:13]
<hr/>	
2PW1-18 第18会場(5階511+512)	15:45-17:15 [J]
次世代型遺伝学的手法が拓く高次生命現象への新たなアプローチ	
オーガナイザー: 清成 寛(理化学研究所) 鶴飼 英樹(東京大学)	
Introduction	[15:45]
2PW1-18-1	[15:46]
凍結受精卵を用いたCRISPR/Cas9による遺伝子改変マウス作製法の最適化	
清成 寛 ^{1,2} , 阿部 高也 ^{1,2} , 井上 健一 ¹ , 繁田 麻葉 ¹ , 木原 美帆 ¹ , 秋山 花梨 ¹ , 古田 泰秀 ^{1,2} (¹ 理化学研究所 生命機能科学研究センター 生体モデル開発ユニット, ² 理化学研究所 生命機能科学研究センター 生体ゲノム工学研究チーム)	
2PW1-18-2	[15:56]
ゲノム改変ESマウスの高速・並列作出手法	
鶴飼 英樹(東大・ニューロインテリジェンス)	
2PW1-18-3	[16:06]
枯草菌を宿主とするゲノム合成のシナリオ	
板谷 光泰(慶應大学先端生命科学研究所)	
2PW1-18-4	[16:21]
呼吸の非侵襲計測による生理学的表現型解析	
砂川 玄志郎(理研・生命機能・網膜再生P)	
2PW1-18-5 (3P-0778)	[16:36]
磁性ナノ粒子とシナプトタグミンによるカルシウム応答型fMRI	
岡田 智 ¹ , Benjamin Bartelle ² , Nan Li ² , Vincent Breton-Provencher ^{3,4} , Jiyoung Lee ² , Elisenda Rodriguez ² , James Melican ² , Mriganka Sur ^{3,4} , Alan Jasanoff ^{2,3,5} (¹ 産総研・健康工学, ² MIT・生物工学, ³ MIT・脳認知科学, ⁴ MIT・ピカワー学習記憶研, ⁵ MIT・原子力工学)	
2PW1-18-6 (2P-0707)	[16:48]
エフェクタードメインを高度に集積可能な新規人工転写活性化システム“TREE”の開発	
國井 厚志 ¹ , 原 由洋 ¹ , 武永 充正 ¹ , 服部 奈緒子 ² , 深澤 拓也 ² , 牛島 俊和 ² , 山本 卓 ¹ , 佐久間 哲史 ¹ (¹ 広島大・院理・数理解分子生理学, ² 国立がん研七・研・エピゲノム解析分野, ³ 川崎医大・総合外科)	
2PW1-18-7	[17:00]
遺伝子発現の光操作技術と幹細胞研究への応用	
今吉 格(京大・院生命科学)	

2PW2-02 第2会場(3階 301)	17:30-19:00 [J]
生命現象の動作原理としてのメカニカルストレス応答機能の解明とこれを利用した生体機能の管理・改変	
オーガナイザー：澤田 泰宏(国立障害者リハビリテーションセンター)	
Introduction	[17:30]
2PW2-02-1	[17:33]
関節軟骨の維持・変性を制御するシグナル群	
矢野 文子 ¹ , 齋藤 琢 ² (¹ 東京大学医学部附属病院 ティッシュ・エンジニアリング部 骨・軟骨再生医療寄付講座, ² 東京大学大学院医学系研究科 感覚・運動機能医学講座 整形外科)	
2PW2-02-2	[17:48]
FIB-SEMで探る骨形成	
上岡 寛 ¹ , 橋本 真奈 ¹ , 長岡 紀幸 ² , 飯村 忠浩 ³ , 原 徹 ⁴ (¹ 岡山大学大学院医歯薬学総合研究科歯科矯正学分野, ² 岡山大学歯学部先端領域研究センター, ³ 愛媛大学プロテオサイエンスセンター, ⁴ 物質・材料研究機構)	
2PW2-02-3 (2P-0272)	[18:03]
Solo (ARHGEF40)はケラチン8/18ネットワークの再構築に関与し細胞集団移動の速度を制御する	
磯崎 友亮 ¹ , 酒井 高輝 ¹ , 藤原 佐知子 ² , 水野 健作 ¹ , 大橋 一正 ¹ (¹ 東北大・院・生命, ² 阪大・院・基礎工)	
2PW2-02-4	[18:18]
血管内皮細胞はどのように静水圧刺激を感知するのか？	
吉野 大輔(東北大大学院科学フロンティア研究所)	
2PW2-02-5	[18:33]
メカニカルストレス応答異常としての心不全の発症機序	
小室 一成(東京大学大学院)	
2PW2-02-6	[18:48]
メカニカルストレスによるマクロファージの機能制御が廃用性筋萎縮の病態に関与する	
澤田 泰宏 ¹ , 齋藤 久美子 ¹ , 徳永 正邦 ¹ , 吉野 大輔 ³ , 市原 克則 ² , 前川 貴郊 ¹ , 崎谷 直義 ¹ , 緒方 徹 ¹ , 長尾 元史 ¹ (¹ 国リハ・運動・分子病態, ² 鳥取大・医・分子薬理, ³ 東北大・フロンティア研)	
2PW2-03 第3会場(3階 302)	17:30-19:00 [J/E]
血管周囲細胞を起点とした組織病態生理と再生/修復	
オーガナイザー：植村 明嘉(名古屋市立大学) 山本 誠士(富山大学)	
Introduction	[17:30]
2PW2-03-1	[17:31]
血管周囲線維芽細胞の未分化性維持の破綻が線維化疾患・腫瘍の進行に関わる	
榎本 篤(名古屋大学大学院医学系研究科腫瘍病理学)	
2PW2-03-2 (2P-0622)	[17:50]
家族性大腸腺腫症モデルマウスにおけるインターロイキン-11産生細胞の解析	
竹田 若水 ^{1,2} , 仁科 隆史 ¹ , 出口 裕 ¹ , 西山 千春 ² , 中野 裕康 ¹ (¹ 東邦大・医・生化学, ² 東京理科大・基礎工・生物工学)	
2PW2-03-3	[18:03]
ペリサイトによる形態形成：数理モデルと実験の融合によるアプローチ	
杉原 圭 ¹ , 佐々木 沙織 ² , 植村 明嘉 ³ , 木戸秋 悟 ² , 三浦 岳 ^{1,4} (¹ 九州大・医・系統解剖学, ² 九州大・先導研・医用生物物理化学, ³ 名古屋大・医・網膜血管生物学, ⁴ JST CREST)	
2PW2-03-4	[18:21]
毛細血管に秘める多分化能ペリサイト-毛細血管幹細胞 Capillary stem cellsとその臨床応用	
川辺 淳一(旭川医科大学 心血管再生先端医療)	

2PW2-03-5 **[18:40]**
In vitro model of CADASIL: iPS cell-derived mural cells for unraveling the pathogenesis

 Masafumi Ihara¹, Yumi Yamamoto² (¹Dept Neurology, Natl Cerebral Cardiovasc Ctr, ²Dept Regenerative Med, Natl Cerebral Cardiovasc Ctr)

Conclusion **[18:59]**
2PW2-04 第4会場(3階303) **17:30-19:00 [J]**
共催：JST CREST 「生命動態の理解と制御のための基盤技術の創出」
数理デザイン道場 in MBSJ2018

オーガナイザー：望月 敦史(京都大学)

Introduction **[17:30]**
2PW2-04-1 **[17:31]**
数理理論が予測した少数遺伝子に基づく細胞分化システムの制御

 望月 敦史^{1,4,5}, 小林 健司^{3,4}, 前田 一貴^{3,4}, 徳岡 三紀^{2,4}, 佐藤 ゆたか^{2,4} (¹京都大学 ウイルス・再生医科学研究所, ²京都大学大学院理学研究科, ³関西学院大学 理工学部, ⁴CREST, JST, ⁵理化学研究所 理論生物学研究室)

2PW2-04-2 **[17:49]**
生物リズムを巡る実験と理論の協働

郡 宏(お茶の水女子大学)

2PW2-04-3 (3P-0603) **[18:07]**
代謝系の動的挙動のモデリングにおける大過剰化合物測定の有無の影響の数理解析

 富永 大介¹, 川口 秀夫², 堀 良美², 蓮沼 誠久², 荻野 千秋¹ (¹産総研・早大OIL, ²神戸大・院科技イノベ・バイオ生産, ³神戸大・院工・バイオ生産)

2PW2-04-4 **[18:23]**
曲面上の分子拡散動態シミュレーションから予想される細胞形状の役割

井上 康博, 木村 健治(京大・ウイルス再生)

2PW2-04-5 **[18:41]**
上皮組織変形のための連続体モデル：細胞から組織へ

 石原 秀至¹, Philippe Marcq², 杉村 薫³ (¹東大・総文・複雑センター, ²キュリー研究所, ³京大・iCeMS)

Conclusion **[18:59]**
2PW2-05 第5会場(3階304) **17:30-19:00 [J]**
多能性幹細胞の根幹を制御する分子基盤に迫る

オーガナイザー：赤木 紀之(金沢大学)

高島 康弘(京都大学)

Introduction **[17:30]**
2PW2-05-1 **[17:31]**
マウスES細胞における転写因子GABPの機能解析

上田 篤, 赤木 紀之, 横田 崇(金沢大・医・再生分子医学)

2PW2-05-2 **[17:38]**
ナイーブ型多能性維持に寄与する転写因子の機能冗長性の分子基盤

丹羽 仁史(熊本大学発生医学研究所多能性幹細胞分野)

2PW2-05-3 (2P-0439) **[17:53]**
分化多能性の獲得に必要なクロマチン再編成において転写因子Esrrbの果たす役割

足立 健次郎, Hans R Schöler (Dept of Cell and Dev Biol, Max Planck Institute for Molecular Biomedicine)

2PW2-05-4 (3P-0383) [18:03]

マウス胚性幹細胞の永続的な未分化状態の確立と維持を支える分子基盤山口 新平¹, 小西 理予², 前田 隆寛², 木村 康義³, 仲野 徹²(¹大阪大学大学院 医学系研究科, ²大阪大学大学院 生命機能研究科, ³ジョンズ・ホプキンス大学)

2PW2-05-5 [18:13]

多能性幹細胞の未分化性維持と分化制御の分子基盤

糸 昭苑(東京工業大学)

2PW2-05-6 [18:28]

多能性幹細胞のエネルギー代謝による制御

岡村 大治, 田中 法子, 佐渡 敬(近大・農・バイオ)

2PW2-05-7 (3P-0389) [18:43]

Ground stateにおけるマウスES細胞の不均一性の同定堀江 恭二¹, 渡邊 仁美², 西村 陽介³, 渡邊 日佳流³, 関 真秀⁴, 清田 晃史⁴, 加藤 輝⁶, 若本 祐⁻⁵, 鈴木 穰⁴, 山田 拓司², 近藤 玄², 吉田 純子¹(¹奈良医・生理, ²京大・ウイルス再生研・統合生体プロセス, ³東工大・生命理工, ⁴東大・新領域CBMS, ⁵東大・院総合文化, ⁶生命創成探究セ・生物画像情報)

2PW2-05-8 [18:53]

ヒトナイーブ型多能性幹細胞を利用しヒト初期発生を解析する

高島 康弘(京都大学 iPS細胞研究所)

2PW2-06 第6会場(3階 311+312) 17:30-19:00 [J]

共催: NINSアストロバイオロジーセンター早稲田大学サテライト

現在の生命に普遍な4塩基20アミノ酸の制約から外れた進化を探るオーガナイザー: 木賀 大介(早稲田大学)
赤沼 哲史(早稲田大学)

Introduction [17:30]

2PW2-06-1 [17:38]

Xenobiology: 人工塩基対を用いた遺伝情報の拡張

平尾 一郎(Institute of Bioengineering and Nanotechnology, A*STAR)

2PW2-06-2 [17:58]

微惑星における多様なアミノ酸の形成

癸生川 陽子(横浜国立大学)

2PW2-06-3 [18:18]

アミノアシルトRNA合成酵素の分子系統解析と祖先酵素復元に基づく翻訳系の進化の解析

横堀 伸一(東薬大・生命・応用生命)

2PW2-06-4 [18:38]

システインを持たない人工タンパク質によるシステイン生合成藤島 皓介¹, Kendrick Wang², Jesse Palmer³, 阿部 のぞみ⁴, 中東 憲治^{4,5}, Drew Endy², Lynn Rothschild³(¹東工大・地球生命研, ²スタンフォード大, ³NASA・エイムズ研, ⁴慶大・先端研, ⁵スバイパー(株))

Conclusion [18:58]

2PW2-07 第7会場(3階 313+314) 17:30-19:00 [J]

ユビキチン on クロマチン -ユビキチンが先導するDNAトランスアクション-オーガナイザー: 伊藤 伸介(理化学研究所)
中川 直(東北大学)

Introduction [17:30]

2PW2-07-1	[17:31]
ポリコーム複合体PRC1.1によるCpGアイランドのエピゲノム制御	
伊藤 伸介, 近藤 隆, 相下 紘貴, 近藤 香, 柴田 真利花, 高野 淳一郎, 古関 明彦(理化学研究所 生命医学研究センター)	
2PW2-07-2	[17:45]
内分泌因子によるエピゲノム制御を介した骨格筋細胞の代謝リプログラミング	
阿南 浩太郎, 日野 信次朗, 高瀬 隆大, 興梠 健作, 荒木 裕貴, 中尾 光善(熊本大・発生研・細胞医学)	
2PW2-07-3	[18:00]
DSBシグナル伝達と修復におけるPRC1とヒストンユビキチン化に関する分子機能解析	
宇井 彩子(東京工科大学)	
2PW2-07-4	[18:15]
PCNAのユビキチン化によるDNA損傷トランスの制御機構の解析	
益谷 央豪 ^{1,2} , 金尾 梨絵 ^{1,2} , 松尾(楠本) 理加 ¹ , 増田 雄司 ^{1,2} (¹ 名古屋大学 環境医学研究所 ゲノム動態制御分野, ² 名古屋大学 大学院医学系研究科)	
2PW2-07-5	[18:30]
UHRF1依存的なPAF15のユビキチン化を介したDNA維持メチル化制御	
西山 敦哉 ¹ , 千葉 祥恵 ¹ , 隈本 宗一郎 ¹ , 佐伯 泰 ² , 郡 聡美 ³ , 川上 徹 ⁴ , 有田 恭平 ³ , 中西 真 ¹ (¹ 東大・医科研・癌防御, ² 都医総研・蛋白質代謝, ³ 横浜市大・生命・構造生物, ⁴ 阪大・蛋白研・蛋白質有機化学)	
2PW2-07-6	[18:45]
ユビキチン化によるFACT複合体の機能制御	
中川 直, 諸星 茜, 中山 啓子(東北大・院医・細胞増殖制御)	
Conclusion	[18:59]
<hr/>	
2PW2-08 第8会場(3階 315)	17:30-19:00 [J]
共催：新学術領域研究「酸素生物学」	
酸素生物学のテクニカルシンギュラリティー ～in vivoで酸素を見て、働きを知る新たなアプローチ～	
オーガナイザー：西川 恵三(大阪大学) 坂口 怜子(京都大学)	
2PW2-08-1	[17:30]
りん光寿命イメージング法によるin vivo酸素分圧計測	
吉原 利忠, 飛田 成史(群馬大・院理工・分子科学)	
2PW2-08-2	[17:48]
二光子励起りん光寿命イメージングによる腫瘍深部酸素濃度の非侵襲的な定量観察	
坂口 怜子 ¹ , 吉原 利忠 ² , 飛田 成史 ² , 森 泰生 ³ (¹ 京大・iCeMS・, ² 群馬大・理工, ³ 京大・院工)	
2PW2-08-3	[18:06]
マウス生体内におけるATP動態計測と利用	
山本 正道 ^{1,2} (¹ 京都大学 大学院医学研究科 腎臓内科学, ² 科学技術振興機構 さきがけ)	
2PW2-08-4	[18:24]
酸素イメージングを活用した破骨細胞の酸素生物学研究	
西川 恵三(大阪大学免疫学フロンティア研究センター 免疫細胞生物学)	
2PW2-08-5	[18:42]
メタボローム解析が明らかにする、免疫活性化を起因とする不安・恐怖亢進メカニズム	
杉浦 悠毅(慶應義塾大学医学部医化学)	

2PW2-09 第9会場(4階 411+412) 17:30-19:00 [J]

細胞のGTP検知機構の進化と機能

 オーガナイザー：千田 俊哉(高エネルギー加速器研究機構)
 河口 理紗(産業技術総合研究所)

2PW2-09-1 [17:30]

GTP代謝とその検知機構のいつ、なぜ、どうやって

河口 理紗(産業技術総合研究所 人工知能研究センター)

2PW2-09-2 [17:36]

神経膠芽腫における GTP 代謝亢進の意義

 小藤 智史¹, 佐々木 敦朗²(¹広大・院薬・生理化学, ²シンシナティ大学)

2PW2-09-3 (3P-0623) [17:50]

新規NADアナログNGDの機能解析

夜久 圭介, 中川 崇(富山大学 大学院医学薬学研究部(医学) 病態代謝解析学講座)

2PW2-09-4 [18:04]

特異的阻害剤が拓く細胞内GTPセンサーの機能解明

竹内 恒(産業技術総合研究所)

2PW2-09-5 [18:18]

PI5P4Kの持つGTP依存的kinase活性の生理的役割とその進化的考察

池田 幸樹(シンシナティ大学)

2PW2-09-6 [18:32]

X線結晶構造解析を利用したGTPセンサーの分子進化の解明に向けて

 原田 彩佳¹, 千田 俊哉¹²(¹高エネ機構 構造生物学研究センター, ²総研大 物構専攻)

2PW2-09-7 [18:46]

ホスファチジルイノシトール5-リン酸4-キナーゼ(PI5P4K)遺伝子ファミリーの分子進化解析

中川 草(東海大学医学部)

2PW2-10 第10会場(4階 413) 17:30-19:00 [J]

蛋白質複合体の溶液中解析 一様な手法から何を読み解くか？

 オーガナイザー：小川 寛之(東京大学)
 内橋 貴之(名古屋大学)

2PW2-10-1 [17:30]

微小管脱重合反応を推進する遷移段階KIF2-チューブリン複合体の溶液解析

 小川 寛之¹, 西條 慎也², 清水 伸隆³, 蔣 緒光¹, 廣川 信隆¹(¹東大・院医, ²高エネ機構・物構研・放射光)

2PW2-10-2 [17:48]

超遠心分析と静的光散乱法による蛋白質の性状ならびに相互作用解析

有坂 文雄(東京工業大学)

2PW2-10-3 (1P-0059) [18:06]

てんかんの原因となる蛋白質複合体 LGI1-ADAM22 の構造基盤

 山形 敦史¹, 宮崎 裕理², 深田 優子³, 深田 正紀², 深井 周也¹(¹東京大学・定量生命科学研究所, ²自然科学研究機構生理学研究所・生体膜研究部門)

2PW2-10-4 [18:24]

マルチドメイン蛋白質をプラットフォームとした蛋白質複合体の相互作用・構造解析

上久保 裕生(奈良先端科学技術大学院大学物質創成科学領域)

2PW2-10-5 [18:42]

高速AFM・ネイティブ質量分析・超遠心分析・電子顕微鏡の複合解析で明らかにする分子シャペロンClpBの多量体構造とダイナミクス

 内橋 貴之¹, 渡辺 洋平², 内山 進^{3,4}, 村田 和義⁵, 飯野 亮太^{6,7}(¹名大・院理・物理, ²甲南大・理・生物, ³阪大・院工・生命先端, ⁴生命創成探究センター, ⁵生理研, ⁶分子研, ⁷総研大)

2PW2-11 第11会場(4階 414+415) 17:30-19:00 [J]

動植物の比較から考えるゲノム恒常性維持戦略

オーガナイザー：坪内 知美(基礎生物学研究所)
梅田 正明(奈良先端科学技術大学院大学)

Introduction [17:30]

2PW2-11-1 [17:31]

複製フォーク動態を介した多能性幹細胞におけるゲノム安定性維持機構上川 泰直¹, 坪内 知美^{1,2}(¹基生研,²総研大)

2PW2-11-2 [17:49]

植物におけるアグロバクテリウムを介したT-DNA挿入機構の解析横井 彩子^{1,2}, 雑賀 啓明¹, Lan-Ying Lee³, Stanton Gelvin³, 土岐 精一^{4,1}(¹農研機構 生物機能 先進作物ゲノム,²JSTさきがけ,³Purdue大学,⁴横浜市大・木原生研)

2PW2-11-3 (2P-0173) [18:07]

Piwi-piRNAによるトランスポゾン抑制はNxf2を介した転写制御とヘテロクロマチン形成により引き起こされる

村野 健作, 岩崎 由香, 益子 あかね, 渋谷 あおい, 塩見 春彦(慶應義塾大学医学部)

2PW2-11-4 [18:22]

植物ホルモンによるクロマチン構造変化を介したゲノム恒常性維持機構

安喜 史織, Aida Nazlyn Binti Nazari, 高橋 直紀, 高塚 大知, 梅田 正明(奈良先端科学技術大学院大学 先端科学技術研究所)

2PW2-11-5 [18:40]

正常ヒト細胞のゲノム恒常性に係わるDNA損傷応答のダイナミズム

鈴木 啓司(長崎大学原爆後障害医療研究所)

Conclusion [18:58]

2PW2-12 第12会場(4階 416+417) 17:30-19:00 [J]

脳発生プログラムの複雑化と、その進化

オーガナイザー：水谷 健一(神戸学院大学)
丸山 千秋(東京都医学総合研究所)

Introduction [17:30]

2PW2-12-1 [17:33]

神経分化過程の多極性形態期を制御する分子機構の解明

水谷 健一(神戸学院大学大学院 薬学研究科 幹細胞生物学研究室)

2PW2-12-2 [17:47]

大脳皮質神経細胞の産生調節機構と、その進化～マウスとヒトのゲノム配列を用いた機能解析田畑 秀典¹, 八谷 剛史², 下田 耕治³, 林 周宏³, 永田 浩一¹, 榎原 康文⁴, 仲嶋 一範²(¹愛知県心身障害者コロニー・発達障害研・神経制御,²岩手医大・メガバンク,³慶應大・医・解剖,⁴慶應大・理工・生命情報,⁵慶應大・医・動物実験センター)

2PW2-12-3 [18:01]

フェレットを用いた複雑脳発生機構の解明

恒川 雄二, 末次 妙子, 藤田 生水, 下向 敦範, 松崎 文雄(理化学研究所 生命機能科学研究センター)

2PW2-12-4 [18:15]

神経細胞の分化・移動機構の変化と哺乳類型大脳新皮質構造の進化

野村 真(京都府立医科大学大学院神経発生生物学)

2PW2-12-5 (1P-0498) [18:29]

未成熟・成熟大脳皮質ニューロンにおけるサブタイプ転換

大石 康二, 仲嶋 一範(慶應義塾大学医学部)

2PW2-12-6	[18:43]
哺乳類大脳新皮質の発生、進化におけるサブプレート層の役割 丸山 千秋(公益財団法人東京都医学総合研究所)	
Conclusion	[18:57]
2PW2-13 第13会場(4階418)	17:30-19:00 [J]
がん微小環境の制御に関わるトリソミー関連遺伝子 オーガナイザー：田中 美和(がん研究会がん研究所) 南 敬(熊本大学)	
Introduction	[17:30]
2PW2-13-1	[17:32]
ダウン症モデルマウスを用いたがんの発症と悪性化機構の解析 田中 美和, 芳野 聖子, 本目 みずき, 高原 智子, 中村 彩, 山崎 ゆかり, 中村 卓郎(がん研究会 がん研究所 発がん研究部)	
2PW2-13-2	[17:54]
ダウン症関連急性巨核芽球性白血病に対する新規治療および予防法 大里 元美 ^{1,2} (¹ シンガポール国大・がん科学研, ² 熊大・国際先端医学研)	
2PW2-13-3	[18:16]
ヒト21トリソミー関連遺伝子(<i>ERG, DSCR-1</i>)による内皮恒常性維持と抗がん作用 南 敬(熊大・生命セ・院生命科学・分子血管)	
2PW2-13-4 (3P-0200)	[18:38]
ダウン症トリソミー関連遺伝子による細胞サイズの調節 山本 一男 ¹ , 浅井 将 ² (¹ 長崎大・医・共同利用研究センター, ² 東京理科大・薬・生命創薬科学・遺伝子制御学)	
2PW2-14 第14会場(4階419)	17:30-19:00 [J]
受胎期から幼少期の環境に対する遺伝子制御応答の多様性と疾患感受性 オーガナイザー：佐藤 憲子(東京医科歯科大学) 久保田 健夫(聖徳大学)	
2PW2-14-1	[17:30]
受胎期から幼少期の遺伝子制御システムの環境応答 久保田 健夫(聖徳大学児童学部)	
2PW2-14-2	[17:40]
両親年齢が配偶子形成から受精後の遺伝子発現調節に及ぼす影響 幸田 尚(山梨大学・生命環境)	
2PW2-14-3	[17:55]
新規転写伸長エピゲノム調節機構と胎生期低栄養による生活習慣病発症との関連 望月 和樹 ¹ , 針谷 夏代 ² , 本間 一江 ¹ , 合田 敏尚 ⁴ , 久保田 健夫 ³ (¹ 山梨大学・生命環境学, ² 山梨学院大・健康栄養, ³ 聖徳大・児童学, ⁴ 静岡県立・食品栄養)	
2PW2-14-4	[18:10]
「氏と育ち」への介入効果の検討 根本 崇宏(日本医科大学 生理学(生体統御学))	
2PW2-14-5	[18:25]
DOHaD仮説におけるエピゲノム記憶とDNAメチル化の機能的意義 橋本 貢士(東京医科歯科大学 大学院医歯学総合研究科 メタボ先制医療講座)	
2PW2-14-6	[18:40]
出生前コホート特有の細胞構成が生むDNAメチル化多様性 佐藤 憲子(東京医科歯科大学・難治疾患研究所・環境エピゲノム/分子疫学)	
Conclusion	[18:55]

2PW2-15 第15会場(5階 501)	17:30-19:00 [J/E]
染色体動態の堅牢性と柔軟性を支える分子メカニズム	
オーガナイザー：加納 純子(大阪大学) 大杉 美穂(東京大学)	
2PW2-15-1	[17:30]
染色体末端ドメインによる染色体全体の構造・動態制御	
竹内 亜美, 堀口 茉祐里, 加納 純子(大阪大学・蛋白質研究所)	
2PW2-15-2 (3P-0320)	[17:44]
RZZ複合体のキネトコア局在制御機構とその染色体安定性維持における役割	
池田 真教, 田中 耕三(東北大学加齢医学研究所 分子腫瘍学研究分野)	
2PW2-15-3	[17:53]
安定した染色体分離を支える中期後期移行のロバストな制御	
広田 亨(がん研究会 がん研究所)	
2PW2-15-4 (3P-0302)	[18:08]
分裂期核小体の再形成によって制御される分裂監視機構と腫瘍化制御	
河原 康一, 川畑 拓斗, 朝日 汰一, 古川 龍彦(国立大学法人 鹿児島大学)	
2PW2-15-5	[18:17]
Partitioning of synaptonemal complex phosphorylation promotes meiotic chromosome segregation	
Aya Sato-Carlton ¹ , Chihiro Nakamura-Tabuchi ¹ , Stephane K Chartrand ¹ , Tomoki Uchino ¹ , Peter Carlton ^{1,2} (¹ Graduate School of Biostudies, Kyoto University, ² Radiation Biology Center, Kyoto University)	
2PW2-15-6	[18:32]
Molecular and evolutionary strategies of meiotic cheating by selfish centromeres	
Takashi Akera, Emily Trimm, Michael A Lampson (Dept of Biology, Univ of Pennsylvania)	
2PW2-15-7	[18:47]
受精を支えるマウス卵減数分裂終了過程	
大杉 美穂 ^{1,2} , 戸塚 隆弥 ² , 添田 翔 ³ (¹ 東大・院総合文化・広域科学, ² 東大・院理・生物科学, ³ 沖縄科学技術大学院大)	
2PW2-16 第16会場(5階 502)	17:30-19:00 [J]
長鎖ノンコーディングRNAによる細胞核イベントの制御	
オーガナイザー：斉藤 典子(がん研究会がん研究所) 秋光 信佳(東京大学)	
Introduction	[17:30]
2PW2-16-1	[17:31]
長鎖ノンコードRNAを含有する新規核内構造体, HiNoCo-bodyを介した熱ショック応答機構の解析	
小野口(水谷) 玲菜, 鈴木 穰 ² , 川村 猛 ¹ , 秋光 信佳 ¹ (¹ 東京大学アイソトープ総合センター, ² 東京大学大学院新領域創成科学研究科)	
2PW2-16-2 (3P-0173)	[17:47]
核内構造体バラスベックル独立性維持のための分子機構の解明	
高桑 央 ¹ , 山崎 智弘 ¹ , Sylvie Souquere ² , Gerard Pierron ² , 廣瀬 哲郎 ¹ (¹ 北大・遺制研, ² Institut Gustave Roussy)	
2PW2-16-3 (2P-0687)	[17:59]
RamDA-seqがもたらす1細胞RNAシーケンス法の新たな展望	
林 哲太郎, 梅田 茉奈, 尾崎 遼, 笹川 洋平, 二階堂 愛(理化学研究所 生命機能科学研究センター バイオインフォマティクス研究開発ユニット)	

2PW2-16-4 [18:11]

染色体不活性化における非コードXIST RNAとSmchd1-Hbix1Xの役割長尾 恒治¹, 榎原 祐樹², 坂口 武久², 木村 宏³, 佐渡 敬^{4,2}, 小布施 力史¹(¹大阪大学 大学院理学研究科 生物科学専攻, ²九州大学 生体防御医学研究所, ³東京工業大学 科学技術創成研究院 細胞制御工学研究センター, ⁴近畿大学 農学部 バイオサイエンス学科)

2PW2-16-5 [18:27]

がん細胞の制御に関わる長鎖非翻訳RNA TUG1を標的とした新規治療法

近藤 豊(名古屋大・院医・腫瘍生物学)

2PW2-16-6 [18:43]

乳がんの高次クロマチドメインに関わるノンコーディングRNA

斉藤 典子(がん研究会がん研究所)

Conclusion [18:59]

2PW2-17 第17会場(5階 503) 17:30-19:00 [J]

共催：新学術領域研究「新生鎖の生物学」

新生鎖によるリソソーム制御の分子機構から新規翻訳産物の生理機能へオーガナイザー：千葉 志信(京都産業大学)
田口 英樹(東京工業大学)

Introduction [17:30]

2PW2-17-1 [17:33]

新規調節性アレストペプチドの探索

千葉 志信(京産大・総合生命)

2PW2-17-2 [17:46]

再構成型酵母翻訳系の開発とその応用：eIF5Aの機能解析

富田(竹内) 野乃(東京大学大学院新領域創成科学研究科)

2PW2-17-3 [17:59]

tRNAomics: new insights into nascent chain biology and implications for translation studies

Chien-Wen Chen, Motomasa Tanaka (Laboratory for Protein Conformation Diseases, Center for Brain Science, RIKEN)

2PW2-17-4 [18:12]

XBP1 α 翻訳休止機構と小胞体ストレス下での役割大古殿 美加¹, 曾川 愛守榮², 柳谷 耕太¹, 河野 憲二¹(¹奈良先端科学技術大学院大学 研究推進機構, ²大阪国際がんセンター 研究所)

2PW2-17-5 (3P-0197) [18:25]

翻訳停滞に伴い形成されるダイソーム構造によって品質管理機構が惹起される池内 健¹, Petr Tesina², 杉山 誉人¹, 松尾 芳隆¹, Jingdong Cheng², 佐伯 泰³, Thomas Becker², 田中 啓二³, Roland Beckmann², 稲田 利文¹(¹東北大・院薬, ²Gene Center Munich, LMU Munich, ³都医学研)

2PW2-17-6 [18:34]

mTORシグナルによる細胞種特異的な新生鎖合成制御による神経の形態形成機構

池内 与志穂(東大・生研)

2PW2-17-7 [18:47]

神経変性疾患ノンコーディングリベイト病におけるリベイト関連ATG非依存性(RAN)翻訳の制御メカニズム

永井 義隆(阪大・院医・神経難病治療学)

2PW2-18 第18会場(5階 511+512)	17:30-19:00 [J]
微生物の増殖とふるまいの複雑性：多様なモデル微生物系から到達する新たな理解	
オーガナイザー：加藤 節(広島大学) 尾崎 省吾(九州大学)	
2PW2-18-1	[17:30]
個性と集団行動を両立させる仕組み〜大腸菌の走化性を例に	
加藤 節(広島大学大学院先端物質科学研究科)	
2PW2-18-2	[17:45]
細菌パーシスタンスにおける生存モードの多様性	
若本 祐一(東大・院総合文化)	
2PW2-18-3	[18:00]
細菌のダイニングメッセージ	
野村 暢彦 ^{1,2} , 豊福 雅典 ^{1,2} , 尾花 望 ^{1,2} (¹ 筑波大学生命環境系, ² JST ERATO野村集団微生物制御プロジェクト)	
2PW2-18-4 (3P-0296)	[18:15]
栄養増殖期とG0静止期の両方に必須な分裂酵母ER局在タンパク質Cwh43は主要栄養源の利用と脂質代謝に強い影響を与える	
中沢 宜彦 ¹ , 照屋 貴之 ¹ , 佐二木 健一 ¹ , Xingya Xu ¹ , 新川 織江 ¹ , 齋藤 成昭 ² , 柳田 充弘 ¹ (¹ 沖縄科学技術大学院大、G0細胞ユニット, ² 久留米大、分子生命科学研究所)	
2PW2-18-5	[18:30]
大腸菌の炭素源シフトにおけるオーバーフロー代謝の役割	
田中 寛(東京工業大学・研究院・化生研)	
2PW2-18-6	[18:45]
The role of the bacterial second messenger signaling for chromosome segregation dynamics in <i>Caulobacter crescentus</i>	
尾崎 省吾 ^{1,2} , Urs Jenal ² , 若杉 泰敬 ¹ , 片山 勉 ¹ (¹ 九大・薬・分子生物, ² バーゼル大・バイオセンター)	

第3日目11月30日(金)

3AW-04 Room 4 (3F 303)

9:00-11:00 [E]

Mitochondria-governed evolution and higher-order functions in life

 Organizers : Koji Okamoto (Osaka University)
 Kaori Ishikawa (University of Tsukuba)

Introduction [9:00]

3AW-04-1 [9:01]

Cell cycle-dependent dynamic association of the mitochondrial protein entry gate, TOM complex

 Takuya Shiota¹, Haruka Sakaue², Toshiya Endo², Kher Shing Tan³, Trevor Lithgow³ (¹Organi. for Prom. of TT., Univ. of Miyazaki, ²Dept. of Sci., Kyoto-Sangyo Univ., ³Dept. of Microbiol., Monash Univ.)

3AW-04-2 (3P-0254) [9:23]

Degradation of proteins at the ER-mitochondria contact site depends on an autophagy-related pathway

Toshiaki Kishida, Koji Okamoto (Osaka University Graduate School of Frontier Biosciences)

3AW-04-3 (3P-0230) [9:33]

Membrane phospholipids regulate protease activities in mitochondria

Yohsuke Ohba, Thomas MacVicar, Thomas Langer (Max Planck Institute for Biology of Ageing)

3AW-04-4 [9:43]

Wnt signaling mediates intercellular mitochondrial proteostasis stress

Ye Tian (State Key Laboratory of Molecular Developmental Biology, Institute of Genetics and Developmental Biology, Chinese Academy of Sciences)

3AW-04-5 (2P-0484) [10:05]

The Role of Giant Mitochondria in the Runaway Evolution of Sperm Tails in *Drosophila*

 Sohei Kaneko¹, Akari Takeuchi², Shin Sugiyama¹ (¹Division of Biological Science, Graduate School of Science, Nagoya University, ²Department of Biological Science, School of Science, Nagoya University)

3AW-04-6 [10:15]

Progressive neurodegeneration and abnormal behavior were caused by acquired expression of mutant Mitofusin 2 in neurons

 Kaori Ishikawa¹, Satoshi Yamamoto², Satoko Hattori³, Naoya Nishimura², Takayuki Mito¹, Hirokazu Matsumoto², Tsuyoshi Miyakawa³, Kazuto Nakada¹ (¹Faculty of Life and Environ Sci, Univ of Tsukuba, ²Integrated Tech Res Labs, Pharmaceutical Res Div, Takeda Pharmaceutical Company, ³Div of System Med Sci, Inst for Comprehens Med Sci, Fujita Health Univ)

3AW-04-7 [10:37]

Mitochondrial Stasis Reveals p62/Keap1-mediated Ubiquitination in Parkin-independent Mitophagy and Mitigates Nonalcoholic Fatty Liver Disease

Hiromi Sesaki (Johns Hopkins University)

Conclusion [10:59]

3AW-06 第6会場(3階 311+312)

9:00-11:00 [J/E]

細胞が創る空間パターンニングの脱構築と再構築

 オーガナイザー : 茂木 文夫(国立シンガポール大学/テマセク生命科学研究所/メカノバイオロジー研究所)
 木村 暁(国立遺伝学研究所)

Introduction [9:00]

3AW-06-1 [9:03]

微小管とキネシンによって自己組織的に形成されるアスター構造が示す細胞様運動

 鳥澤 高征^{1,2}, 石原 秀至³, 大岩 和弘² (¹遺伝研・細胞建築, ²情報通研・未来ICT, ³東大・総合文化)

3AW-06-2	[9:18]
アクチオシンの収縮力によって動く液滴：細胞運動の構成的理解を目指して	
宮崎 牧人(京大・白眉/院理)	
3AW-06-3	[9:33]
細胞サイズ空間による細胞内反応拡散波の発生制御	
藤原 慶(慶應義塾大学理工学部)	
3AW-06-4	[9:48]
イノシトールリン脂質によるメンブレンコンタクト形成と脂質交換輸送制御	
中津 史(新潟大・院医・分子細胞機能)	
3AW-06-5 (2P-0291)	[10:03]
Dynamics of the Par complex during the cell-autonomous polarization in the reconstruction system	
Kalya Kawamoto ^{1,2} , Shigeki Yoshiura ² , Masahiko Morita ³ , Satoko Takemoto ³ , Hideo Yokota ³ , Tatsuo Shibata ² , Fumio Matsuzaki ² (¹ Grad. Sch. of Bio., Kyoto Univ., ² RIKEN BDR, ³ RIKEN RAP)	
3AW-06-6	[10:15]
細胞極性プログラムの脱構築と再構築	
茂木 文夫(テマセク生命科学研究所・メカノバイオロジー研究所・国立シンガポール大学)	
3AW-06-7 (3P-0355)	[10:30]
In vitro in silico interfaceによる気管支分岐形成メカニズムの解析	
野畑 李奈 ¹ , 川原 知洋 ² , 萩原 将也 ³ (¹ 大阪府大・院理・生物, ² 九工大・院生命体工学, ³ 大阪府大・Nanosquare拠点研究所)	
3AW-06-8	[10:42]
発生現象を培養細胞上で再構成する	
戎家 美紀(EMBL Barcelona)	
Conclusion	[10:57]

3AW-07 Room 7 (3F 313+314)	9:00-11:00 [E]
Ubiquitin New Frontier: Decryption and Manipulation of the Ubiquitin Code	
Organizers : Yasushi Saeki (Tokyo Metropolitan Institute of Medical Science) Kazuhiro Iwai (Kyoto University)	

Introduction	[9:00]
---------------------	--------

3AW-07-1	[9:05]
Mechanisms for the recognition of K63-linked ubiquitin chains by the ubiquitin ligase RNF168	
Shuya Fukai (IQB, Univ of Tokyo)	

3AW-07-2	[9:20]
Role of ubiquitination in nuclear export of proteins	
Shigeo Murata, Shoshiro Hirayama, Noritaka Ohigashi, Hideki Yashiroda (Graduate School of Pharmaceutical Sciences, the University of Tokyo)	

3AW-07-3	[9:35]
The ubiquitin ligases ITC and UBR5 regulate proteasomal degradation through K48/K63 branched ubiquitin chains	
Fumiaki Ohtake, Yasushi Saeki, Keiji Tanaka (Tokyo Metropolitan Institute of Medical Science)	

3AW-07-4 (3P-0329)	[9:50]
Ubiquitination of the E3 ligase HOIP within its catalytic region regulates immune responses	
Lilian Fennell, Fumiyo Ikeda (Institute of Molecular Biotechnology (IMBA))	

3AW-07-5 (3P-0075)	[10:00]
Structural basis of stabilization mechanism of LUBAC, a ligase for linear-ubiquitination	
Akira Tokunaga ¹ , Hiroaki Fujita ² , Erik Walinda ³ , Izuru Ohki ¹ , Mariko Ariyoshi ³ , Hidehito Tochio ⁴ , Kazuhiro Iwai ² , Masahiro Shirakawa ¹ (¹ Dept of Mol Eng, Grad Sch of Eng, Univ of Kyoto, ² Dept of Med Sci, Grad Sch of Med, Univ of Kyoto, ³ Grad Sch of Frontier Biosci, Univ of Osaka, ⁴ Dept of Biol Sci, Grad Sch of Sci, Univ of Kyoto)	

3AW-07-6	[10:10]
Ubiquitin ligase RFFL regulates plasma membrane proteostasis	
Tsukasa Okiyoneda ¹ , Ryohei Sakai ¹ , Satoshi Muneoka ² , Asako Nagahira ² , Yoshiaki Tomimori ² , Momoko Higashi ¹ , Shin Unida ¹ , Yuji Ono ¹ , Ryosuke Fukuda ¹ (¹ Department of Biomedical Chemistry, Kwansai Gakuin University, ² Asubio Pharma Co, Ltd.)	
3AW-07-7	[10:25]
Analysis of the molecular mechanisms of action of novel cereblon modulators	
Takumi Ito, Hiroshi Handa (Tokyo Medical University)	
3AW-07-8	[10:40]
Inducing target-specific protein degradation by SNIPER compounds recruiting IAP ubiquitin ligases	
Mikihiko Naito (Nat'l Inst Health Sci)	
Conclusion	[10:55]
<hr/>	
3AW-08 第8会場(3階 315)	9:00-11:00 [J]
エクソソーム研究のその先に：がん研究をモデルとしたエクソソーム研究の新展開	
オーガナイザー：小坂 展慶(東京医科大学) 吉岡 祐亮(国立がん研究センター研究所)	
Introduction	[9:00]
3AW-08-1	[9:05]
エクソソームの分泌制御による新規がん治療法の可能性	
吉岡 祐亮(国立がん研セ・研・分子細胞治療)	
3AW-08-2 (2P-0317)	[9:22]
直径5-30μmの大型細胞膜小胞の効率的な単離および膜動態の操作	
岡田 咲耶 ¹ , 斉藤 寿仁 ^{1,2} (¹ 熊大・院・自然科学・生物, ² 熊大・先端科学・生物)	
3AW-08-3 (3P-0590)	[9:34]
頭頸部扁平上皮がんのリンパ節転移における LOXL2 のエクソソームへの局在の意義	
矢野 元 ¹ , 谷本 玲奈 ¹ , 真田 朋昌 ² , 上田 哲平 ² , 羽藤 直人 ² , 田中 潤也 ¹ (¹ 愛媛大・院医・分細胞生理, ² 愛媛大・耳鼻咽喉・頭頸部外科)	
3AW-08-4	[9:46]
がん微小環境中の老化細胞とエクソソーム	
高橋 暁子(公益財団法人がん研究会がん研究所細胞老化プロジェクト・さきがけ)	
3AW-08-5	[10:03]
LCI-SIによる細胞外微粒子分泌動態可視化への挑戦	
白崎 善隆 ^{1,2,3} (¹ 科学技術振興機構, ² 東大・院理・生物科学, ³ 理研IMS)	
3AW-08-6	[10:20]
ウイルス感染細胞由来エクソソームの役割	
幸谷 愛(東海大学医学部)	
3AW-08-7	[10:37]
細胞外小胞の分泌機構解明による新たな細胞間相互作用機構の理解とがん治療への応用	
小坂 展慶 ^{1,2} , 占部 文彦 ² , 山元 智史 ² , 澤 百合香 ² , 落谷 孝広 ^{2,3} (¹ 東京医大・産学連携・細胞外小胞創薬研究, ² 国立がん研セ・研・分子細胞治療, ³ 東京医大・医総研・分子細胞治療)	
Conclusion	[10:54]

3AW-09 第9会場(4階 411+412) 9:00-11:00 [J]
発生過程で動き出すノジエンニック領域

 オーガナイザー：山中 総一郎(慶應義塾大学)
 岸 雄介(東京大学)

Introduction [9:00]
3AW-09-1 (2P-0007) [9:03]
ゴノサイトでの新規DNAメチル化に付随して起こる多段階のクロマチンの緩み

 山中 総一郎¹, 西原 秀典², 藤 英博³, 永井 映司^{4,5}, 橋本 浩介⁶, 朴 聖俊⁷, 渋谷 あおい¹, Ana Maria Suzuki⁶, 田中 悠二郎¹, 中井 謙太^{4,5}, Piero Carninci⁸, 佐々木 裕之³, 塩見 春彦¹(¹慶應義塾大学 医学部 分子生物学教室, ²東京工業大学 大学院生命理工学研究所 細胞制御工学研究センター, ³九州大学 生体防御医学研究所 エピゲノム制御学分野, ⁴東京大学 医科学研究所 ヒトゲノム解析センター, ⁵東京大学大学院 新領域創成科学研究科 メディカル情報生命専攻, ⁶理化学研究所 生命医科学研究センター トランスクリプトーム研究チーム)

3AW-09-2 [9:20]
減数分裂前期前期相同染色体対合に寄与するncRNA及び制御因子の特定と解析

 丁 大橋¹, 原口 徳子¹, 平岡 泰²(¹国立研究開発法人情報通信研究機構未来ICT研究所, ²阪大・生命機能)

3AW-09-3 [9:40]
ゲノム構造再編成における動的核変形の役割

 落合 博^{1,2}, 李 聖林^{1,2}, 小坂田 文隆³, 竹田 淳一³(¹広大・院理・数理, ²JSTさきがけ, ³名大・院創薬・細胞薬効)

3AW-09-4 [10:00]
神経発生におけるペリセントロメア領域の役割

岸 雄介, 木下 隆太, 後藤 由季子(東大・院薬)

3AW-09-5 [10:15]
ヒト脳細胞における体細胞LINE-1挿入の検出

 文東 美紀¹, 加藤 忠史², 岩本 和也¹(¹熊大・院生命科学・分子脳科学, ²理研・CBS・精神疾患動態)

3AW-09-6 [10:35]
テトラヒメナにおける短鎖RNA 依存的DNA削減によるトランスポゾン抑制

望月 一史(フランス国立科学研究センター (CNRS) ヒト遺伝学研究所 (IGH))

3AW-10 第10会場(4階 413) 9:00-11:00 [J]
共催：新学術領域研究「動的構造生命科学を拓く新発想測定技術-タンパク質が動作する姿を活写する-」
見えてきた！フレキシブルでダイナミックなゲノム維持機構のすがた

 オーガナイザー：古郡 麻子(大阪大学)
 大学 保一(東北大学)

3AW-10-1 [9:00]
大腸菌非六量体型DNAヘリカーゼUvrDの1分子イメージング

横田 浩章(光産創大・光バイオ)

3AW-10-2 [9:18]
分裂期進行に伴う停止した複製フォークからのレプリソーム解離機構の解析

橋本 吉民, 田中 弘文(東薬大・生命科学)

3AW-10-3 [9:36]
ゲノム科学的視点から見るDNAポリメラーゼ機能の柔軟性

大学 保一, 中山 真由美(東北大学 学際科学フロンティア研究所)

3AW-10-4 (3P-0092) [9:54]
複製起点の特異的認識を保証する、動的かつゲノムワイドなORC・一本鎖結合制御

 川上 広宣¹, 千々布 壮陽¹, 金本 祥太¹, 栗原 拓也¹, 大橋 英治², 釣本 敏樹², 片山 勉¹(¹九大・院薬・分子生物, ²九大・理・生物)

3AW-10-5 **[10:09]**
クライオ電顕で「見る」古細菌複製フォーク複合体の機能構造

 真柳 浩太¹, 沖 啓輔², 石野 園子², 宮崎 直幸³, 岩崎 憲治³, 神田 大輔¹, 白井 剛¹, 石野 良純^{2(九大・生医研, 2九大院・農, 3阪大・蛋白研, 4長浜バイオ大・バイオサイエンス学部)}
3AW-10-6 **[10:27]**
DNA二本鎖切断修復機構で動くヒトMre11/Ra50/Nbs1複合体の動的構造解析

古郡 麻子(阪大・蛋白研)

3AW-10-7 (3P-0097) **[10:45]**
Rif1の結合標的であるグアニン4重鎖構造の細胞内存在と形成のメカニズム

 加納 豊¹, 松本 清治¹, 關口 直樹^{1,2}, 小林 俊介^{2,1}, 深津 理乃¹, 鸛正 直子¹, 正井 久雄^{1(1都医学研・ゲノム医科学, 2日大・相関理化学・総基礎科学, 3東京バイオ専門学校)}
3AW-11 第11会場(4階 414+415) **9:00-11:00 [J]**
筋骨格系組織のジャンクション形成と維持における分子メカニズム

 オーガナイザー：宿南 知佐(広島大学)
 浅原 弘嗣(東京医科歯科大学)

3AW-11-1 (2P-0428) **[9:00]**
腱マスター転写因子Mkxとメカニカルストレスによる人工腱様組織の作製

 片岡 健輔¹, 千葉 朋希¹, 伊藤 義晃², 加藤 眞理子¹, 河村 峻太郎¹, 中道 亮³, 浅原 弘嗣^{1,4,5(1東京医科歯科大学大学院 システム発生・再生医学分野, 2東京医科歯科大学 リサーチコアセンター, 3岡山大学大学院 医歯薬学総合研究科, 4スクリプス研究所, 5国立研究開発法人 日本医療研究開発機構 革新的先端研究開発支援事業 AMED-CREST)}
3AW-11-2 **[9:20]**
転写因子Pax1/9によるAggrecanの発現制御と椎間板組織における役割

 滝本 晶¹, 宿南 知佐^{2(1京大・ウイルス再生研・生体分子設計学, 2広大・院医歯薬保健学・生体分子機能学)}
3AW-11-3 **[9:40]**
Notchとカルシトニン受容体による筋幹細胞維持メカニズム

深田 宗一郎(大阪大学大学院 薬学研究科)

3AW-11-4 **[10:00]**
ジストログリカンがつくる基底膜ジャンクションと病態

金川 基(神戸大学大学院医学研究科)

3AW-11-5 **[10:20]**
Scx陽性腱細胞による筋配向制御機構の解析

乾 雅史(明治大学農学部生命科学科 動物再生システム学研究室)

3AW-11-6 **[10:40]**
神経筋接合部の形成・維持シグナルとその制御

山梨 裕司(東京大学医科学研究所)

3AW-12 第12会場(4階 416+417) **9:00-11:00 [J]**
早期診断から先制治療に向けたアルツハイマー病に対する新たな研究アプローチ

 オーガナイザー：津田 玲生(国立長寿医療研究センター)
 飯島 浩一(国立長寿医療研究センター)

Introduction **[9:00]**
3AW-12-1 **[9:05]**
アルツハイマー病の早期診断：血液バイオマーカーの開発とその可能性

中村 昭範(国立長寿医療研究センター 脳機能画像診断開発部)

3AW-12-2 (3P-0470) **[9:30]**
染色体高次構造を介したアルツハイマー病リスクバリエーションの影響

 菊地 正隆¹, 原 範和², 長谷川 舞衣¹, 宮下 哲典², 桑野 良三³, 池内 健², 中谷 明弘^{1(1大阪大・院医・ゲノム情報学, 2新潟大・脳研・遺伝子機能解析学, 3旭川荘総研)}

3AW-12-3	[9:45]
糖尿病とアルツハイマー病の悪循環の分子機構	
里 直行(国立長寿医療研究センター・分子基盤研究部)	
3AW-12-4	[10:05]
tauから見たアルツハイマー病の診断から治療の可能性	
小野 麻衣子(量研機構・放医研)	
3AW-12-5 (3P-0198)	[10:25]
tauと相互作用するGas7の機能解析	
清水 泰希, 藤田 彩子, 内田 隆史(東北大学)	
3AW-12-6	[10:40]
ドラッグリポジショニングによるアルツハイマー病治療薬の開発	
津田 玲生, 山崎 泰豊, 南 竜之介, 林 永美(国立長寿セ・創薬モデル)	
3AW-13 第13会場(4階418)	9:00-11:00 [J/E]
糖生物学の病態生理 ～食品化学から創薬まで～	
オーガナイザー: 稲城 玲子(東京大学) 永井 竜児(東海大学)	
Introduction	[9:00]
3AW-13-1	[9:03]
糖化蛋白は高齢社会対策の重要な鍵!	
稲城 玲子(東京大学大学院医学系研究科CKD病態生理学講座)	
3AW-13-2	[9:13]
グリケーションとその生体応答系	
山本 靖彦(金沢大学医薬保健研究域医学系血管分子生物学)	
3AW-13-3	[9:33]
AGEsと加齢関連疾患との関連性解析	
須川 日加里 ¹ , 大野 礼一 ¹ , 白河 潤一 ² , 木下 奨 ² , 荒川 翔太郎 ³ , 永井 美芽 ² , 永井 竜児 ¹² (¹ 東海大学大学院生物科学研究科, ² 東海大学農学部バイオサイエンス学科, ³ 東京慈恵会医科大学整形外科)	
3AW-13-4	[9:53]
Exploration of Advanced Glycation End Products-induced Sarcopenia: Pathophysiology and Therapeutic Potentials	
Chih-Kang Chiang (Graduate Institute of Toxicology, National Taiwan University College of Medicine)	
3AW-13-5	[10:13]
天然化合物による糖化物質の生成と作用の制御	
藤原 章雄(熊本大学大学院生命科学研究部細胞病理学分野)	
3AW-13-6 (3P-0035)	[10:33]
モノクローナル抗体およびLC-MS/MSを用いたアセトアルデヒド代謝に伴うタンパク質変性機構の解析	
砂掛 詩織 ¹ , 白河 潤一 ² , 永井 竜児 ¹² (¹ 東海大・院農・農学, ² 東海大・農・バイオサイエンス)	
3AW-13-7 (2P-0793)	[10:45]
生活習慣が毛髪の糖化へ与える影響および植物エキスによる糖化抑制効果	
松原 明子, 永井 雅, 松本 恵, 石川 大仁, 萩原 啓太郎, 瀧本 陽介(株式会社ヘルスケアシステムズ)	
Conclusion	[10:57]

3AW-14 第14会場(4階419) 9:00-11:00 [J]
 生命科学分野における実践的研究倫理教育を目指して

オーガナイザー：池上 徹(東京大学)
 原田 英美子(滋賀県立大学)

Introduction [9:00]

3AW-14-1 [9:05]

研究不正問題の包括的理解と実践的な解決法の探索
 原田 英美子(滋賀県立大学)

3AW-14-2 [9:25]

国立大学元総長の研究不正疑惑～学会・大学の対応
 大村 泉(東北大学)

3AW-14-3 (3P-0803) [9:45]

組織コミットメントが引き起こす不正行動に関する考察
 森口 文博(関西学院大学 経営戦略研究科)

3AW-14-4 [10:00]

研究上の不正行為を防止するための12の対策
 黒木 登志夫(日本学術振興会)

3AW-14-5 [10:20]

滋賀県立大学における「環境研究倫理特論」：開講前後の経緯を中心に
 高倉 耕一(滋賀県立大学環境科学部)

3AW-14-6 [10:40]

日本への研究者倫理教育の導入 ～CITI Japan / APRIN e-learning利用者のアンケートからの分析～
 野内 玲^{1,2}(¹APRIN, ²信大・医)

3AW-18 第18会場(5階511+512) 9:00-11:00 [J]

人工知能に負けない研究

オーガナイザー：白木 琢磨(近畿大学)
 井倉 毅(京都大学)

Introduction [9:00]

3AW-18-1 [9:02]

ゲノム修復核内ドメインの構造構築
 田代 聡(広大・原医研・細胞修復制御)

3AW-18-2 [9:20]

実験データと分子シミュレーションを機械学習で融合する
 高田 彰二(京都大学大学院理学研究科)

3AW-18-3 [9:38]

ゲノムストレス応答研究における知の創成
 井倉 毅¹, 古谷 寛治², 井倉 正枝¹(¹京大・院・生命科学・放生研・クロマチン動態, ²京大・院・生命科学・放生研・ゲノム維持)

3AW-18-4 [9:56]

時間分解測定法における逆転の発想：超解像顕微鏡法とのアナロジー
 中川 達央(株式会社ユニソク)

3AW-18-5 [10:14]

ゆらぎが活性に変換されるしくみ：核内受容体をめぐる発想
 白木 琢磨(近畿大学)

3AW-18-6 (3P-0451) **[10:32]**

臨界仮説に基づく視聴覚統合の神経基盤

平林 美樹^{1,2}, 大橋 弘忠¹(¹東大・院工・システム創成, ²宇宙航空研究開発機構)

3AW-18-7 (2P-0754) **[10:46]**

機械学習による動物行動戦略の解説

本田 直樹¹, 山口 正一朗², 池田 宗樹³, 塚田 祐基³, 中野 俊詩³, 森 郁恵³, 石井 信²(¹京大・院生命, ²京大・院情報, ³名大・院理)

Conclusion **[10:58]**

3PW-02 第2会場(3階 301) **15:45-17:15 [J]**

細胞計測と機械学習の結合が拓く新しい生物学研究とバイオテクノロジー開発

オーガナイザー：城口 克之(理化学研究所)
太田 禎生(東京大学)

3PW-02-1 **[15:45]**

細胞イメージ解析における機械学習

佐藤 一誠(東京大学)

3PW-02-2 **[16:07]**

ロボティックバイオロジーと生命科学の将来

高橋 恒一(理化学研究所)

3PW-02-3 **[16:29]**

細胞の網羅的遺伝子発現の経時“計測”と未来予測へ向けて

城口 克之^{1,2,3}(¹理研・BDR, ²理研・IMS, ³JST さきがけ)

3PW-02-4 (3P-0802) **[16:47]**

機械学習を用いた集団増殖における環境因子の貢献度分析

應 裕文, 芦野 一葉, 菅野 健太, 天笠 俊之(筑波大学)

3PW-02-5 **[16:57]**

"Seeing is believing"を超えて。機械学習駆動型セルソーター

太田 禎生(東大・先端研)

3PW-03 第3会場(3階 302) **15:45-17:15 [J]**

抗ウイルス応答とRNAサイレンシング

オーガナイザー：米山 光俊(千葉大学)
程 久美子(東京大学)

Introduction **[15:45]**

3PW-03-1 **[15:47]**

タバコの黄化症状はウイルスに対するサイレンシングを宿主遺伝子に偶然発動した結果である

増田 税, 志村 華子(北海道大学大学院農学研究院)

3PW-03-2 (3P-0188) **[16:04]**

カイコ生殖細胞のトランスポゾン抑制機構におけるQinの機能解析

西田 知訓¹, 宮田 祐実¹, 鍛冶屋 麻子¹, 岩崎 由香², 塩見 春彦², 塩見 美喜子¹(¹東京大学大学院理学系研究科生物, ²慶應義塾大学医学部)

3PW-03-3 **[16:21]**

ウイルス感染により細胞内ウイルスセンサー LGP2はRNAサイレンシングを介して遺伝子発現ネットワークを制御する

高橋 朋子¹, 中野 悠子¹, 尾野本 浩司², 米山 光俊², 程 久美子¹(¹東大・院理・生物学, ²千葉大・真菌医学研究センター)

3PW-03-4	[16:38]
RIG-I様受容体LGP2とRNAサイレンシング制御因子の抗ピコルナウイルス自然免疫応答における役割	
小室 見彦(新潟薬大・薬・生化学)	
3PW-03-5	[16:55]
RLRを介した抗ウイルス自然免疫応答におけるTRBPの機能解析	
尾野本 浩司 ¹ , 高橋 朋子 ² , 中野 悠子 ² , 程 久美子 ^{2,3} , 米山 光俊 ¹ (¹ 千葉大・真菌・感染免疫, ² 東大・院理・生物科学, ³ 東大・新領域・メディカル情報生命専攻)	
Conclusion	[17:12]
<hr/>	
3PW-04 第4会場(3階 303)	15:45-17:15 [J]
時×空間×オミクスが加速する生命科学ルネッサンス	
オーガナイザー：島村 徹平(名古屋大学) 大澤 毅(東京大学)	
Introduction	[15:45]
3PW-04-1	[15:46]
がん免疫システムの時間・空間・個体間多様性を読み解くデータサイエンス	
島村 徹平(名大・院医・システム生物)	
3PW-04-2	[15:57]
体内時計の時×空間×オミクス	
吉種 光, 深田 吉孝(東京大学 大学院理学系研究科)	
3PW-04-3 (1P-0092)	[16:08]
炎症性サイトカインによる染色体構造変化の俯瞰的解析	
神吉 康晴 ¹ , 東島 佳毅 ² , 松井 祐介 ³ , 島村 徹平 ³ , 阿部 陽平 ⁵ , 堤 修一 ⁴ , 和田 洋一郎 ¹ (¹ 東大・アイン, ² 東京医科歯科大・難治研・生体情報薬理, ³ 名大・院医・システム生物, ⁴ 東大・先端研・ゲノム, ⁵ UCSD・医学部・細胞分子医学)	
3PW-04-4 (3P-0589)	[16:19]
大腸がん進化過程における腫瘍内不均一性の生成原理の移り変わり	
新井田 厚司 ¹ , 齋藤 崇子 ² , 三森 功士 ² , 宮野 悟 ¹ (¹ 東京大学医科学研究所, ² 九州大学病院別府病院外科)	
3PW-04-5	[16:30]
がんゲノムにおけるスプライシング変異の網羅的な検出	
白石 友一(国立がん研究センター)	
3PW-04-6	[16:41]
様々な悪性腫瘍の大規模オミクス解析により同定されたPD-L1/2免疫チェックポイントのゲノム異常	
片岡 圭亮(国立がん研究センター 研究所分子腫瘍学分野)	
3PW-04-7	[16:52]
がん遺伝子ハイスループット機能解析によるがん生物学の統合的理解	
高阪 真路 ¹ , 長野 匡晃 ^{1,2} , 間野 博行 ¹ (¹ 国立がん研究センター 研究所 細胞情報学分野, ² 東京大学大学院医学系研究科 呼吸器外科)	
3PW-04-8	[17:03]
ニュートリオミクスでがん悪性化機構を解き明かす	
大澤 毅(東大・先端研・ニュートリオミクス腫瘍学)	
Conclusion	[17:14]

3PW-05 第5会場(3階 304)	15:45-17:15 [J]
細胞内スーパーイメージングの世界	
オーガナイザー：藤本 豊士(名古屋大学) 谷田 以誠(順天堂大学)	
3PW-05-1	[15:45]
超高分解能SEMによる細胞内膜系の3Dイメージング	
甲賀 大輔 ¹ , 渡部 剛 ¹ , 中澤 英子 ² , 内山 安男 ³ (¹ 旭川医大・医・顕微解剖, ² 日立ハイテク, ³ 順天堂大・院医・神経疾患病態構造)	
3PW-05-2	[16:01]
“精密”光線—電子相関顕微鏡法からマルチカラー CLEMへ	
谷田 以誠 ¹ , 角田 宗一郎 ^{2,3} , 内山 安男 ² (¹ 順大・医・神経生物, ² 順大・院医・老研, ³ 順大・院医・研究基盤)	
3PW-05-3	[16:17]
電子顕微鏡によるホスファチジルセリンの細胞内分布解析	
辻 琢磨, 藤本 豊士(名古屋大学大学院医学系研究科分子細胞学)	
3PW-05-4	[16:33]
CLEM解析によるマイトファジー-隔離膜のイメージング	
和栗 聡, 荒井 律子(福島県立医科大学・医・解剖-組織学講座)	
3PW-05-5	[16:49]
自然免疫分子STINGの活性化と不活性化の分子機構	
田口 友彦 ^{1,2} , 向井 康治朗 ¹ (¹ 東北大学大学院生命科学系研究科, ² 日本医療研究開発機構)	
3PW-05-6 (2P-0508)	[17:05]
層板小体の恒常性維持におけるLRRK2の役割	
荒木 美保 ¹ , 高鳥 翔 ¹ , 伊藤 弦太 ² , 富田 泰輔 ^{1,2} (¹ 東京大学大学院薬学系研究科機能病態学教室, ² 東京大学大学院薬学系研究科脳神経疾患治療学社会連携講座)	
3PW-06 第6会場(3階 311+312)	15:45-17:15 [J]
in situ構造生物学による真核細胞内蛋白質の動態解明	
オーガナイザー：伊藤 隆(首都大学東京) 木川 隆則(理化学研究所)	
Introduction	[15:45]
3PW-06-1	[15:48]
細胞環境におけるタンパク質の構造多様性	
木川 隆則 ^{1,2} (¹ 理研・生命機能科学, ² 東工大・情報理工)	
3PW-06-2	[16:00]
in-cell NMR法を活用した生細胞内の生命現象のリアルタイム観測	
西田 紀貴, 嶋田 一夫(東大・院薬)	
3PW-06-3 (2P-0016)	[16:15]
In-cell NMR法を用いたヒト生細胞内の核酸の解析	
山置 佑大 ¹ , 永田 崇 ^{1,2} , 清石 彩華 ² , 三宅 雅之 ² , 林 冠亨 ² , 高見 昇平 ² , 加納 ふみ ³ , 村田 昌之 ^{3,4} , 片平 正人 ^{1,2} (¹ 京大・エネルギー理工研, ² 京大・院エネルギー, ³ 東工大・科学技術創成, ⁴ 東大・院総合文化)	
3PW-06-4	[16:25]
ダイヤモンドNV中心(NVC)による量子センシングによる細胞内の物性測定	
白川 昌宏 ¹ , 五十嵐 龍治 ² , 源城 拓哉 ¹ , 外間 進悟 ³ , 藤咲 貴大 ¹ , 寺田 大紀 ¹ , 田辺 竜太郎 ¹ , 大木 出 ¹ , 吉成 洋祐 ⁴ , 初尾 豪人 ⁵ (¹ 京都大学大学院工学研究科, ² 量子科学技術研究開発機構, ³ 大阪大学蛋白質研究所, ⁴ 日本電子株式会社, ⁵ 京都大学大学院理学研究科)	
3PW-06-5	[16:40]
細胞環境におけるタンパク質の機能を理解する分子シミュレーション	
杉田 有治(理研・開拓研究本部・杉田理論分子)	

3PW-06-6 **[16:55]**
生きた真核細胞内の蛋白質の高分解能立体構造解析

伊藤 隆, 池谷 鉄兵 (首都大・院理・化学)

Conclusion **[17:10]**
3PW-07 第7会場(3階 313+314) **15:45-17:15 [J]**
クロマチン制御マシナリーの構築・作用・制御の新機軸

オーガナイザー：齋藤 都暁 (国立遺伝学研究所)

佐藤 薫 (東京大学)

Introduction **[15:45]**
3PW-07-1 **[15:47]**
ショウジョウバエpiRNAクラスター転写における新規piRNA因子Egretの機能解析

佐藤 薫, 塩見 美喜子 (東京大学)

3PW-07-2 **[16:01]**
プロモーターノンコーディングRNA獲得によるほ乳類遺伝子活性化機構の多様化

今村 拓也 (九州大学大学院医学研究院)

3PW-07-3 **[16:17]**
トランスボソンの遺伝子コード領域および非コード領域におけるヘテロクロマチンの消失とその継世代的回復

 藤 泰子¹, 稲垣 宗², 樽谷 芳明², 加藤 夏絵², 富永 さやか¹, 豊田 敦², 藤山 秋佐夫², 角谷 徹仁^{1,2} (東京大学理学系研究科,²国立遺伝学研究所)

3PW-07-4 **[16:33]**
ショウジョウバエにおける新規トランスボソン制御因子の同定と機能解明

 齋藤 都暁¹ (遺伝研・無脊椎, ²総研大・遺伝学)

3PW-07-5 (2P-0116) **[16:46]**
クロマチンの高次構造とヒストンダイナミクスの解析

 立和名 博昭¹, Mariko Dacher², 原田 哲仁³, 木村 宏¹, 大川 恭行³, 胡桃板 仁志², 齊藤 典子¹ (公益財団法人がん研究会がん研究所, ²東京大学定量生命科学研究所, ³九州大学生体防御医学研究所, ⁴東京工業大学科学技術創成研究院)

3PW-07-6 (2P-0159) **[17:00]**
PML bodyによる遺伝子転写制御メカニズムの解析～AP-CLaP法を用いて～

栗原 美寿々, 三宝 千秋, 加藤 輝, 重信 秀治, 宮成 悠介 (基礎生物学研究所)

Conclusion **[17:14]**
3PW-08 第8会場(3階 315) **15:45-17:15 [J]**
Hippo経路の生理と病理

オーガナイザー：西尾 美希 (神戸大学)

石原 えりか (東京医科歯科大学)

Introduction **[15:45]**
3PW-08-1 **[15:46]**
Hippo経路の破綻病態と治療戦略

 西尾 美希¹, 大森 裕文^{1,2}, 藤 庸子³, 中谷 圭佑¹, 青野 ゆかり¹, 清野 透¹, 益田 宗幸⁵, 中川 尚志², 片瀨 秀隆³, 田代 浩徳⁶, 前濱 朝彦¹, 鈴木 聡^{1,2} (神大・院医・分子細胞生物学,²九大・院医・耳鼻咽喉科,³熊大・医・産科婦人科学,⁴国立がん研・発がん予防,⁵九州がんセンター,⁶熊大・院医・保健・母子看護学,⁷九大・生体防御医学研究所)

3PW-08-2 (3P-0352) **[16:00]**
がん遺伝子Krasによって引き起こされる膵管腺癌の代謝経路に与えるYapの役割

 村上 重和¹, Ivan Nemazanyy², Shannon M. White¹, Hengye Chen¹, Chan D.K. Nguyen¹, Garrett T. Graham¹, Dieter Saur³, Mario Pende², Chunling Yi¹ (ジョージタウン大・腫瘍,²パリ第5大学・医学,³ミュンヘン大学・消化器)

3PW-08-3 (3P-0338) [16:14]

Hippo経路と細胞外小胞によるがん免疫の制御

諸石 寿朗^{1,2}(¹熊大・分子酵素,²熊大・健康長寿センター)

3PW-08-4 [16:28]

悪性中皮腫におけるHippo経路の破綻による腫瘍進展機構

向井 智美¹, 松下 明弘¹, 佐藤 龍洋¹, 藤下 晃章², 三城 惠美², 奥田 真帆¹, 青木 正博², 関戸 好孝¹(¹愛知がんセ・研・分子腫瘍,²愛知がんセ・研・がん病態生理)

3PW-08-5 [16:42]

転写共役因子YAPが誘導する細胞排除現象の解析

石原 えりか, 仁科 博史(東京医科歯科大学難治疾患研究所 発生再生生物学分野)

3PW-08-6 [16:56]

ケミカルバイオロジーからアプローチしたTAZの新しい制御機構の解析

長島 俊太¹, 丸山 順一¹, 岩佐 宏晃¹, 有本 松崎 京子¹, 本田 香織², 近藤 恭光², 長田 裕之², 名和 真希子³, 石上 湯浅 磨里⁴, 影近 弘之⁴, 中浜 健一², 仁科 博史¹, 畑 裕¹(¹医科歯科大・院医歯学・病態代謝解析学,²理研・環境・ケミカルバイオロジー G,³医科歯科大・難治研・細胞プロテオーム解析,⁴医科歯科大・生材研・薬化学,⁵医科歯科大・院医歯学・分子細胞機能学,⁶医科歯科大・難治研・発生再生生物学)

総説討論 [17:10]

3PW-09 第9会場(4階 411+412) 15:45-17:15 [J]

筋ミトコンドリア研究の新展開

オーガナイザー：東谷 篤志(東北大学)
小林 剛(名古屋大学)

Introduction [15:45]

3PW-09-1 [15:47]

Unloadingストレスに対する筋細胞の初期応答:酸化ストレスの重要性

二川 健¹, 内田 貴之¹, 中尾 玲子¹, 平坂 克也², 真板 宣夫³, 東谷 篤志⁴, 小林 剛⁵, 石原 直忠⁶, 曾我部 正博⁷(¹徳島大 院医歯薬学研究部 生体栄養学分野,²長崎大 海洋未来イノベーション機構,³徳島大 先端酵素学研究所,⁴東北大 院生命科学,⁵名古屋大 院医学,⁶久留米大 院医学系)

3PW-09-2 (3P-0245) [16:04]

ANT1はJNKシグナリングを介してIL-6の発現を調節する

中原 一貴¹, 田中 達英¹, 奥田 洋明², 石西 綾美¹, 森田 竹村 晶子¹, 辰巳 見子¹, 和中 明生¹(¹奈良県立医科大学第二解剖学講座,²金沢大学 医薬保健研究域医学系 機能解剖学講座)

3PW-09-3 [16:21]

エピゲノム因子によるミトコンドリア機能と細胞制御

阿南 浩太郎, 田中 宏, 井形 朋香, 荒木 裕貴, 日野 信次朗, 中尾 光善(熊大・発生医研・細胞医学)

3PW-09-4 [16:38]

線虫を用いた筋ミトコンドリア研究

東谷 篤志¹, 小林 剛²(¹東北大・院・生命科学,²名大・医学)

3PW-09-5 [16:55]

ミトコンドリアのダイナミックな形態変化と筋組織の形成・萎縮

一村 彩佳², 小笠原 絵美^{1,2}, 石原 孝也^{1,2}, 石原 直忠^{1,2}(¹阪大・院理・生物科学,²久留米大・分子生命研)

Conclusion [17:12]

3PW-10 第10会場(4階 413) 15:45-17:15 [J]

マウスとラットの比較実験動物学で探る遺伝子の新たな機能

オーガナイザー：小出 剛(国立遺伝学研究所)
庫本 高志(東京農業大学)

Introduction [15:45]

3PW-10-1 (3P-0691) [15:49]
GONAD法を用いた簡便ゲノム編集マウス・ラット作製法

 小林 朋絵¹, 難波 真澄¹, 古家野 孝行¹, 佐藤 正宏², 大塚 正人^{3,4}, 松山 誠¹(¹重井医学研究所 分子遺伝, ²鹿大・医用ミニブタセ・遺伝子発現, ³東海大・医・分子生命, ⁴東海大・総医研)

3PW-10-2 [16:06]
マウス・ラットにおけるゲノム編集技術の現状

 吉見 一人^{1,2}, 真下 知士^{1,2}(¹阪大・医・附属共同研ゲノム編集センター, ²阪大・医・動物実験施設)

3PW-10-3 [16:23]
遺伝性白内障発症におけるマウス・ラット間の比較解析

 安田 俊平¹, 関 優太¹, 和田 健太², 渡部 桂¹, 庫本 高志³, 真下 知士⁴, 設楽 浩志⁵, 吉川 欣亮¹(¹都医学研・哺乳類遺伝プロジェクト, ²東農大・生物産業, ³東農大・農, ⁴阪大院・医学系研究科, ⁵都医学研・基盤技術研究センター)

3PW-10-4 [16:40]
脳におけるグルタミン酸脱炭酸酵素アイソフォームの役割：ノックアウトマウスとノックアウトラットの表現型の比較研究

柳川 石千夫(群馬大学大学院医学系研究科)

3PW-10-5 [16:57]
マウスとラットを用いた痒み伝達機構の比較解析

 高浪 景子¹, 坂本 浩隆², 小出 剛¹(¹国立遺伝学研究所マウス開発研究室, ²岡山大学大学院自然科学研究科理学部附属臨海実験所)

Conclusion [17:14]
3PW-11 第11会場(4階 414+415) 15:45-17:15 [J]
生殖細胞のエピゲノム変化と次世代への継承

 オーガナイザー：野原 恵子(国立環境研究所)
 岡田 由紀(東京大学)

Introduction [15:45]
3PW-11-1 [15:48]
妊娠期無機ヒ素曝露による孫世代(F2)の肝腫瘍増加に関与する仔世代(F1)精子のエピゲノム変化

 野原 恵子¹, 岡村 和幸^{1,2}, 鈴木 武博¹, 中林 一彦², 秦 健一郎²(¹国立環境研・リスク・健康研究セ, ²成育医療研究セ・周産期病態)

3PW-11-2 (2P-0125) [16:03]
マウス精子におけるIAPレトロトランスポゾンのローカス特異的な低メチル化は転写因子結合部位と関連する下須賀 健一², 福田 溪³, 佐々木 裕之², 一柳 健司¹(¹名大・院生命農学・動物科学, ²九大・生医研, ³理研・和光)
3PW-11-3 [16:18]
精子残存ヒストンの網羅的局在解析と加齢性変化の探索

 岡田 由紀¹, 山口 幸佑^{1,2}(¹東京大学 定量生命科学研究所, ²東京大学 大学院総合文化研究科)

3PW-11-4 [16:30]
栄養条件によるエピゲノム変化の遺伝

 石井 俊輔¹, 吉田 圭介¹, 前川 利男¹, 村谷 匡史²(¹理研開拓研究本部, ²筑波大学医学医療系)

3PW-11-5 [16:45]
受精前後における遺伝子発現とヒストン変異体の変化について

青木 不学(東大・院新領域・先端生命)

3PW-11-6 [17:00]
胎児期の環境ストレスと出生児で実際に観察されるエピゲノム変化

秦 健一郎(国立研究開発法人 国立成育医療研究センター研究所 周産期病態研究部)

3PW-12 第12会場(4階 416+417)

15:45-17:15 [J]

精神・神経疾患の基礎研究～プロテオスタシスの視点から～

オーガナイザー：松本 弦(長崎大学)

若月 修二(国立精神・神経医療研究センター)

3PW-12-1

[15:45]

タウ凝集伝播細胞株における線維化タウ封入体の形成と分解

松本 弦, 森 望(長崎大学大学院医歯薬学総合研究科)

3PW-12-2

[16:02]

 α シヌクレインシードのプリオン様伝播における神経回路を介した急速播種奥住 文美¹, 黒澤 大², 波田野 琢¹, 山中 智行³, 宮崎 晴子³, 古川 良明⁴, 服部 信孝¹, 真名 信行³(¹順天堂・神経学, ²順天堂・院医・環境医学研究所, ³同志社大・脳科学研究科, ⁴慶應・理工学部)

3PW-12-3 (3P-0250)

[16:16]

小胞体サブドメインで起こるオートファゴソームのサイズ制御機構の解析

山本 洋平¹, 永田 和宏², 野田 健司¹(¹大阪大学大学院歯学研究科口腔科学フロンティアセンター, ²京都産業大学総合生命科学部)

3PW-12-4

[16:30]

MITOLはA β オリゴマーの蓄積抑制によりアルツハイマー病を緩和する

武田 啓佑, 岩崎 浩子, 椎葉 一心, 稲留 涼子, 柳 茂(東薬大・生命)

3PW-12-5 (2P-0527)

[16:44]

ハルプロ酸母体投与自閉症モデルマウスにおいて興奮性シナプス形成異常をもたらし分子メカニズムの解明

吉田 文明¹, 長友 亮太¹, 木村 美咲¹, 伊藤 弦太², 高鳥 翔¹, 富田 泰輔^{1,2}(¹東京大学大学院薬学系研究科機能病態学教室, ²東京大学大学院薬学系研究科脳神経疾患治療学社会連携講座)

3PW-12-6

[16:58]

細胞内pH調節系のシナプス形成への寄与

若月 修二, 荒木 敏之(国立精神神経セ・神経研・疾病五部)

3PW-13 第13会場(4階 418)

15:45-17:15 [J]

DNA修復異常により起こる疾患の分子生物学-分子病態から治療法開発まで-

オーガナイザー：廣田 耕志(首都大学東京)

中田 慎一郎(大阪大学)

Introduction

[15:45]

3PW-13-1

[15:49]

XRCC1は塩基除去修復過程で発生する有毒なPARP-DNA複合体を抑制する

廣田 耕志¹, 津田 雅貴^{2,3}, 大岡 正人^{2,1}, 清水 直登², 佐久間 哲史³, 山本 卓³, 武田 俊一²(¹首都大学東京・理・院(化学), ²京都大学・医・院(放射線遺伝学), ³広島大学・理・院(数理分子生命科学))

3PW-13-2

[16:01]

RNAポリメラーゼのユビキチン化修飾による転写共役ヌクレオチド除去修復の反応制御とコケイン症候群の病態

郭 朝方, 賈 楠, 岡 泰由, 中沢 由華, 荻 朋男(名大・環研・発生遺伝 / 名大・院医・人類遺伝)

3PW-13-3

[16:13]

microRNA生合成タンパクDGCR8による転写と共役したヌクレオチド除去修復の制御機構

谷口 俊哉, 渡邊 孝明(東海大学医学部分子生命科学)

3PW-13-4 (2P-0106)

[16:25]

転写共役型相同組換え修復の開始における分子メカニズムの解明

加藤 玲於奈¹, 安原 崇哲¹, 萩原 慶彦², 塩谷 文章³, 山内 基弘⁴, 中田 慎一郎⁵, 柴田 淳史², 宮川 清¹(¹東京大・院医 放射線分子医学, ²群馬大・院医 大学院教育研究支援センター, ³国立がん研究センター・細胞情報学分野, ⁴長崎大・原研・放射線生物 防護学分野, ⁵大阪大・院医・細胞応答制御学)

3PW-13-5

[16:37]

DNAクロスリンク修復因子SLX4のエピキチン化による制御機構

 勝木 陽子¹, 安倍 昌子¹, Haico van Attikum², 中田 慎一郎³, 鐘巻 将人⁴, Yonghwan Kim⁵, 矢部 みはる⁶, 矢部 善正⁶, 高田 稜¹(¹京大・院生命・放生研, ²ライデン大・医研, ³阪大・院医・細胞応答制御, ⁴遺伝研・分子細胞工学, ⁵淑明女子大・ゲノム維持, ⁶東海大・細胞移植)

3PW-13-6 (2P-0089)

[16:49]

内在性DNA複製ストレスは肺腺がん細胞においてATR阻害剤感受性の指標となる

 倉島 公憲¹, 柏木 秀人¹, 河野 隆志², 塩谷 文章¹(¹国がんセ・研・細胞情報学, ²国がんセ・研・ゲノム生物)

3PW-13-7

[17:01]

BRCA1は、エストロゲンによって誘導されるDNA末端に共有結合したTop2の除去に重要な働きをする。

 笹沼 博之¹, 津田 雅貴^{1,6}, 森本 俊¹, 伊東 潤二³, 戸井 雅和³, 中田 慎一郎⁵, 筒井 研⁴, Andre Nussenzweig², 武田 俊一¹(¹京都大学医学研究科放射線遺伝, ²NIH, ³京都大学医学研究科乳腺外科学, ⁴岡山大学医歯薬学総合研究科, ⁵大阪大学高等共創研究院細胞応答制御学, ⁶広島大学理学研究科数理分子生命医学専攻)

Conclusion

[17:13]

3PW-14 第14会場(4階 419)

15:45-17:15 [J]

染色体動態からみたダウン症候群の分子病態理解の最前線

 オーガナイザー：北畠 康司(大阪大学)
 田辺 秀之(総合研究大学院大学)

Introduction

[15:45]

3PW-14-1

[15:47]

母親の加齢依存性のトリソミー発生メカニズム

堤 真紀子, 倉橋 浩樹(藤田保健衛生大・総医研・分子遺伝学)

3PW-14-2

[16:04]

21トリソミー細胞における染色体テリトリー：核内空間配置の特性について

田辺 秀之(総合研究大学院大学 先端科学研究科 生命共生体進化学専攻)

3PW-14-3

[16:21]

ダウン症モデルマウスを用いた血管恒常性制御機構解析

 村松 昌¹, 赤星 彰也¹, 宮村 優里¹, 大澤 毅¹, 中川 卓³, 南 敬¹(¹熊大 生命資源 分子血管, ²東大 先端研究 ニュートロミクス・腫瘍, ³東大附属 医眼)

3PW-14-4 (3P-0496)

[16:38]

ダウン症モデルマウスにおける炎症性細胞数異常および大脳皮質発達遅延とその原因遺伝子の同定

 石原 慶一¹, 清水 涼平¹, 河下 映里¹, Warren S. Alexander², 左合 治彦³, 山川 和弘⁴, 秋葉 聡¹(¹京都薬大・病態生化, ²ウォルター・エライザホール医研・血液腫瘍, ³成育医療セ・周産期・母性診療, ⁴理研・神経遺伝)

3PW-14-5

[16:55]

ダウン症候群における新たな病態概念の確立と創薬開発

北畠 康司(大阪大学大学院医学系研究科 小児科学教室)

Conclusion

[17:12]

3PW-15 第15会場(5階 501)

15:45-17:15 [J]

ショウジョウバエを用いた行動の分子生物学

 オーガナイザー：石田 直理雄(時間生物学研究所)
 山元 大輔(未来ICT研究所)

3PW-15-1

[15:45]

ショウジョウバエ求愛行動に関わるイノシトール合成酵素の役割

石田 直理雄, 坂田 一樹, 川崎 陽久(国際科学振興財団 時間生物学研究所)

3PW-15-2	[16:05]
ショウジョウバエ非モデル種を用いた求愛行動の進化をもたらす分子・神経メカニズム	
田中 良弥 ¹ , 樋口 智大 ^{2,3} , 古波津 創 ² , 佐藤 耕世 ² , 栗崎 健 ⁴ , 山元 大輔 ¹ (¹ 名古屋大学大学院理学研究科, ² 情報通信研究機構 未来ICT研究所, ³ 東北大学大学院生命科学学研究所, ⁴ 杏林大学)	
3PW-15-3 (2P-0491)	[16:25]
睡眠の質は時計遺伝子依存的な神経発火タイミングの揺らぎで決まる	
田淵 理史, Joseph D Monaco, Kechen Zhang, Mark N Wu (ジョーンズホプキンス大学)	
3PW-15-4 (3P-0493)	[16:35]
ABCファミリー遺伝子を標的としたショウジョウバエの新規閉症モデルの解析	
上岡 伊吹 ¹ , 吉田 英樹 ^{1,2} , 山口 政光 ^{1,2} (¹ 京工織・応生, ² 京工織・昆虫先端)	
3PW-15-5	[16:45]
光遺伝学的手法の導入はパーキンソン病モデルショウジョウバエのドーパミン神経活動を改善する	
井下 強 ¹ , 孟 紅蕊 ² , 原 清敬 ³ , 澤村 直哉 ^{1,5} , 今居 譲 ^{6,7} , 服部 信孝 ^{1,6,7} (¹ 順天堂大 医 多発性硬化症・神経難病講座, ² 順天堂大 老研センター, ³ 静岡県立大学 食品栄養科学部環境生命科学科, ⁴ 早稲田大学ナノ・ライフ創新研究機構, ⁵ 早稲田大学理工学学院, ⁶ 順天堂大医 神経学講座, ⁷ 順天堂大医 パーキンソン病講座)	
3PW-15-6	[17:05]
赤外線深度センサを用いた動物の3次元行動解析	
豊田 淳 ^{1,3} , 大給 日香里 ^{1,3} , 新納 浩幸 ⁴ , 小針 大助 ^{1,3} , 岡山 毅 ^{2,3} (¹ 茨城大・農・食生命, ² 茨城大・農・地域, ³ 農工大・院連合農, ⁴ 茨城大・工・情報)	
3PW-16 第16会場(5階 502)	15:45-17:15 [J/E]
化合物を使って切り拓くRNA制御研究の新たな地平	
オーガナイザー: 米田 宏(北海道大学) 甲斐田 大輔(富山大学)	
Introduction	[15:45]
3PW-16-1	[15:48]
Translational buffering upon splicing inhibition	
Shintaro Iwasaki ^{1,2} , Jagat Chhipi Shrestha ^{3,4} , Tilman Schneider-Poetsch ³ , Minoru Yoshida ^{3,4} (¹ RIKEN CPR, ² Grad. Sch. Front. Sci., Univ. Tokyo, ³ RIKEN CSRS, ⁴ Grad. Sch. Agri. Life Sci., Univ. Tokyo)	
3PW-16-2	[16:05]
membrane-less organelle によるRNA制御機構の化合物を用いた解析	
米田 宏, 大峽 咲希, 中川 真一(北海道大学大学院・薬学研究院・RNA生物学研究室)	
3PW-16-3	[16:22]
植物の細胞ストレス応答を制御するRNA代謝制御	
畑中 優佳, 高橋 洋和, 大谷 美沙都(奈良先端大・バイオ)	
3PW-16-4	[16:39]
スプライシング阻害はトランケート型p27の産生を介して細胞周期を停止させる	
甲斐田 大輔(富山大・医)	
3PW-16-5	[16:56]
新規選択的ポリアデニル化調節化合物を用いたトランスクリプトームおよび自己制御機構の解析	
荒木 伸介 ¹ , 中山 裕介 ¹ , 在野 修 ¹ , 中尾 勝一 ¹ , 小笠原 真理 ¹ , 豊柴 博義 ¹ , 中西 淳 ¹ , Samuel Aparicio ^{2,3} (¹ 武田薬品・リサーチ, ² BC Cancer Agency・Mol Oncology, ³ Univ of British Columbia・Dept of Pathol and Lab Medicine)	
Conclusion	[17:13]

3PW-17 第17会場(5階 503)	15:45-17:15 [J]
エピジェネティクスで解く特異な生態の謎	
オーガナイザー：大山 隆(早稲田大学) 佐竹 暁子(九州大学)	
Introduction	[15:45]
3PW-17-1	[15:49]
性転換魚ホシササノハベラをモデルに解析する性的可塑性のメカニズム	
太田 耕平(九大・院農・資源生物科学)	
3PW-17-2	[16:06]
ミツバチの社会行動とエピジェネティクス	
佐々木 哲彦(玉川大学学術研究所)	
3PW-17-3 (1P-0171)	[16:23]
苔類ゼニゴケの生殖器官形成はMpCDFとMpTPLの相互作用を介して抑制される	
吉竹 良洋, 山岡 尚平, 西浜 竜一, 河内 孝之(京大・院・生命科学)	
3PW-17-4	[16:37]
温暖化環境における植物の開花：エピジェネティック制御モデルによる予測と実証	
佐竹 暁子(九州大学大学院理学研究院)	
3PW-17-5	[16:54]
食虫植物の特異な生態：消化酵素の発現に見られるエピジェネティックな制御	
荒井 直樹 ¹ , 大野 友輔 ² , 大山 隆 ^{1,2} (¹ 早大院・先進理工, ² 早大・教育・総合科学・生物)	
Conclusion	[17:11]
3PW-18 第18会場(5階 511+512)	15:45-17:15 [J]
進化分子工学と構造生物学による新規機能核酸の開発	
オーガナイザー：坂本 泰一(千葉工業大学) 井川 善也(富山大学)	
Introduction	[15:45]
3PW-18-1	[15:48]
分子シミュレーションを用いたRNAアダプターの設計手法の開発	
吉田 尚恵 ^{1,2} (¹ 日大・院工・生化, ² JSPS特別研究員DC)	
3PW-18-2	[16:00]
X線構造生物学を活用したDNAものづくり	
近藤 次郎(上智大・理工)	
3PW-18-3 (3P-0703)	[16:12]
インフルエンザウイルス感染を阻害するシアル酸修飾 3-way junction 核酸	
江原 靖人(神戸大院・人間発達)	
3PW-18-4 (3P-0744)	[16:24]
RNA・タンパク質カプシド複合体の実験室内進化	
寺坂 尚紘 ^{1,2} , 東 佑翼 ² , Stephan Tetter ² , 菅 裕明 ¹ , Donald Hilvert ² (¹ 東大・院理・化学, ² スイス連邦工科大学チューリッヒ校)	
3PW-18-5	[16:36]
ペプチドによるリボザイム機能のコントロール	
田上 俊輔(理化学研究所 BDR)	

3PW-18-6	[16:48]
NGSによる核酸酵素の大規模配列・機能解析と機能性核酸酵素の設計 横林 洋平(OIST・核酸化学&工学U)	
3PW-18-7	[17:00]
モジュール型天然リボザイムの改変と集積による機能性RNAナノ構造の創成 井川 善也(富山大・院理工・化学)	
Conclusion	[17:12]