

第3日(12月15日(金))

PA 会場

..... (1b ゲノム, ゲノム機能)

- 3PA-001 サブユニット/ドメインの相互作用に関与する類似のモジュール - フィコシアニンとピルビン酸,正リン酸ジキナーゼの場合 -
由良 敬, 郷 通子 (名大・院理・生命理)
- 3PA-002 タンパク質におけるカルシウム、亜鉛、マグネシウムイオンの配位とモジュールの関係
飯田 慶, 松井 信彰, 由良 敬, 郷 通子 (名大・院理・生命理)
- 3PA-003 カルシウム結合 E F ハンドモジュールの 3D キーノートによるゲノム機能予測の試み
松井 信彰, 由良 敬, 郷 通子 (名大・院理)
- 3PA-004 構造ゲノミクスがターゲットとする蛋白質の優先順位について
山本 宣治, 高橋 健一, 由良 敬, 郷 通子 (名大・院理・生命理)
- 3PA-005 *In vitro* virus 法を用いた遺伝子ネットワーク解析システムの構築に向けて
宮本 悦子¹, 高嶋 秀昭¹, 布施 紳一郎¹, 松本 真由子¹, 宮武 加奈¹, 小林 郁子¹, 澤崎 達也², 遠藤 弥重太², 柳川 弘志¹ (¹慶應大・理工, ²愛媛大・工)
- 3PA-006 STABLE 法によるマウスポリコム遺伝子群の *in vitro* スクリーニング
米沢 理人^{1,2}, 土居 信英¹, 東中川 徹², 柳川 弘志¹ (¹慶應大・理工, ²早大・教育・生物)
- 3PA-007 STABLE 法によるタンパク質相互作用の解析
松村 展敬, 土居 信英, 柳川 弘志 (慶應大・院理工・応化)
- 3PA-008 理研大規模シーケンスシステム-RISA system-の性能評価
柴田 一浩^{1,2}, 伊藤 昌可^{1,2}, 相澤 克則^{1,2}, 秋山 純一¹, 今野 英明^{1,2}, Piero Carninci¹, 長岡 純治^{1,3}, 佐々木 宣哉^{1,4}, 河合 純^{1,2}, 村松 正實^{1,2}, 岡崎 康司¹, 林崎 良英^{1,2,5} (¹理研・GSC・遺伝子構造機能/筑波研・生体分子機能, ²JST・CREST, ³京都工繊大, ⁴東大・薬, ⁵筑波大・基礎)
- 3PA-009 ダイターミネータ法で蛍光ラベルした DNA サンプルのハイスループット精製法
相澤 克則^{1,2}, 柴田 一浩^{1,2}, 村松 正實^{1,2}, 林崎 良英^{1,2,3} (¹理研・GSC・遺伝子構造機能/筑波研・生体分子機能, ²JST・CREST, ³筑波大・基礎)
- 3PA-010 Large coverage of the mouse genome with cap-selected full-length cDNAs
P. Carninci, K. Shibata, M. Itoh, H. Konno, Y. Shibata, K. Sato, N. Hayatsu, T. Shiraki, T. Hirozane, K. Aizawa, H. Bono, K. Kadota, S. Kondo, J. Kawai, A. Yoshiki, M. Kusakabe, M. Muramatsu, Y. Okazaki, Y. Hayashizaki (Genome Expl. Res. Grp, GSC, Biogn Ctr, CREST(JST)Tsukuba, RIKEN)
- 3PA-011 脂肪酸トランスポーターのクローニングと機能解析
森川 記行¹, 磯貝 隆夫¹, 太田 紀夫¹, 西川 哲夫¹, 河合 弓利¹, 菅野 純夫², 増保 安彦¹ (¹ヘリックス研, ²東大・医科研)
- 3PA-012 ヒト完全長 cDNA 塩基配列の決定
渡辺 幸治¹, 板倉 祥子¹, 熊谷 綾子¹, 福住 康仁¹, 藤森 克史¹, 山崎 正明¹, 磯貝 隆夫^{1,2}, 鈴木 穰^{2,3}, 菅野 純夫³, 田代 弘行¹ (¹不二家・バイオサイエンス研, ²ヘリックス研, ³東大・医科研)
- 3PA-013 Cloning full-length, Cap-Trapper -selected cDNAs by using the Single-Strand Linker Ligation Method
Yuko Shibata¹, Piero Carninci¹, Akira Watahiki¹, Toshiyuki Shiraki¹, Hideaki Konno^{1,2}, Masami Muramatsu^{1,2}, Yoshihide Hayashizaki^{1,2,3} (¹Genome Expl. Res. Grp, GSC/Genome Sci. Lab, Tsukuba, RIKEN, ²CREST, JST, ³Med, Tsukuba Univ.)

- 3PA-014 Analysis with cDNA microarray of membrane-bound polysomal RNA expressed in mouse mid-development embryos
K. Sato^{1,2}, K. Kadota^{1,3}, T. Sakai^{1,4}, T. Shiraki¹, H. Goto^{1,5}, Y. Mizuno^{1,6}, R. Miki^{1,2}, Y. Tomaru^{1,2}, M. Itoh^{1,7}, K. Shibata^{1,7}, J. Kawai^{1,7}, P. Carninci¹, M. Muramatsu^{1,7}, Y. Okazaki¹, Y. Hayashizaki^{1,2,7} (¹Genome Expl. Res. Grp., GSC/Genome Science Lab, Tsukuba, RIKEN, ²Med, Tsukuba Univ., ³Univ. of Tokyo, ⁴Niigata Univ., ⁵Tohoku Univ., ⁶Biol, Tsukuba Univ., ⁷CREST, JST)
- 3PA-015 マウス完全長 cDNA プロジェクトのためのコンピューター利用システムの開発
今野 英明^{1,2}, 福西 快文^{1,2}, 柴田 一浩^{1,2}, 伊藤 昌可^{1,2}, カルニンチ ピエロ¹, 菅原 雄一^{1,2}, 林崎 良英^{1,2,3}
(¹ 理研・GSC・遺伝子構造機能/筑波研・生体分子機能, ²JST・CREST, ³筑波大・基礎)
- 3PA-016 マウス完全長 cDNA クローンのショットガン・シーケンス・ライブラリの作製
吉野 正康¹, 河合 純^{1,2}, 品川 朗¹, 柴田 一浩^{1,2}, 伊藤 昌可^{1,2}, カルニンチ ピエロ¹, 林崎 良英^{1,2,3} (¹ 理研・GSC・遺伝子構造機能/筑波研・生体分子機能, ²JST・CREST, ³筑波大・基礎)
- 3PA-017 マウス完全長 cDNA の全長シーケンス
河合 純^{1,2}, ピエロ カルニンチ¹, 岡崎 康司¹, 伊藤 昌可^{1,2}, 柴田 一浩^{1,2}, 品川 朗¹, 吉野 正康¹, 相澤 克則^{1,2}, 福西 快文^{1,2}, 今野 英明^{1,2}, 足立 淳¹, 斎藤 輪太郎¹, 柴田 裕子¹, 廣實 朋子¹, 白木 利幸¹, 佐藤 健二郎¹, 早津 徳人¹, 原 亜矢子¹, 福田 史朗^{1,2}, 荒川 貴博¹, 石井 善幸¹, 菊池 典子^{1,2}, 村松 正實^{1,2}, 林崎 良英^{1,2,3}
(¹ 理研・GSC・遺伝子構造機能/筑波研・生体分子機能, ²JST・CREST, ³筑波大・基礎)
- 3PA-018 マウス完全長 cDNA 機能アノテーション
坊農 秀雅¹, 粕川 雄也^{1,2}, 坂井 勝呂¹, 古野 正朗¹, 大城戸 利久¹, 青野 英雄^{1,2}, 香月 祥太郎^{1,2}, 吉田 清¹, 岡崎 康司^{1,3,4}, 林崎 良英^{1,3,4} (¹ 理研・GSC・遺伝子構造機能/筑波研・生体分子機能, ²NTTSOFT・技術開発部, ³JST・CREST, ⁴筑波大・基礎)
- 3PA-019 Exploring Metabolic Pathways in 49Tissues Using RIKEN Full-Length Mouse 19K cDNA Microarray
Rika Miki¹, Hidemasa Bono¹, Yosuke Mizuno^{1,2}, Koji Kadota^{1,3}, Yasuhiro Tomaru¹, Piero Carninci¹, Kazuhiro Shibata^{1,2}, Masayoshi Itoh^{1,2}, Jun Kawai^{1,2}, Hideaki Konno^{1,2}, Yumiko Tokusumi¹, Yoshiyuki Ishii¹, Masami Muramatsu^{1,2}, Josephe DeRisi⁴, Vishy Iyer⁵, Michael Eisen⁵, Patrick O.Brown⁵, Yasushi Okazaki¹, Yoshihide Hayashizaki^{1,2,6} (¹Genome Expl. Res. Grp., GSC/Genome Sci. Lab., Tsukuba, RIKEN, ²CREST, JST, ³Univ. of Tokyo, ⁴Univ. of California, ⁵Stanford Univ., ⁶Med., Univ. Tsukuba)
- 3PA-020 High-throughput genome wide search for mouse imprinted genes using parthenogenote and androgenote with RIKEN full-length mouse cDNA microarray analysis
Yosuke Mizuno^{1,3}, Yasushi Okazaki¹, Yasuhiro Tomaru¹, Hidenori Kiyosawa¹, Yusuke Sotomaru⁵, Tomohiro Kohno⁵, Hiroshi Amanuma^{2,3}, Masami Muramatsu¹, Yoshihide Hayashizaki^{1,4} (¹JST(CREST),Genome Expl. Res. Grp., GSC/Genome Sci. Lab., Tsukuba(RIKEN), ²Mol. Cell Sci. Lab., Tsukuba, RIKEN, ³Biol., Univ. Tsukuba, ⁴Med., Univ. Tsukuba, ⁵Dept. of Animal Science, Tokyo Univ. of Agriculture)
- 3PA-021 RIKEN マウス全長 cDNA のヒトゲノム・ドラフトへのマッピング: マッピングによる新規遺伝子の発見
清澤 秀孔¹, 近藤 伸二¹, 山中 到¹, 斎藤 哲哉^{1,2}, 河合 純^{1,2}, 品川 朗¹, 原 亜矢子^{1,2}, 柴田 一浩^{1,2,3}, 林崎 良英^{1,2,3} (¹ 理研・GSC・遺伝子構造機能/筑波研・生体分子機能, ²CREST・JST, ³筑波大・基礎)
- 3PA-022 理研マウス完全長 cDNA を用いたタンパク間相互作用網羅的解析法の開発
鈴木 治和¹, 福西 快文^{1,2}, 香川 育子¹, 坊農 秀雅¹, 斎藤 輪太郎¹, 小田 浩史¹, 遠藤 俊徳¹, 近藤 伸二¹, 岡崎 康司¹, 林崎 良英^{1,2,3} (¹ 理研・GSC・遺伝子構造機能/筑波研・生体分子機能, ²CREST・JST, ³筑波大・基礎)
- 3PA-023 理研マウスのタンパク質相互作用データベースの構築
斎藤 輪太郎¹, 吉田 清¹, 鈴木 治和¹, 林崎 良英^{1,2,3} (¹ 理研・GSC・遺伝子構造機能/筑波研・生体分子機能, ²CREST・JST, ³筑波大・基礎)
- 3PA-024 真核生物の翻訳終結部位におけるコンセンサスパターンの抽出
小澤 陽介^{1,2}, 花岡 悟史^{1,3}, 坂井 寛章^{1,2}, 斎藤 輪太郎⁴, 品川 朗⁴, 伊藤 昌可⁴, 柴田 一浩⁴, Piero Carninci⁴, 今野 英明⁴, 河合 純⁴, 福西 快文⁴, 林崎 良英⁴, 富田 勝^{1,3} (¹慶應大・生命情報研, ²同・政策メディア, ³同・環境情報, ⁴理研・GSC・遺伝子構造機能/筑波研・生体分子機能)

- 3PA-025 マウス mac25 遺伝子プロモーターの解析
兼光 紀幸^{1,2}, 加藤 満雄¹, 三木 恒治², 小松 誠^{3,4}, 岡崎 康司^{3,4}, 林崎 良英^{3,4}, 酒井 敏行¹(¹京都府医大・医・公衛,²京都府医大・医・泌,³理研・ゲノム/筑波研,⁴科技団・戦略基礎)
- 3PA-026 ENU 誘発体系的マウス突然変異体の開発と解析 I.概略
若菜 茂晴¹, 榎屋 啓志¹, 美野輪 治¹, 井上 麻紀¹, 鈴木 智広¹, 茂木 浩未¹, 土岐 秀明¹, 権藤 洋一², 野田 哲生¹, 城石 俊彦¹(¹理研 GSC 動物ゲノム,²理研 GSC ゲノム情報科学)
- 3PA-027 ENU 誘発体系的マウス突然変異体の開発と解析 II.ENU 投与の検討
井上 麻紀¹, 鈴木 智広¹, 榎屋 啓志¹, 土岐 秀明¹, 澁谷 徹^{1,2}, 美野輪 治¹, 若菜 茂晴¹, 権藤 洋一¹, 野田 哲生¹, 城石 俊彦¹(¹理研・GSC・動物ゲノム,²秦野食品薬品安全センター)
- 3PA-028 ENU 誘発体系的マウス突然変異体の開発と解析(3): Modified-SHIRPA 法による行動および形態変異マウスのスクリーニング
榎屋 啓志, 井上 麻紀, 若菜 茂晴, 権藤 洋一, 野田 哲生, 城石 俊彦(理研・GSC・動物ゲノム)
- 3PA-029 ENU 誘発体系的マウス突然変異体の開発と解析 IV.血液像検査法及び血清生化学検査法による変異体マウスのスクリーニング
美野輪 治¹, 茂木 浩未¹, 土岐 秀明¹, 足立 隆司¹, 井上 麻紀¹, 鈴木 智広¹, 若菜 茂晴¹, 権藤 洋一², 城石 俊彦¹, 野田 哲生¹(¹理研・GSC・動物ゲノム,²理研・GSC・ゲノム情報)
- 3PA-030 ENU 誘発体系的マウス突然変異体の開発と解析 V.データベース
榎屋 啓志¹, 鈴木 智広¹, 井上 麻紀¹, 美野輪 治¹, 岩間 裕之², 土岐 秀明¹, 若菜 茂晴¹, 権藤 洋一², 野田 哲生¹, 城石 俊彦¹(¹理研 GSC 動物ゲノム,²理研 GSC 個体遺伝情報)
- 3PA-031 カニクイザル脳由来完全長 cDNA ライブラリーの解析と新規遺伝子の探索
長田 直樹¹, 肥田 宗友², 楠田 潤³, 田沼 玲子³, 伊関 可奈子³, 平田 誠³, 平井 百樹¹, 数藤 由美子¹, 橋本 雄之³(¹東大・理・生物,²東大・医科研・ゲノム構造解析,³国立感染研・遺伝子資源)
- 3PA-032 蛍光相互相関分光法によるタンパク質相互作用の簡易スクリーニング
土居 信英¹, 高嶋 秀昭^{1,2}, 小山 理恵子¹, 大石 祐子¹, 坂田 京子², 金城 政孝³, 澤崎 達也⁴, 遠藤 弥重太⁴, 柳川 弘志¹(¹慶應大・理工,²三菱化学・生命研,³北大・電子研,⁴愛媛大・工)
- 3PA-033 TNF-alpha 刺激によるヒト胃粘膜上皮細胞からの遺伝子発現に関する検討 DNA チップ・マイクロアレイを用いた体系的な大量遺伝子発現解析
一石 英一郎¹, 吉田 憲正¹, 石川 剛¹, 花城 薫², 吉田 安彦², 吉川 敏一¹(¹京都府医大・医・一内科,²健康長寿研究センター)
- 3PA-034 Aldehyde dehydrogenase(ALDH)2 遺伝子多型の methoxyacetaldehyde(MALD)代謝への影響
北川 恭子¹, 川本 俊弘¹, 櫻田 尚樹¹, 中山 啓子², 中山 敬一³(¹産業医大・医・衛生,²九大・生医研・発生工,³同・細胞)
- 3PA-035 CpG アイランドのメチル化およびヒストンアセチル化の多様性と関連した遺伝子発現抑制
小井 詰 史朗, 関谷 剛男, 白石 昌彦(国立がんセ・研・メチル化 DNA プロジェクト)
- 3PA-036 ヒト肺がんにおいてメチル化されている CpG アイランドの網羅的単離
白石 昌彦, 関口 あづみ, Michael Terry, Adam Oates, 宮本 裕二, Ying Chuu, 関谷 剛男(国立がんセ・研・DNA メチル化とゲノム機能プロジェクト)
- 3PA-037 DNA チップ・マイクロアレイを用いたがん化学予防関連遺伝子の検討-抗発がんプロモーター作用における発現遺伝子群の同定-
口出 将司¹, 一石 英一郎¹, 徳田 春邦², 吉田 安彦³, 花城 薫³, 吉川 敏一¹(¹京都府医大・医・一内科,²京都府医大・医・生化学,³健康長寿研究センター)
- 3PA-038 ヒトプロスタサイクリン合成酵素遺伝子上流領域の繰り返し配列多型の転写活性に対する影響と循環器疾患との関連
中山 智祥, 相馬 正義, ラヒムトラ ドル昆, 本江 純子, 齋藤 穎, 上松瀬 勝男(日大・医・2内)
- 3PA-039 ジーントラップ法を用いた高コレステロール血症に関連する遺伝子群の系統的同定法の検討
信国 好俊¹, 徳田 春邦², 西野 輔翼²(¹京都府医大・医・薬理,²京都府医大・医・生化)

- 3PA-040 転写ネットワークの解析を目的とした新生 RNA ターゲットの作製法
今井 高志¹, 相良 雅史¹, 安田 香央里², 菅谷 公彦¹ (¹放医研ゲノム, ²ジェノミックソリューションズ)
- 3PA-041 DNA マイクロアレイを用いたエストロジェン応答遺伝子群の解析
渡邊 肇^{1,2}, David Buchanan^{1,2}, 内田 薫^{1,2}, 半田 宏³, 井口 泰泉^{1,2} (¹岡崎国立共同研究機構統合バイオ,
²CREST, ³東京工大・フロンティア)
- 3PA-042 Functional Analysis of Human SIM2 Located at 21q22.2
八巻 明子¹, 川原 則子¹, 工藤 純², 蓑島 伸生², 清水 信義², 清水 淑子¹ (¹杏林大・保・臨床遺伝, ²慶應
大・医・分子生物)
- 3PA-043 重イオンビームを用いた新しい変異マウス作製および解析システム
野呂 知加子¹, 吉木 淳¹, 永瀬 浩喜², 平岩 典子¹, 池 郁生¹, 日下部 守昭¹ (¹理研・筑波研・実験動物, ²
分子腫瘍)
- 3PA-044 鳥類の Z 染色体における遺伝子量補正機構の解析
黒岩 麻里^{1,2}, 横峯 考昭³, 佐々木 裕之³, 都築 政起⁴, 田中 和明², 並河 鷹夫², 松田 洋一^{1,5} (¹北大・院地
球環境, ²名大・院生命農学, ³国立遺伝研・人類遺伝, ⁴広島大・生物生産, ⁵北大・理・染色体研)
- 3PA-045 線虫 *C.elegans* 母性遺伝子の RNAi による系統的機能解析
廣野 啓子, 中田 恭子, 小原 雄治 (遺伝研・遺伝資源情報, CREST)
- 3PA-046 遺伝子破壊による線虫転写因子遺伝子群の網羅的逆遺伝学的解析
安藤 恵子¹, 町山 悦子¹, 野口 幸子¹, 三谷 昌平^{1,2} (¹東京女医大・医・2 生理, ²さきがけ 21)
- 3PA-047 GeneSearch システムを用いたショウジョウバエの機能ゲノミクス
相垣 敏郎^{1,2}, 松尾 隆嗣¹ (¹都立大・院理・生物, ²科技団・PRESTO)
- 3PA-048 アフリカツメガエル初期発生過程のマイクロアレイによる遺伝子発現解析
林 香織¹, 伊藤 弓弦^{1,2}, 久原 哲¹, 田代 康介¹ (¹九大・遺資工・遺伝子制御, ²東大・理・生物科学)
- 3PA-049 イネミュータントパネルの作出と隣接塩基配列解析
宮尾 安藝雄¹, 田中 克幸², 村田 和優², 小野里 桂², 山下 優美子², 廣近 洋彦¹ (¹農水省・生物研・ゲノ
ム動態, ²農林水産先端技術研)
- 3PA-050 イネの *Tos17* ミュータントパネルを用いた穎の性状に關与する遺伝子の解析
村田 和優¹, 宮尾 安藝雄², 田中 克幸¹, 小野里 桂¹, 佐々木 卓治², 廣近 洋彦² (¹STAFF, ²農水省・生物研)
- 3PA-051 イネレトロトランスポゾン *Tos17* の挿入によって破壊された cellulose synthase catalytic subunit 遺伝子
(*OsCesA7*)の単離
田中 克幸¹, 宮尾 安藝雄², 村田 和優¹, 小野里 桂¹, 佐々木 卓治², 廣近 洋彦² (¹STAFF 研, ²農水省・農
生資研)
- 3PA-052 イネレトロトランスポゾン *Tos17* の挿入により生じた黄緑化変異体の解析
小野里 桂¹, 宮尾 安藝雄², 田中 克幸¹, 村田 和優¹, 佐々木 卓治², 廣近 洋彦² (¹STAFF 研, ²農水省・農
生資研)
- 3PA-053 レトロトランスポゾン *Tos17* の転移により誘発されたブラシノステロイド非感受性変異イネの解析
山崎 宗郎, Ganesh Kumar Agrawal, 廣近 洋彦 (農水省・生物研)
- 3PA-054 Screening and Characterization of Rice Viviparous Mutants, Generated by *Tos17* Insertion: Understanding the
ABA-biosynthetic Pathway and its Regulation
Ganesh Kumar Agrawal¹, Muneo Yamazaki¹, Masatomo Kobayashi^{1,2}, Rei Hirochika¹, Akio Miyao¹, Hirohiko
Hirochika¹ (¹NIAR, ²RIKEN)
- 3PA-055 *In vitro* 幼植物体を用いたイネ変異株の同定とトランスポゾン・タギングによるイネ遺伝子の機能解析
武田 真¹, 阿部 清美¹, 村田 和優², 宮尾 安藝雄¹, 廣近 洋彦¹ (¹農水省・生物資源研, ²STAFF 研)
- 3PA-056 Functional analyses of rice MAP kinases by retrotransposon *Tos17*-induced gene disruption
Tsuneaki Watanabe¹, Kazuhiko Sugimoto¹, Rei Hirochika¹, Naoko Kojima², Akio Miyao¹, Hirohiko Hirochika¹
(¹NIAR, ²STAFF)

- 3PA-057 cDNA microarray を用いたイネ及びコムギの低温応答発現の解析
下坂 悦生, 半田 裕一 (農水省・北海道農試)
- 3PA-058 イネ病斑形成抑制遺伝子 *Spl7* は熱ストレス転写因子をコードする
山内 歌子^{1,5}, 矢野 昌裕², 林 鴻宣³, 芦苅 基行⁴, 山田 恭司⁵ (¹ 農林水産先端技術研, ² 生物研, ³ 生研機構, ⁴ 名大・生物分子応答センター, ⁵ 富山大・理)
- 3PA-059 トランスポゾン *Ac* の挿入による、GA シグナル伝達に關与する遺伝子の破壊系統イネの単離
中野 浩一¹, 堀 秀隆¹, 三ツ井 敏明¹, 藤澤 由紀子², 岩崎 行玄², 経塚 淳子³, 島本 功³, 伊藤 紀美子⁴ (¹ 新潟大・院自然科学, ² 福井県大・生物資源, ³ 奈良先端大・バイオ, ⁴ 新潟大・農)
- 3PA-060 イネ種子形成に関する様々な変異体の遺伝子発現についての網羅的解析
小泉 一愉, 中川 由香, 島田 浩章 (東京理大・生物工学)
- 3PA-061 Rice gene expression analysis using cDNA microarray
Junshi Yazaki¹, Naoki Kishimoto², Fumiko Fujii¹, Yoshimi Ootuka¹, Kanako Shinbo¹, Takahiro Oda³, Kensuke Kusumi³, Koh Iba³, Jianzhong Wu¹, Kimiko Yamamoto¹, Katsumi Sakata², Takuji Sasaki², Shoshi Kikuchi² (¹ Inst. Soc. Tech. Agric., ² Forest. Fish, Natl. Inst. Agrobiol. Resour., ³ Dept. of Biol., Kyusyu Univ.)
- 3PA-062 イネ cDNA マイクロアレイを用いた、紫外線被照射イネの遺伝子発現解析
岸本 直己¹, 矢崎 潤史², 藤井 文子², 大塚 好美², 真保 佳納子², 呉 健忠², 山本 公子², 坂田 克己¹, 小田 峰裕³, 射場 厚³, 佐々木 卓治¹, 菊池 尚志¹ (¹ 農業生物資源研, ² 農林水産先端技術研, ³ 九大・院理)
- 3PA-063 イネのアクチベーションタギングラインのエンハンサー近傍領域の解析
森 昌樹, 佐藤 浩二, 杉本 和彦, 大林 憲吾, 岡部 健, 廣近 洋彦, 菊池 尚志 (農水省・生物研)
- 3PA-064 植物の抵抗性遺伝子の多様化機構の解明-イネいもち病抵抗性遺伝子 *Pi-b* を例として-
平野 恒¹, 左 南修¹, 角田 由紀^{1,2}, 児玉 治², 川崎 信二¹ (¹ 農水省・生物研, ² 茨城大・資源生物)
- 3PA-065 シロイヌナズナの完全長 cDNA マイクロアレイを用いた乾燥、低温ストレス応答性遺伝子および転写因子 DREB1A の Target 遺伝子の解析
関 原明^{1,2}, 鳴坂 真理¹, 安部 洋³, 春日 美江³, 篠崎 和子³, Piero Carninci⁴, 林崎 良英⁴, 篠崎 一雄^{1,2} (¹ 理研・ゲノムセ・植物ゲノム, ² 理研・植物分子生物, ³ 農水省・国際農研・生物資源, ⁴ 理研・ゲノムセ・遺伝子構造)
- 3PA-066 乾燥・低温ストレス下におけるシロイヌナズナ完全長 cDNA マイクロアレイを用いた遺伝子発現解析
鳴坂 真理¹, 関 原明^{1,2}, Piero Carninci³, 林崎 良英³, 篠崎 一雄^{1,2} (¹ 理研・ゲノム科学総研セ・植物ゲノム, ² 理研・植物分子, ³ 理研・ゲノム科学総研セ・遺伝子構造)
- 3PA-067 トランスポゾンを用いたシロイヌナズナ変異株ラインの作製
黒森 崇¹, 平山 隆志^{1,2}, 清末 有希¹, 高部 寛子¹, 篠崎 一雄^{1,2} (¹ 理研 GSC・植物ゲノム機能情報, ² 理研 筑波・植物分子)
- 3PA-068 アクチベーションタギングされたアラビドプシスポピュレーションを用いて、表現型とゲノム上のタグ挿入部位を示すデータベースの作成
市川 尚斉, 中澤 美紀, 川島 美香, 関 原明, 小林 正智, 篠崎 一雄, 松井 南 (理研・GSC・植物ゲノム)
- 3PA-069 シロイヌナズナアクチベーションタグラインの作成と胚軸の伸長成長に關わる突然変異体のスクリーニング
中澤 美紀, 小林 裕子, 後藤 生子, 石川 明苗, 松井 南 (理研・ゲノム総セ・植物変異探索)

..... (2c 分子構造, 分子集合)

- 3PA-070 Growth-coupled Changes in the Protein Composition of *Escherichia coli* Nucleoid
Ali Azam Talukder^{1,2}, Akira Ishihama¹ (¹ Dept. Mol. Genet., Natl. Inst. Genet., ² Jpn. Sci., Tech. Corp.)
- 3PA-071 The regulatory mechanism of flagella formation by ClpXP chaperoneprotease complex in *Salmonella enterica* serovar Typhimurium
Yoshifumi Ukyo, Akiko Takaya, Toshifumi Tomoyasu, Tomoko Yamamoto (Chiba Univ., Fac. of Pharma. Sci., Div. of Mol. Microbiol.)

- 3PA-072 サブユニット分子間 SS 架橋導入により安定化したヒト RNase1 ダイマ - の解析
石上 伸也, 多田 宏子, 二見 淳一郎, 瀧谷 あい子, 小坂 恵, 妹尾 昌治, 山田 秀徳 (岡山大・工・生物機能)
- 3PA-073 膵臓型リボヌクレアーゼファミリー蛋白質が形成するダイマーの安定性
瀧谷 あい子, 多田 宏子, 石上 伸也, 守屋 雅之, 前田 貴志, 二見 淳一郎, 小坂 恵, 妹尾 昌治, 山田 秀徳 (岡山大・工・生物機能)
- (2d 分子構造, 分子進化)
- 3PA-074 回文繰り返し DNA の伸長増幅反応による塩基配列の多様化
三浦 孝典, 森野 博文 (大幸薬品)
- 3PA-075 ステロイドを認識する DNA アプタマーの分子進化
加藤 輝, 竹村 太郎, 矢野 和義, 池袋 一典, 軽部 征夫 (東大・先端研)
- 3PA-076 -プロテオバクテリアにおけるヴァリン tRNA 合成酵素の分子進化
岡林 環樹¹, 橋本 哲男^{2,3}, 有末 伸子³, 長谷川 政美^{2,3}, 森田 千春¹ (¹ 酪農大・獣医, ² 統数研, ³ 総研大・生命体)
- 3PA-077 Involvement of *argD* homologue in lysine biosynthesis of extreme thermophile, *Thermus thermophilus* HB27
Junichi Miyazaki, Nobuyuki Kobashi, Makoto Nishiyama, Hisakazu Yamane (Univ. Tokyo, Biotechnol. Res. Center)
- 3PA-078 HIV-1 逆転写酵素の薬剤耐性を広範に高める挿入配列の分子進化的解析
椎野 禎一郎¹, 佐藤 裕徳¹, 芝村 佳代¹, 富田 康浩¹, 宮国 毅², 具志 一男², 蜂谷 敦子³, 巽 正志¹, 岡 慎一³, 武部 豊¹ (¹ 国立感染症研, ² 沖縄県立那覇病院, ³ 国立国際医療セ)
- 3PA-079 Confirmation of the growth hormone/proteinase function as discovered by a threading approach of the novel hT1a-2 gene
Cristina Mitsumori, Henrik T. Yudate, Keiichi Nagai, Yasuhiko Masuho, Hisashi Koga (Helix Research Institute)
- 3PA-080 ペリプラズム結合タンパク質の立体構造の系統進化
深海 薫, 舘野 義男, 西川 建 (国立遺伝研・生命情報研究セ)
- 3PA-081 *Candida* 属酵母における DNA トポイソメラーゼ II 遺伝子 (*top2*) の構造とその進化的関係
加藤 幹男¹, 神戸 俊夫², 尾関 宗孝², 水口 幾久代², 金 信奥², 菊池 韶彦² (¹ 大阪府大・総科・自然環境, ² 名大・医・病態研・医真菌)
- 3PA-082 マンソン住血吸虫に存在する宿主関連配列
今瀬 敦子¹, 桐木 雅史², 松田 肇³, 大前 比呂思³, 岩村 幸雄¹ (¹ 茨城県立医療大・保健医療, ² 獨協医大・熱帯病寄生虫, ³ 筑波大・基礎医)
- 3PA-083 マラリア原虫の系統的位置
橋本 哲男^{1,2}, 有末 伸子², 北 潔³, 長谷川 政美^{1,2} (¹ 統数研, ² 総研大・生命体, ³ 東大・院医・国際保健)
- 3PA-084 タケ葉緑体 DNA の hotspot 領域に存在する偽遺伝子
坂本 正弘, 井上 由美, 東 順一 (京大・院農・地域環境)
- 3PA-085 頭足類ミトコンドリアゲノムの遺伝子構造の進化
横堀 伸一¹, 青山 友子¹, 中村 光江¹, 富田 耕造², 渡辺 公綱^{2,3}, 大島 泰郎¹ (¹ 東京薬大・生命科学, ² 東大・院工, ³ 東大・院新領域)
- 3PA-086 4 倍性魚種コイの *c-myc* 遺伝子 2 タイプと *max* との間の発現パターンの比較
二見 邦彦¹, 小宮 猛¹, 張 寰², 岡本 信明¹ (¹ 東京水産大・資源育成, ² Univ. of Connecticut, USA)
- 3PA-087 メダカ Hox クラスターの BAC ライブラリーを用いた網羅的解析
黒澤 仁¹, 山田 晃司², 石黒 啓司², 堀 寛¹ (¹ 名大・院理・生命理, ² 藤田保健衛生大・総医研)
- 3PA-088 メダカの Hox クラスター中に見られる多様化した新規 Hox 遺伝子の解析
住友 万里子¹, 黒澤 仁¹, 堀 寛¹, 三浦 恵二² (¹ 名大・院理・生命理, ² 藤田保健衛生大・総医研)
- 3PA-089 類人猿ゲノム計画 Silver-HOXA クラスターの塩基配列比較
金 衝坤, 野田 令子, 青島 昌子, 鈴木 真有美, 北野 誉, 斉藤 成也 (国立遺伝研)

- 3PA-090 サメ補体 B/C2 と C3/C4 の cDNA クローニング
寺戸 勅雄¹, 竹本 忠司¹, Sylvia SMITH², 木村 博¹, 野中 勝³ (¹ 滋賀医大・放基, ² FIU, USA, ³ 東大・院理)
- 3PA-091 モルモット精嚢に発現するタンパク質 caltrin II の分子進化
古谷 裕¹, 河合 亮治¹, 加藤 明¹, Alejandro Rooney², 広瀬 茂久¹ (¹ 東京工大・生命理工, ² ミシシッピ州立大)
- 3PA-092 Cloning and expression of chicken joining chain gene
Tomihisa Takahashi, Itaru Moro (Nihon Univ., Sch. Dent., Dept. Pathol.)
- 3PA-093 ショウジョウバエの homeobox 遺伝子対 *BarH1/BarH2* とその異種ホモログ間における機能保存性についての解析
小野 隆之¹, 佐藤 純¹, 浜 太郎², 斎藤 哲一郎², 西郷 薫¹ (¹ 東大・院理・生化, ² 京大)
- 3PA-094 ショウジョウバエ雄特異的抗菌タンパク遺伝子 *Andropin* の分子進化学的解析
澤井 裕美¹, 石和 貞男², 伊達 敦子¹ (¹ お茶大・院人間文化, ² お茶大・理・生物)
- 3PA-095 ショウジョウバエにおける抗菌タンパクセクロピン多重遺伝子族の分子進化学的解析
酒井 紀子¹, 澤井 裕美¹, 石和 貞男², 伊達 敦子¹ (¹ お茶大・院人間文化, ² お茶大・理・生物)
- (2e 分子構造 , 染色体外因子 (ウイルス、ファージ、プラスミド))
- 3PA-096 Incl プラスミド R621a の全ゲノム構造の解析
高橋 寛行, 木村 孝子, 戸村 純子, 中根 寛, 駒野 照弥 (都立大・院理・生物)
- 3PA-097 プラスミド R64 細線毛の各種 PilV アドヘシンの受容菌 LPS との特異的相互作用
石和 玲子, 駒野 照弥 (都立大・院理・生物)
- 3PA-098 複合プラスミド ColE6-CT14 の構造
荻原 和寿枝, 伊藤 建夫 (信州大・理・生物科学)
- 3PA-099 プラスミド *Rts1* の *tra* 遺伝子群の解析と *oriT* 領域の同定
村田 敬寛, 大西 真, 中山 恵介, 寺脇 良郎, 林 哲也 (信州大・医・細菌)
- 3PA-100 出芽酵母 (*Saccharomyces cerevisiae*) プリオン様因子 [psi] の重合体形成の阻害要因について
植戸 隆充, 横澤 伸, 山本 夕弥子, 小野 文一郎 (立命館大・理工・生物工)
- 3PA-101 ファイトプラズマより分離されたプラスミドの構造と複製蛋白質の感染植物における発現解析
大島 研郎¹, 柿澤 茂行¹, 西川 尚志¹, 久保山 勉², 宮田 伸一¹, 宇垣 正志¹, 難波 成任^{1,2} (¹ 東大・院新領域・先端生命, ² 東大・院農生科・生産環境)
- 3PA-102 ファイトプラズマの野生株及び弱毒変異株より分離された染色体外 DNA の解析
西川 尚志¹, 大島 研郎¹, 久保山 勉², 澤柳 利実², 宮田 伸一¹, 宇垣 正志¹, 難波 成任^{1,2} (¹ 東大・院新領域・先端生命, ² 東大・院農生科・生産環境)
- 3PA-103 担子菌エノキタケの2種類のミトコンドリア内在性線状プラスミドは DNA および RNA ポリメラーゼをコードする
中井 亮介¹, 千傳 吉濃¹, 千 菊夫¹, 黒澤 辰一², 柴井 博四郎¹ (¹ 信州大・農, ² 秋田県大)
- 3PA-104 Cockroach parvovirus - simple genome structure and complex splicing
Junya Yamagishi, Hisanori Bando (Hokkaido Univ., Fac. Agr., Dept. Applied Biosci.)
- 3PA-105 C 型肝炎ウイルス NS5B タンパク質の RNA ポリメラーゼ活性の解析
内山 靖智, 黄 瑛, 浜窪 隆雄, 児玉 龍彦 (東大・先端研・分子生物)
- 3PA-106 ダック B 型肝炎ウイルスエンベロープの宿主レセプター gp180 への結合
黒木 和之¹, 石川 隆², 原田 文夫¹ (¹ 金沢大・がん研・細胞制御, ² 東大・消化器内科)
- 3PA-107 ダック B 型肝炎ウイルス遺伝子への外来 DNA の導入
平野 純¹, 石川 隆², 原田 文夫¹, 黒木 和之¹ (¹ 金沢大・がん研・細胞制御, ² 東大・医・消化器内科)
- 3PA-108 組換え SV40 キャプシドタンパク質 VP1 によるウイルス様粒子形成におけるカルシウムイオン結合の関与
石津 健一郎¹, 韓 松伊¹, 金刺 進之介¹, 渡辺 肇³, 半田 宏² (¹ 東京工大・生命理工・生命情報, ² フロンティア, ³ 基生研)

- 3PA-109 HIV-1 核酸蛋白質複合体の解析と分離の試み
櫻木 淳一, 塩田 達雄 (阪大・微研・ウイルス感染制御)
- 3PA-110 ウイルスの形態変化の X 線結晶解析
畠中 秀樹^{1,2}, Elaine Hendry¹, Elizabeth Fry¹, Michael Smyth¹, Oleg Iourin¹, Zihe Rao¹, Alan Kingsman¹, Glyn Stanway³, Timo Hyypia⁴, David Stuart¹ (¹Univ. Oxford, ²都臨床研, ³Univ. Essex, ⁴Univ. Helsinki)
-(2f 分子構造, 糖).....
- 3PA-111 出芽酵母で生産した高マンノース糖鎖付加 FGF の体内動態とヒト型糖鎖生産酵母の分子育種
石井 智子¹, 高松 真二², 仲山 賢一¹, 千葉 靖典¹, 浅田 真弘¹, 今村 亨¹, 藤林 靖久², 地神 芳文¹ (¹工技院・生命研, ²福井医大)
- 3PA-112 Evaluation of the *Candida* genes encoding GDP-mannose pyrophosphorylase
Atsunori Ohta, Hironobu Nakayama, Michiko Kokado, Mikio Arisawa, Masayuki Sudoh (Dept. of Oncology, Nippon Roche Research Center)
- 3PA-113 2,3 シアル酸転移酵素 I(hST3Gal I)の遺伝子構造解析と転写調節
谷口 彰良, 吉川 至, 松本 宏治郎 (東邦大・薬・臨床化学)
- 3PA-114 線虫 *C.elegans* のフコース転移酵素遺伝子の分子生物学的・遺伝学的解析
近藤 和典¹, 西原 祥子², 大蔵 清貴³, 木村 尚博¹, 成松 久² (¹創価大・工・生物, ²創価大・生命研, ³遺伝研)
- 3PA-115 麹菌 *Aspergillus oryzae* 由来フコース特異的レクチン遺伝子のクローニングと大量分泌発現
森谷 敏康, 石田 博樹, 秦 洋二, 川戸 章嗣, 杉並 孝二, 安部 康久 (月桂冠・総研)
- 3PA-116 エンジュ葉レクチンの性質
浅野 道代¹, 相川 京子^{1,2}, 松本 勲武^{1,2} (¹お茶の水大・院人間文化, ²お茶の水大・理・化学)
- 3PA-117 アフリカツメガエル新規ガレクチン (ゼレクチン) の精製、cDNA クローニングおよび発現
東海林 博樹, 西 望, 中村 隆範 (香川医大・内分泌)
- 3PA-118 ラット脳内糖タンパク質の老化に伴う変化の解析
成瀬 麻記子¹, 山中 秀徳¹, 長谷川 幸雄¹, 佐藤 雄治², 遠藤 玉夫² (¹アマシャム ファルマシア バイオテック, ²都老人研・糖鎖生物)
- 3PA-119 Highly-expressed GM1 suppresses growth of Swiss3T3 cell stimulated with PDGF
光田 輝彦¹, 福本 敏², 岡島 徹也¹, 古川 圭子¹, 沼田 真一郎¹, 浦野 健¹, 古川 鋼一¹ (¹名大・医・2 生化, ²長崎大・歯・小児歯)
- 3PA-120 MDCK 細胞におけるガラクトシルセラミド発現因子 (GEF-1) によるスルファチドの発現
小倉 潔, 田井 直 (都臨床研・腫瘍免疫)
- (2g 分子構造, 脂質)
- 3PA-121 大腸菌オクタプレニルニリン酸合成酵素 (IspB) の活性発現と鎖長決定には二量体の形成が必要である
戒能 智宏¹, 岡田 憲典¹, 中川 強², 松田 英幸¹, 川向 誠¹ (¹島根大・生物資源科・生命工, ²遺伝子)
- 3PA-122 ミサキマメイタボヤにおけるリン脂質の細胞増殖活性の解析
新井 一也, 藤原 滋樹, 川村 和夫, 指吸 俊次 (高知大・理・生物)
- 3PA-123 生理活性糖脂質 sulfoquinovosylglycerol(SQAG)の癌細胞表面への相互作用と細胞増殖抑制作用
太田 慶祐, 水品 善之, 山崎 隆之, 花島 慎弥, 菅原 二三男, 坂口 謙吾 (東京理大・理工・応用生物)
- 3PA-124 新規ヒト分泌型ホスホリパーゼ A2(II型)のクローニングと活性・発現解析
鈴木 紀子, 石崎 順, 横田 恭則, 小野 隆, 池田 稔, 花崎 浩二 (塩野義製薬・創薬研究所)

.....(2h 分子構造, その他).....

- 3PA-125 キンギョソウトランスポゾン Tam3 の温度依存性転移とメチル化の関連性
橋田 慎之介, 北村 研, 三上 哲夫, 貴島 祐治 (北大・農)
- 3PA-126 クロマチンリモデリング因子 SWI/SNF2 のプロモドメインの構造的性質
小野 克輝², 田代 櫻子¹, 清水 光弘^{1,3}, 加藤 悦子⁴, 山崎 正俊⁴, 神藤 平三郎¹ (¹東京薬大・薬, ²東京薬大・生命, ³明星大・理工, ⁴農水省・生物資源研)

..... (6a 高次生命現象, 免疫)

- 3PA-127 IL-2 の細胞内シグナル伝達における IL-2 糖鎖認識の重要性
福島 慶子^{1,2}, 久下 小百合^{1,2}, 山下 克子^{1,2} (¹佐々木研・生化, ²CREST)
- 3PA-128 高親和性 IgE 受容体 鎖遺伝子の構造
平岡 秀一^{1,2,3}, 渡辺 真理子⁴, 高垣 洋太郎^{2,4}, 藤田 京子², 奥村 康¹, 羅 智靖¹ (¹順天堂大・医・免疫, ²三菱化学生命研・免疫, ³放医研・ゲノム, ⁴北里大・医・分生)
- 3PA-129 Comparison of the genomic structures of three types of costimulatory molecules, CD28, CTLA-4 and ICOS, and regulation of expression of these genes during lymphocyte activation
Kenji Ihara, Akihiko Nomura, Saifuddin Ahmed, Toshiro Hara (Kyushu Univ., Grad. Sch. Med. Sci., Dept. Pediatr.)
- 3PA-130 Costimulatory 活性を示す新しい TNFR ファミリー HVEM の免疫系への関与
猪部 学, 上西 知子, 村上 正晃, 上出 利光 (北大・遺制研・分子免疫)
- 3PA-131 転写レベルでの異常を起こしている HLA クラス II 抗原低発現者
川村 純代, 屋部 登志雄, 清水 和広, 西村 元子, 田所 憲治, 十字 猛夫 (日赤・中央血液センター・研究部)
- 3PA-132 ウマ MHC クラス II 領域の構成と DQ ハプロタイプ
真島 傑¹, 廣田 桂一¹, Sophie Godard², Gerard Guerin², 戸崎 晃明¹, 三浦 信義¹ (¹競理研・分子遺伝, ²INRA, France)
- 3PA-133 HLA-DR and HLA-DM promoter assembly occurs in MHC class II negative, K-562 cells
Noel Day^{1,2}, Albert Ichiki², Kazunari Yokoyama¹ (¹RIKEN, Tsukuba Inst., ²Grad. Sch. Med, Univ. Tennessee Med. Ctr., USA)
- 3PA-134 免疫グロブリン遺伝子の組換え制御におけるクロマチン修飾の役割
真木 一茂¹, 永田 喜三郎¹, 縣 保年², 細澤 拓美¹, 北村 ふじ子¹, 清水 章², 烏山 一¹ (¹都臨床研・免疫, ²京大・遺伝子実験施設)
- 3PA-135 Accessibility control for V(D)J recombination by histone acetylation
Yasutoshi Agata¹, Sang-Kyu Ye², Tomoya Katakai¹, Manabu Sugai¹, Hiroyuki Gonda¹, Tasuku Honjo², Koichi Ikuta², Akira Shimizu¹ (¹Kyoto Univ., Ctl. Mol. Biol. Genet., ²Kyoto Univ., Grad. Sch. Med., Dept. Med. Chem.)
- 3PA-136 末梢リンパ組織における V(D)J 組換えによる親和性成熟について
疋田 正喜^{1,2}, 曲 正樹¹, 佐渡 隆志¹, 青木 彰寛¹, 金山 直樹¹, 大森 斉¹ (¹岡山大・工・生物機能, ²さきがけ研究 21・科技団)
- 3PA-137 末梢 B 細胞における RAG と並行する代替軽鎖の発現
金山 直樹¹, 疋田 正喜^{1,2}, 烏山 一³, 大森 斉¹ (¹岡山大・工・生物, ²さきがけ研究 21, ³都臨床研・免疫)
- 3PA-138 フレンド白血病レトロウイルス感染マウスの中和抗体産生に影響する non-MHC 遺伝子の解析
丹羽 淳子, 阿部 弘之, 宮澤 正顕 (近畿大・医・免疫)
- 3PA-139 可溶性補体制御因子 C4b-binding protein の精巢上体における発現
野中 真弓, 守 隆夫, 野中 勝 (東大・院理・生物)

- 3PA-140 胸腺上皮細胞 Stat3 は胸腺の形態維持および胸腺細胞の生存に必要である
佐野 栄紀¹, 高濱 洋介², 小阪 博¹, 菅原 剛彦², 吉川 邦彦¹, Willem, V. EWIJK³, 竹田 潤二⁴ (¹阪大・院医・皮膚, ²徳島大・ゲノム機能研, ³Erasmus Univ., Dept. Immunol., ⁴阪大・院医・社会環境)
- 3PA-141 分化抑制因子 Id2 欠損マウスにおける IgE 産生亢進の機序
菅井 学¹, 楠 隆², 片貝 智哉¹, 中畑 龍俊², 清水 章¹, 西川 伸一³, 横田 義史³ (¹京大・遺伝子実験施設, ²京大・医・小児科, ³京大・医・分子遺伝学)
- 3PA-142 転写因子 NF- B による CC ケモカイン MIP3 の発現制御
杉田 真一^{1,2}, 河野 友子¹, 山本 一男¹, 中島 久良³, 石丸 忠之², 松山 俊文¹ (¹長崎大・院医・感染分子病態, ²長崎大・医・産婦, ³長崎大・医技短)
- 3PA-143 A role of Schurri-2 in the positive selection process of thymocytes
Tsuyoshi Takagi^{1,2}, Shunsuke Ishii^{1,2} (¹RIKEN, Tsukuba, ²CREST・JST)
- 3PA-144 細胞内アダプター分子 Lnk による c-kit シグナル伝達の制御機構
高木 智, 高津 聖志 (東大・医科研・免疫調節)
- 3PA-145 Functional analysys of BCG-CWS on dendritic cells
Junji Uehori^{1,2}, Shoutaro Tsuji², Begum Nasim², Misako Matsumoto², Tsukasa Seya^{1,2} (¹Nara Inst., Dept. Bioscience, ²Osaka Medical Center for Cancer, Dept. of Immunology)
- 3PA-146 マウス mac25 の血管内皮細胞における発現とその意義
臼井 健郎, 田中 稔之, 長久保 大輔, 村井 稔幸, 宮坂 昌之 (阪大・院医・バイオ・臓器制御)
- 3PA-147 Identification of the IRF-4-interacting factors
Yuuichi Yamamoto¹, Kayo Miyazaki¹, Kazuo Yamamoto¹, Yasuhisa Nogi², Toshifumi Matsuyama¹ (¹Dept. Mol. Microbiol. Immunol., Nagasaki Univ. Grad. Sch. Med., ²Dept. Biochem., Saitama Med. Sch.)
- 3PA-148 ニワトリにおける Toll-like receptor 2(TLR2)の単離
福井 理^{1,2}, 野村 みどり², 松本 美佐子², 瀬谷 司^{1,2} (¹奈良先端大・バイオ, ²大阪府成人病セ・免疫)
- 3PA-149 LPS 応答反応における Toll-like receptor 4 と 2 の特性の違い
牟田 達史, 竹重 公一郎 (九大・院医・分子細胞生化学)

.....(6f 高次生命現象 , がん).....

- 3PA-150 癌栓塞療法に用いる組換え prethrombin-2 の作製
柚場 俊康, 尾形 信一, 谷原 正夫 (奈良先端大・物質創成)
- 3PA-151 組み換えアデノウイルスベクターを用いた成人 T 細胞性白血病の細胞特異的、分子標的的遺伝子治療の基礎的検討
渡辺 卓郎¹, 堀江 良一^{1,3}, 石田 尚臣^{1,3}, 鐘ヶ江 裕美², 塩之入 千恵子^{1,4}, 小岩 司^{1,5}, 東原 正明^{2,3}, 斎藤 泉^{2,3}, 渡邊 俊樹¹ (¹東大・医科研・人癌, ²同・遺解, ³北里大・4 内, ⁴天草中央総合病院, ⁵京大・ウイルス研)
- 3PA-152 食道癌で過剰発現する新規遺伝子 arpp の単離
塚本 善之, 近藤 彦人, 中田 知里, 中村 恭子, 馬場 威, 佐藤 建三, 守山 正胤 (鳥取大・医・生命・分子生物)
- 3PA-153 加齢および発癌過程における DNA メチル化の解析
豊田 実¹, 伊東 文生², 垣内 英樹², 今井 浩三², 時野 隆史¹ (¹札幌医大・医・がん研分子生物, ²札幌医大・医・一内)
- 3PA-154 Ribozyme-mediated growth suppression of colorectal cancer *in vivo*.
Tomoo Tanaka^{1,2}, Manami Tanaka^{2,3}, Hiroshi Kijima^{1,2}, Johbu Itoh¹, Taroh Matsuda² (¹Tokai Univ. Sch. Med., ²NIBH, AIST, MITI, ³NAIR, AIST, MITI)
- 3PA-155 癌・精巢遺伝子 D40:精巢における D40 蛋白質の発現
瀧本 将人¹, 衛 鋼¹, 立沢 亜由美², 池田 雅子², 高野 広子³, 渡部 智³, 伊藤 直樹⁴, 阿部 和厚³, 玉井 克之², 葛巻 暹¹ (¹北大・遺制研・癌遺伝子制御, ²医学生物学研, ³北大・院医・生体機能形態学, ⁴札幌医・泌尿器科)

- 3PA-156 ミッドカインに対するアンチセンス DNA 分子の開発と癌治療への応用
武井 佳史, 門松 健治, 村松 喬 (名大・医・生化学一)
- 3PA-157 抗がん剤排出ポンプ MRP1 の乳腺における機能の検討
田口 善智, 駒野 徹 (近畿大・生物理工・遺伝子)
- 3PA-158 肺がんの早期診断マーカー hnRNPB1 のプロモーター領域の解析
末岡 尚子¹, 末岡 栄三朗¹, 藤本 伸一², 神津 知子², 藤木 博太³ (¹佐賀医大・内, ²埼玉がんセ・研, ³埼玉がんセ)
- 3PA-159 ヒト ING1 遺伝子のゲノム構造解析と頭頸部癌における癌部特異的遺伝子変異の解析
大内田 守¹, Mehmet Gunduz², 福島 邦博², 花房 裕子¹, 清水 憲二¹ (¹岡山大・医・病態遺伝子, ²耳鼻科)
- 3PA-160 家族性大腸腺腫症 (FAP) モデルマウスの消化管腫瘍数に影響を与える modifier 因子の遺伝学的解析
前野 哲輝^{1,3}, 伊藤 正紀¹, 田利 あゆみ^{1,3}, 伊藤 志帆子¹, 川上 晶子^{1,3}, 野田 哲生^{1,2,3} (¹癌研・細胞生物, ²東北大・医・分子遺伝, ³科技団・CREST)
- 3PA-161 ATF-2 遺伝子ファミリー欠損による乳癌の発症
前川 利男^{1,2}, 佐野 祐治¹, 品川 敏恵^{1,2}, 野村 慎太郎³, 石井 俊輔^{1,2} (¹理研・筑波, ²CREST・JST, ³阪大・医・病理)
- 3PA-162 18q21 肺がん抑制遺伝子座位 311-kb 領域の物理的地図の作製
河野 隆志¹, 矢内原 臨¹, 高倉 聡¹, 大塚 綾香¹, 砂長 則明¹, 高橋 身奈¹, 萩原 弘一², 山崎 正明³, 田代 弘行³, 横田 淳¹ (¹国立がんセ・研・生物, ²東北大・加齢研・呼吸器腫瘍, ³不二家・バイオ研)
- 3PA-163 腫瘍細胞のメチレーションプロファイルとメチルトランスフェラーゼ活性の解析
垣内 英樹, 豊田 実, 伊東 文生, 鈴木 拓, 菊地 剛史, 今井 浩三 (札幌医大・医・一内)
- 3PA-164 新規癌抑制遺伝子候補 *tob* 遺伝子欠損マウスにおける染色体異常と腫瘍発生
中村 能久¹, 吉田 富¹, 佐藤 均², 薦田 正人³, 藤木 博太³, 森 茂郎², 野田 哲生⁴, 山本 雅¹ (¹東大・医科研・癌細胞シグナル, ²東大・医科研・人癌因遺伝子, ³埼玉県がんセ・研, ⁴癌研・細胞生物)
- 3PA-165 放射線誘発マウス胸腺リンパ腫における Ikaros の不活化メカニズムの解析
柿沼 志津子¹, 西村 まゆみ¹, 中田 有紀子¹, 馬嶋 秀行¹, 三田 和英¹, 荻生 俊昭¹, 佐渡 敏彦², 島田 義也¹ (¹放医研, ²大分県看護科学大)
- 3PA-166 DNA チップを用いた遺伝子発現解析による白血病発症機構の解析
市川 仁, 嶋田 博之, 大木 操 (国立がんセ・研・腫瘍ゲノム)
- 3PA-167 胃癌の遺伝子発現プロファイル解析
筆宝 義隆, 谷口 浩和, 堤 修一, 油谷 浩幸 (東大・先端研・ゲノムサイエンス)
- 3PA-168 腎細胞がんにおいて LOH を示す染色体共通欠失領域の解析
西川 直子¹, 波多野 直哉², 郷司 和男³, 木山 亮一¹ (¹工技院・生命研, ²理研・播磨, ³大阪医大・泌)
- 3PA-169 Analysis of Loss of Hetrozygosity in Chromosome 9 in Renal Cell Carcinoma Using IN-GEL Competitive Reassociation Library.
Shubhashish Sarkar¹, Naoya Hatano², Cathal J. McElgunn¹, Naoko S. Nishikawa², Kazuo Ozawa¹, Yasuhiko Shibana¹, Motowo Nakajima¹, Ryoiti Kiyama² (¹Tsukuba Research Institute, Novartis Pharma. K.K., ²NIBH, AIST)
- 3PA-170 Allelotype analysis in mouse hepatocellular carcinomas by in-gel competitive reassociation (IGCR)
Abdul Shukkur Ebrahim¹, Philip Rodley¹, Hiroaki Kanda², Tomoyuki Kitagawa², Ryoiti Kiyama¹ (¹NIBH, AIST, ²Dept.of Pathology, Cancer Inst.)

PB 会場

(4b 細胞の構造, 細胞質オルガネラ (ミトコンドリア、クロロプラスト等) の構造と機能)

- 3PB-001 ミトコンドリア融合因子 Fzo のヒト関連遺伝子群のクローニング
遠藤 仁司¹, 植野 恵理子¹, 浜本 敏郎¹, 香川 靖雄^{1,2} (¹自治医大・生化学, ²女子栄養大・医化学)