

## 第4日(12月16日(土))

### PA 会場

.....(1c ゲノム, ゲノム情報) .....

- 4PA-001 ゲノム DNA 配列の種内・種間比較に基づくゲノム領域の機能および進化過程の推定  
渡邊 日出海<sup>1</sup>, Taylor, Todd<sup>1</sup>, 豊田 敦<sup>1</sup>, 矢田 哲士<sup>1</sup>, 村上 勝彦<sup>1,2</sup>, 十時 泰<sup>1,2</sup>, 藤山 秋佐夫<sup>1</sup>, 服部 正平<sup>1</sup>, 高木 利久<sup>2</sup>, 榊 佳之<sup>1,2</sup> ( <sup>1</sup> 理研・GSC・ゲノム構造, <sup>2</sup> 東大・医科研・HGC )
- 4PA-002 未知遺伝子の同定を目指すヒトゲノム仮想転写配列 (VTS) アプローチの展開  
林 昭子<sup>1</sup>, 佐藤 伸司<sup>2</sup>, 笠間 康次<sup>2</sup>, 古谷 利夫<sup>3</sup>, 大風 元<sup>1,4</sup>, 小妻 澄枝<sup>1</sup>, 宮嶋 伸行<sup>5</sup>, 齋藤 俊行<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 放医研, <sup>2</sup> メイズ, <sup>3</sup> ファルマデザイン, <sup>4</sup> 千葉大, <sup>5</sup> かずさ DNA 研 ( 現・武田薬品 ) )
- 4PA-003 極めて低い転写レベルで発現している未同定遺伝子のカタログ化戦略  
大風 元<sup>1,2</sup>, 林 昭子<sup>1</sup>, 小妻 澄枝<sup>1</sup>, 佐藤 伸司<sup>3</sup>, 笠間 康次<sup>3</sup>, 古谷 利夫<sup>4</sup>, 宮嶋 伸行<sup>5</sup>, 齋藤 俊行<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 放医研, <sup>2</sup> 千葉大, <sup>3</sup> メイズ, <sup>4</sup> ファルマデザイン, <sup>5</sup> かずさ DNA 研 ( 現・武田薬品 ) )
- 4PA-004 AMPD 遺伝子群の SNPs 解析  
遠山 桂子<sup>1,2</sup>, 森崎 裕子<sup>2</sup>, 森崎 隆幸<sup>1,2</sup> ( <sup>1</sup> 阪大・院薬・生理, <sup>2</sup> 国循・バイオ )
- 4PA-005 SMTN 遺伝子の SNPs 解析  
森崎 裕子, 森崎 隆幸 ( 国循セ研・バイオサイエンス )
- 4PA-006 PLACE-SSCP 法による一塩基多型(SNPs)の検索及びアレル頻度の算出  
鈴木 亜香里, 田平 知子, 佐々木 智成, 久木田 洋児, 日笠 幸一郎, 林 健志 ( 九大・遺伝情報・ゲノム解析 )
- 4PA-007 Sequence analysis of alternative splicing patterns in the mouse cDNA clones.  
Hiromi Kochiwa<sup>1,2</sup>, Ryosuke Suzuki<sup>1,2</sup>, Takanori Washio<sup>1,3</sup>, Akira Shinagawa<sup>4</sup>, Masayoshi Itoh<sup>4</sup>, Kazuhiro Sibata<sup>4</sup>, Piero Carninci<sup>4</sup>, Hideaki Connno<sup>4</sup>, Jun Kawai<sup>4</sup>, Yoshifumi Fukunishi<sup>4</sup>, Yoshihide Hayashizaki<sup>4</sup>, Masaru Tomita<sup>1,2</sup> ( <sup>1</sup>Lab. Bioinformatics., <sup>2</sup>Dept. Env Info., <sup>3</sup>Grad. Sch. Med and Gov., <sup>4</sup>Genome Sci. Lab., RIKEN )
- 4PA-008 5'スプライスサイトの配列と類似配列のコンピュータ解析  
阿部 澄枝<sup>1</sup>, 高橋 伸幸<sup>2</sup>, 工藤 峰一<sup>3</sup>, 新保 勝<sup>3</sup>, 堤 耀広<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 北大・院工・量子物理工, <sup>2</sup> 北教大函, <sup>3</sup> 北大・院工・システム情報工 )
- 4PA-009 遺伝子発現プロファイル解析における遺伝子クラスター数の自動決定法  
堀本 勝久<sup>1</sup>, 藤 博幸<sup>2</sup> ( <sup>1</sup> 佐賀医大・数学, <sup>2</sup> 生物工研 )
- 4PA-010 遺伝子発現パターン解析のための分類木比較アルゴリズム  
増山 智久, 松田 秀雄, 橋本 昭洋 ( 阪大・院基工・情報数理 )
- 4PA-011 複数の実験条件での発現データからの遺伝子分類手法  
廣中 大雅, 松田 秀雄, 橋本 昭洋 ( 阪大・院基工・情報数理 )
- 4PA-012 DNA マイクロアレイ時系列データからの遺伝子間制御ネットワーク推定  
加藤 護<sup>1</sup>, 角田 達彦<sup>2</sup>, 高木 利久<sup>3</sup> ( <sup>1</sup> 東大・院理・物理, <sup>2</sup> 理研・遺伝子多型センター, <sup>3</sup> 東大・医科研・ヒトゲノム解析センター )
- 4PA-013 DNA マイクロアレイにおけるクロスハイブリダイゼーション誤差の評価  
武富 啓, 竹原 英毅, 牟田 滋, 田代 康介, 久原 哲 ( 九大・院生資環・遺資工 )
- 4PA-014 配列集合からの共通保存領域検出のためのクラスタリング手法  
山口 陽介<sup>1</sup>, 長尾 充大<sup>1</sup>, 川路 英哉<sup>1,2</sup>, 竹中 要一<sup>1</sup>, 松田 秀雄<sup>1</sup>, 橋本 昭洋<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 阪大・院基工・情報数理, <sup>2</sup> NTT ソフト )
- 4PA-015 統計的スコアに基づく局所マルチプルアライメントアルゴリズム  
長尾 充大<sup>1</sup>, 山口 陽介<sup>1</sup>, 川路 英哉<sup>1,2</sup>, 竹中 要一<sup>1</sup>, 松田 秀雄<sup>1</sup>, 橋本 昭洋<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 阪大・院基工・情報数理, <sup>2</sup> NTT ソフト )

- 4PA-016 マウス完全長 cDNA シーケンス解析における共通保存領域の探索  
川路 英哉<sup>1,2</sup>, 松田 秀雄<sup>1</sup>, 近藤 伸二<sup>3</sup>, 河合 純<sup>3,4</sup>, 林崎 良英<sup>3,4</sup>, 橋本 昭洋<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 阪大・院基工・情報数理, <sup>2</sup> NTT ソフト, <sup>3</sup> 理研・ゲノム科学総研セ, <sup>4</sup> 理研・筑波セ )
- 4PA-017 ゲノムにおける dimer 配列頻度の法則性  
塩入 千春, 高畑 尚之 ( 総研大・先導科学・生命体科学 )
- 4PA-018 色彩パターン化を用いたゲノム情報解析: タンDEMリピートの探索  
吉田 徹彦<sup>1,2</sup>, 尾畑 伸明<sup>1</sup>, 大澤 研二<sup>1,3</sup> ( <sup>1</sup> 名大・院・多元数理, <sup>2</sup> 東亜合成, <sup>3</sup> 科技団・難波プロジェクト )
- 4PA-019 パスウェイ解析のための酵素階層を用いた多重アライメントアルゴリズム  
遠里 由佳子, 網浜 貴夫, 松田 秀雄, 橋本 昭洋 ( 阪大・院基工・情報数理 )
- 4PA-020 ゲノム比較解析のためのオーソログ同定アルゴリズムの開発  
内山 郁夫 ( 岡崎共同研・計算科学セ )
- 4PA-021 大腸菌ゲノムデータベース ( GenoBase )  
旭 弘子<sup>1</sup>, 荒 武<sup>1</sup>, 松田 秀雄<sup>2</sup>, 磯野 克己<sup>3</sup>, 森 浩禎<sup>4</sup> ( <sup>1</sup> CREST, JST, <sup>2</sup> 阪大・基礎工, <sup>3</sup> 神大・理, <sup>4</sup> 奈良先端大・遺伝子セ )
- 4PA-022 統合型大腸菌データベース PEC ( Profiling of E.coli Chromosome ) の拡張  
山川 武廣<sup>1</sup>, 池上 徹<sup>2</sup>, 加藤 潤一<sup>2</sup>, 川端 猛<sup>1</sup>, 西川 健<sup>1</sup>, 森 浩禎<sup>3</sup>, 西村 昭子<sup>1</sup>, 山崎 由紀子<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 遺伝研, <sup>2</sup> 東大・医科研, <sup>3</sup> 奈良先端大 )
- 4PA-023 微生物ゲノムの情報学的解析  
鈴木 健司<sup>1</sup>, 山川 武広<sup>2</sup>, 小笠原 直毅<sup>1</sup>, 加藤 潤一<sup>3</sup>, 西川 建<sup>4</sup>, 山崎 由紀子<sup>2</sup> ( <sup>1</sup> 奈良先端大・パイオ, <sup>2</sup> 国立遺伝研・系統情報, <sup>3</sup> 東大・医科研, <sup>4</sup> 国立遺伝研・生命情報 )
- 4PA-024 枯草菌膜タンパク質のネットワーク解析のためのコンピュータープログラム SOSUI による解析とプロファイリング技術の確立  
武内 桂吾<sup>1</sup>, 根本 直<sup>2</sup>, 有賀 正典<sup>1</sup>, 中村 幸治<sup>1</sup>, 中西 洋志<sup>2</sup>, 山根 國男<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 筑波大・生物科学, <sup>2</sup> 工技院・生命工学 )
- 4PA-025 オーバーラップ遺伝子の構造とゲノムの進化的距離との関係  
福田 陽子<sup>1,2</sup>, 鷲尾 尊規<sup>1,2</sup>, 中山 洋一<sup>1,3</sup>, 富田 勝<sup>1,3</sup> ( <sup>1</sup> 慶應大・生命情報研, <sup>2</sup> 慶大・政策メディア, <sup>3</sup> 慶大・環境情報 )
- 4PA-026 ゲノム DNA 分子のシャッフルによる原核生物の進化  
牧野 伸一<sup>1,2</sup>, 天野 直己<sup>1,2,3</sup>, 飯島 一行<sup>4</sup>, 鈴木 理<sup>1,2</sup> ( <sup>1</sup> 生命工学工業技術研究所・構造生物学研究施設, <sup>2</sup> 科技団・戦略的基礎研究, <sup>3</sup> 筑波大・医, <sup>4</sup> 日立サイエンスシステムズ )
- 4PA-027 微生物ゲノムにおける転写調節因子の多様性の解析  
荒 武<sup>1</sup>, 野嶋 秀明<sup>2</sup>, 鈴木 健二<sup>3</sup>, 森 浩禎<sup>1,2</sup> ( <sup>1</sup> CREST, <sup>2</sup> 奈良先端大・遺伝子教育研究センター, <sup>3</sup> 山之内製薬 )
- 4PA-028 バクテリアゲノムにおける 配列と遺伝子発現量の相関に関する解析  
鵜野 れいな<sup>1,2</sup>, 最上 丈仁<sup>1,3</sup>, 中山 洋一<sup>1,3</sup>, 荒川 和晴<sup>1,3</sup>, 富田 勝<sup>1,3</sup> ( <sup>1</sup> 慶應大・生命情報研, <sup>2</sup> 同・政策メディア, <sup>3</sup> 同・環境情報 )
- 4PA-029 バクテリアゲノムにおける 配列および G-rich オリゴ配列の方向性に関する解析  
荒川 和晴<sup>1,2</sup>, 鵜野 レイナ<sup>1,3</sup>, 中山 洋一<sup>1,2</sup>, 富田 勝<sup>1,2</sup> ( <sup>1</sup> 慶應大・生命情報研, <sup>2</sup> 同・環境情報, <sup>3</sup> 同・政策メディア )
- 4PA-030 一細胞一分子蛋白質の同定を目指す RFHR2-DPAGE によるプロテオーム解析  
和田 明<sup>1</sup>, 吉田 秀司<sup>1</sup>, 牧 泰史<sup>1,2</sup> ( <sup>1</sup> 大阪医大・物理, <sup>2</sup> 科技団・CREST )
- 4PA-031 大腸菌における不完全な代謝反応パスウェイの解析  
網浜 貴夫, 遠里 由佳子, 松田 秀雄, 橋本 昭洋 ( 阪大・院基工・情報数理 )
- 4PA-032 マイコプラズマ 2 種の DNA 塩基組成と変異の方向性  
山下 紗代<sup>1,2</sup>, 中島 広志<sup>2</sup>, 西川 建<sup>3</sup> ( <sup>1</sup> 科技団, <sup>2</sup> 金沢大, <sup>3</sup> 遺伝研 )

- 4PA-033 出芽酵母の遺伝子発現ネットワークの構築  
油谷 幸代<sup>1</sup>, 渡辺 昭次<sup>2</sup>, 江口 至洋<sup>2</sup>, 牟田 滋<sup>1</sup>, 田代 康介<sup>1</sup>, 久原 哲<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 九大・生資環・遺資工, <sup>2</sup> 三井情報開発 )
- 4PA-034 出芽酵母転写因子破壊株における遺伝子発現プロファイルデータベース  
内藤 正規<sup>1</sup>, 塩塚 晃一<sup>1</sup>, 河村 美穂<sup>1</sup>, 土川 美保<sup>1</sup>, 堀口 達矢<sup>1</sup>, 浦田 ひろみ<sup>1</sup>, 小島 知子<sup>1</sup>, 橋本 誠一<sup>1</sup>, 田代 康介<sup>2</sup>, 久原 哲<sup>2</sup> ( <sup>1</sup> 山之内製薬(株) 分子医学研, <sup>2</sup> 九大・生物資源環境科学研究課 )
- 4PA-035 一定温度核酸増幅法によるトランクリプトーム解析  
保川 清, 石黒 敬彦 ( 東ソー・東京研究所 )
- 4PA-036 好熱菌タンパク質の分子表面におけるアミノ酸組成の特徴  
福地 佐斗志<sup>1,2</sup>, 西川 建<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 遺伝研・生命情報, <sup>2</sup> JST )
- 4PA-037 転写因子予測のためのアミノ酸配列の特徴解析  
寺井 悟朗<sup>1,2</sup>, 水野 武<sup>1</sup>, 中井 謙太<sup>2</sup>, 高木 利久<sup>2</sup> ( <sup>1</sup> インテック・ウェブ・アンド・ゲノム・インフォマテイクス(株), <sup>2</sup> 東大・医科研・ヒトゲノム解析センター )
- 4PA-038 全ゲノム立体構造予測データベース"GTOP"  
川端 猛<sup>1</sup>, 福地 佐斗志<sup>1</sup>, 石井 崇洋<sup>1</sup>, 太田 元規<sup>1</sup>, 伊藤 武彦<sup>2</sup>, 落合 孝正<sup>2</sup>, 市吉 伸行<sup>2</sup>, 西川 建<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 遺伝研, <sup>2</sup> 三菱総研 )
- 4PA-039 ドメイン融合の網羅的な解析によるタンパク質 タンパク質相互作用の導出に関する研究  
菱垣 晴次<sup>1,2</sup>, 小野 恵秀<sup>2</sup>, 谷上 信<sup>2</sup>, 高木 利久<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 東大・医科研・ゲノムセンター, <sup>2</sup> 大塚 GEN 研 )
- 4PA-040 イネ完全長 cDNA Library の大規模解析  
児玉 武子<sup>1</sup>, 飯田 義晴<sup>1</sup>, 増田 洋美<sup>1</sup>, 鈴木 稯<sup>2</sup>, 菅野 純夫<sup>1,2</sup>, 藤村 達人<sup>1,3</sup>, 大友 泰裕<sup>1,4</sup>, 菊池 尚志<sup>5</sup>, 松原 謙一<sup>1,6</sup>, 村上 和雄<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 国際科学振興財団, <sup>2</sup> 東大・医科研・癌ウイルス, <sup>3</sup> 筑波大・農林工学, <sup>4</sup> 日本電算機(株), <sup>5</sup> 農水省・生資研・分子遺伝, <sup>6</sup> 奈良先端大・バイオサイエンス )
- 4PA-041 イネ完全長 cDNA 解析におけるサンプルトラッキングシステム構築への試み  
岡 充<sup>1,2</sup>, 黒崎 剛志<sup>1,3</sup>, 川原 弘三<sup>1,4</sup>, 大友 泰裕<sup>1,5</sup>, 松原 謙一<sup>1,6</sup>, 村上 和雄<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 国際科学振興財団・バイオ研究所, <sup>2</sup> 図書館情報大, <sup>3</sup> 筑波大・情報, <sup>4</sup> (株)ワールドフュージョン, <sup>5</sup> 日本電算機(株), <sup>6</sup> 奈良先端大・バイオサイエンス )
- 4PA-042 オリゴキャッピング法によるイネ完全長 cDNA Library の作製とその解析  
増田 洋美<sup>1</sup>, 飯田 義晴<sup>1</sup>, 児玉 武子<sup>1</sup>, 鈴木 稯<sup>2</sup>, 菅野 純夫<sup>1,2</sup>, 藤村 達人<sup>1,3</sup>, 大友 泰裕<sup>1,4</sup>, 菊池 尚志<sup>5</sup>, 松原 謙一<sup>1,6</sup>, 村上 和雄<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 国際科学振興財団, <sup>2</sup> 東大・医科研・癌ウイルス, <sup>3</sup> 筑波大・農林工学, <sup>4</sup> 日本電算機(株), <sup>5</sup> 農水・生資研・分子遺伝, <sup>6</sup> 奈良先端大・バイオサイエンス )
- 4PA-043 Integrating Gene Finding Programs  
十時 泰<sup>1</sup>, 矢田 哲士<sup>1</sup>, 高枝 佳男<sup>2</sup>, 榎 佳之<sup>1,3</sup>, 高木 利久<sup>3</sup> ( <sup>1</sup> 理研・ゲノム科学総研セ, <sup>2</sup> 三菱総研, <sup>3</sup> 東大・医科研・ヒトゲノムセ )
- 4PA-044 ネットワーク対応疾患遺伝子変異データベース *KMDB/MutationView* の構築  
満山 進<sup>1</sup>, 蓑島 伸生<sup>1</sup>, 大坪 正史<sup>1</sup>, 伊藤 瑳知子<sup>2</sup>, 芝本 さゆみ<sup>3</sup>, 伊藤 文昭<sup>3</sup>, 清水 信義<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 慶應大・医・分子生物, <sup>2</sup> 摂南大・薬・衛生薬, <sup>3</sup> 生化学 )
- 4PA-045 DNA チップを用いたインフルエンザ感染による宿主遺伝子発現変動の解析  
清水 一史<sup>1</sup>, 林 伸一<sup>2</sup>, 井口 晃史<sup>1</sup>, 五明 利恵子<sup>1</sup>, 浅井 芳人<sup>1</sup>, 原田 智紀<sup>1</sup>, 久次米 公誠<sup>2</sup>, 権 寧博<sup>2</sup>, 橋本 修<sup>2</sup>, 堀江 孝至<sup>2</sup> ( <sup>1</sup> 日大・医・免疫学微生物学, <sup>2</sup> 日大・医・第一内科 )
- 4PA-046 ヒト心房性ナトリウム利尿ペプチド(hANP)遺伝子 G1837A、T2238C 多型と本態性高血圧症との関連について  
熱合木都拉 多里坤, 相馬 正義, 中山 智祥, 佐藤 三佳乃, 泉 洋一, 上松瀬 勝男, 小沢 友紀雄 ( 日大・医・第2内科 )
- 4PA-047 ウシ EST マーカーの大量開発  
高須賀 晶子, 平野 桂子, 伊藤 礼子, 地頭園 綾子, 杉本 喜憲 ( 動物遺伝研 )

- 4PA-048 ツル自然集団における遺伝的多様性  
山本 義弘<sup>1</sup>, 松田 秀雄<sup>2</sup>, 高見 一利<sup>3</sup>, 田村 和朗<sup>4</sup>, 古山 順一<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>兵庫医大・遺伝, <sup>2</sup>阪大・院基礎工, <sup>3</sup>天王寺動物園, <sup>4</sup>兵庫医大・先端研 )
- 4PA-049 BAC を利用したカイコの Z 染色体の構造解析  
小池 淑子<sup>1</sup>, 嶋田 透<sup>1</sup>, 鈴木 雅京<sup>1</sup>, 三田 和英<sup>2</sup>, 前田 進<sup>3</sup>, 小副川 和豊<sup>4</sup>, Pieter DeJong<sup>4</sup> ( <sup>1</sup>東大・農, <sup>2</sup>放医研, <sup>3</sup>理研, <sup>4</sup>Children's Hospital Oakland Res. Inst., USA )
- 4PA-050 バキュロウイルスの比較ゲノム解析に基づくサクサン核多角体病ウイルスベクターの改良  
Yuan Jiao Huang, 前川 憲一, 吉村 哲郎, 小林 淳 (三重大・工)
- 4PA-051 ミトコンドリア全長配列を指標とした哺乳類の目間、内レベルでの系統解析  
二階堂 雅人<sup>1</sup>, 河合 久仁子<sup>1</sup>, 曹 纓<sup>2</sup>, 長谷川 政美<sup>2</sup>, 岡田 典弘<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>東京工大・生命理工, <sup>2</sup>統計数理研究所 )
- ..... ( 1d ゲノム , その他 ) .....
- 4PA-052 ゲノムプロファイリング法による化学環境の生体 (細菌ゲノム) 影響評価  
二上 雅恵, 西垣 功一 (埼玉大・工・機能材料)
- 4PA-053 遺伝子型による種同定システム “ On-webGP ” の実践  
西垣 功一, 渡辺 雄大, 齋藤 あゆむ, Manish Biyani, 上条 寛, Mohammed Naimuddin (埼玉大・工・機能材料工学)
- 4PA-054 大腸菌文献データベース  
磯野 克己<sup>1</sup>, 井本 摂津子<sup>2</sup>, 磯野 節子<sup>1</sup>, 川俣 朋子<sup>1</sup>, 森 浩禎<sup>3</sup> ( <sup>1</sup>神戸大・理・生物, <sup>2</sup>CREST, <sup>3</sup>奈良先端大・遺伝子セ )
- 4PA-055 Functional genomics のための大腸菌全 ORF のクローンセットの作製  
北川 正成<sup>1</sup>, 荒 武<sup>2</sup>, 森 浩禎<sup>1,2</sup> ( <sup>1</sup>奈良先端大・遺伝子センター, <sup>2</sup>科技団・戦略的基礎研究 )
- 4PA-056 大腸菌ゲノムの RFHR 二次元電気泳動法によるプロテオーム解析 : 2 . 大腸菌の Gene-ProteinIndex の作成と応用  
前田 真希<sup>1</sup>, 小林 元悟<sup>4</sup>, 和田 明<sup>2</sup>, 森 浩禎<sup>1,3</sup>, 和田 千恵子<sup>1,4</sup> ( <sup>1</sup>科技団・CREST, <sup>2</sup>阪医大・物理, <sup>3</sup>奈良先端大・遺伝子, <sup>4</sup>京大・ウイルス研 )
- 4PA-057 枯草菌ゲノム工学—マウスゲノム由来の DNA140kb の枯草菌ゲノムベクターへのクローニング  
金子 真也, 竹内 隆, 柘植 謙爾, 板谷 光泰 (三菱化学生命研)
- 4PA-058 枯草菌ゲノム工学 - シアノバクテリアゲノム由来の連続した DNA 500 kb を枯草菌ゲノムベクターに組み込んだ  
柘植 謙爾, 藤田 京子, 小泉 真貴, 板谷 光泰 (三菱化学生命研)
- 4PA-059 枯草菌 yabG 遺伝子はスポア形成期特異的プロテアーゼをコードする  
高松 宏治<sup>1</sup>, 桑名 利津子<sup>1</sup>, 藤林 真知子<sup>1</sup>, 笠原 康裕<sup>2</sup>, 小笠原 直毅<sup>2</sup>, 渡部 一仁<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>摂南大・薬, <sup>2</sup>奈良先端大 )
- 4PA-060 TFIIH キナーゼ非依存的転写活性化における熱ショック転写因子の役割  
桜井 博<sup>1</sup>, 深沢 俊夫<sup>2</sup> ( <sup>1</sup>金沢大・医・保健, <sup>2</sup>慶應大 )
- 4PA-061 グルコース飢餓によって発現が誘導される出芽酵母の遺伝子 VI-55 の機能解析  
甘 翔<sup>1</sup>, 北川 円<sup>1,2</sup>, 磯野 克己<sup>1,2</sup> ( <sup>1</sup>神戸大・自然科学, <sup>2</sup>神戸大・理 )
- 4PA-062 RLGS of *nit 1* mutants produced in a fungus, *Colletotrichum acutatum*  
Keisuke Tomioka<sup>1</sup>, Toyozo Sato<sup>2</sup> ( <sup>1</sup>Shikoku Natl. Agric. Exp. Stn., MAFF, <sup>2</sup>Natl. Inst. Agrobiol. Resour., MAFF )
- 4PA-063 リン酸化プロテオーム  
小田 吉哉<sup>1</sup>, 長洲 毅志<sup>1</sup>, Brian T. Chait<sup>2</sup> ( <sup>1</sup>エーザイ・シーズ研, <sup>2</sup>Rockefeller Univ. )

- 4PA-064 Positional cloning of the medaka *rs-3* gene  
 Shu Kondo<sup>1</sup>, Mariko Kondo<sup>2</sup>, Kiyoshi Naruse<sup>1</sup>, Hiroshi Mitani<sup>1,2</sup>, Yuko Wakamatsu<sup>3,4</sup>, Kenjiro Ozato<sup>3,4</sup>, Akihiro Shima<sup>1,2</sup> ( <sup>1</sup>Dept. Biol. Sci., Grad. Sch. Sci., Univ. Tokyo, <sup>2</sup>Dept. Integrated Biosci., Univ. Tokyo, <sup>3</sup>Div. Bio. Sci., Grad. Sch. Sci., Nagoya Univ., <sup>4</sup>Biosci. Cent., Nagoya Univ. )
- 4PA-065 メダカ *b* 遺伝子のポジショナルクローニング  
 深町 昌司<sup>1</sup>, 島田 敦子<sup>2</sup>, 嶋 昭紘<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>東大・新領域・先端生命, <sup>2</sup>東大・院理・生物科学 )
- 4PA-066 ブタ BAC クローンの末端配列を利用したマーカーの RH マップ  
 木内 幸子, 上西 博英, 美川 智, 安江 博 ( 農水省・畜試 )
- 4PA-067 無細胞タンパク質合成系を用いたマウス cDNA の多検体同時発現  
 元田 容子<sup>1</sup>, 矢吹 孝<sup>1</sup>, 松田 夏子<sup>1</sup>, 林崎 良英<sup>2</sup>, 木川 隆則<sup>1,3</sup>, 横山 茂之<sup>1,3,4</sup> ( <sup>1</sup>理研・GSC・タンパク質 G, <sup>2</sup>GSC・遺伝子 G, <sup>3</sup>細胞情報伝達, <sup>4</sup>東大・院理 )
- 4PA-068 PCR と無細胞タンパク質合成系を用いた, 迅速なタンパク質ドメインの発現法  
 矢吹 孝<sup>1</sup>, 元田 容子<sup>1</sup>, 松田 夏子<sup>1</sup>, 黒田 裕<sup>1</sup>, 松尾 洋<sup>2</sup>, 林崎 良英<sup>3</sup>, 木川 隆則<sup>1</sup>, 横山 茂之<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>理研・GSC・タンパク質 G, <sup>2</sup>ゲノム情報 G, <sup>3</sup>遺伝子 G )
- 4PA-069 構造ゲノム科学のためのタンパク質ドメイン選択法  
 関 英子<sup>1</sup>, 木川 隆則<sup>1,2</sup>, 松田 夏子<sup>1</sup>, 林崎 良英<sup>3</sup>, 横山 茂之<sup>1,2,4</sup> ( <sup>1</sup>理研・GSC・タンパク G, <sup>2</sup>細胞情報伝達, <sup>3</sup>GSC・遺伝子 G, <sup>4</sup>東大・院理 )
- 4PA-070 無細胞系による高度好熱菌 *T. th* HB8 タンパク質の発現  
 田島 夏織<sup>1</sup>, 白水 美香子<sup>1,2,4</sup>, 井上 みお<sup>1</sup>, 矢吹 孝<sup>1</sup>, 木川 隆則<sup>1,2</sup>, 柴田 武彦<sup>3,4</sup>, 井上 頼直<sup>4</sup>, 倉光 成紀<sup>4,5</sup>, 横山 茂之<sup>1,2,4</sup> ( <sup>1</sup>理研・GSC・タンパク質 G, <sup>2</sup>理研・細胞情報伝達, <sup>3</sup>理研・遺伝生化, <sup>4</sup>理研・ストラクチュローム G, <sup>5</sup>阪大・院理 )
- 4PA-071 ゲノムワイドな多型マイクロサテライトマーカーの設定  
 牧野 悟士<sup>1</sup>, 岡本 浩一<sup>1,2</sup>, 林 英樹<sup>1</sup>, 徳保 江里子<sup>1</sup>, 渡辺 裕美<sup>1,2</sup>, 遠藤 高帆<sup>3</sup>, 今西 規<sup>3</sup>, 五條堀 孝<sup>3</sup>, 田宮 元<sup>1</sup>, 猪子 英俊<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>東海大・医・分子生命科学 2, <sup>2</sup>中外製薬・富士御殿場研, <sup>3</sup>遺伝研・生命情報 )
- 4PA-072 ヒト DLST 遺伝子の多型について  
 田邊 真理子<sup>1</sup>, 中野 恭子<sup>1</sup>, 中河 志朗<sup>2</sup>, 太田 成男<sup>3</sup>, 松田 貞幸<sup>4</sup> ( <sup>1</sup>鹿児島女子短大・生化, <sup>2</sup>鹿児島大・医・解剖 1, <sup>3</sup>日本医科大・老研・生化, <sup>4</sup>鹿屋体育大・生物 )
- 4PA-073 ヒトゲノム解析計画はいかなる終末を迎えるか?  
 添田 栄一 ( 理研・筑波研・ジーンバンク )
- ..... ( 6a 高次生命現象 , 免疫 ) .....
- 4PA-074 CD97 : 自然免疫と適応免疫のクロストーク  
 灰野 誠<sup>1,2</sup>, 松島 綱治<sup>1</sup>, Kathleen Kelly<sup>2</sup> ( <sup>1</sup>東大・院医・分子予防医学 / 科技団 CREST, <sup>2</sup>NCI,NIH,USA )
- 4PA-075 ポリコーム群遺伝子 *mel-18* による末梢 T 細胞の機能発現と機能分化の制御  
 木村 元子, 谷口 克, 古関 明彦, 中山 俊憲 ( 千葉大・院医・免疫発生 )
- 4PA-076 新しいクロマチン調節因子による T 細胞分化制御機構  
 田中 裕二郎 ( 千葉大・医・分子免疫 )
- 4PA-077 WASP-PH/WH1 ドメインを過剰発現するトランスジェニックマウスにおける T 細胞の機能解析  
 佐藤 充<sup>1</sup>, 辻 典子<sup>1</sup>, 後藤 英夫<sup>1</sup>, 山下 慶三<sup>2</sup>, 橋本 幸一<sup>2</sup>, 多度津 紀子<sup>2</sup>, 橋本 易周<sup>3</sup>, 関川 賢二<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>農水省・家畜衛試, <sup>2</sup>グラクソウエルカム KK 筑波研, <sup>3</sup>北大・先端研 )
- 4PA-078 CD69 の T 細胞分化における役割  
 中山 俊憲 ( 千葉大・院医・免疫発生 )
- 4PA-079 ヘルパー T 細胞サブセット特異的サイトカイン遺伝子群の発現制御機構  
 宮武 昌一郎<sup>1</sup>, 竹本 直文<sup>1</sup>, 鴨川 由美子<sup>1</sup>, 新井 直子<sup>2</sup>, 新井 賢一<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>東大・医科研・染色体制御, <sup>2</sup>DNAX 研 )

- 4PA-080 Human Herpesvirus 6 レセプター, CD46 の解析  
 村林 望<sup>1,2</sup>, 谷口 光恵<sup>2</sup>, 松本 美佐子<sup>2</sup>, 伊勢川 裕二<sup>3</sup>, 瀬谷 司<sup>1,2</sup> ( <sup>1</sup> 奈良先端大・バイオ, <sup>2</sup> 大阪府成人病セ・免疫, <sup>3</sup> 阪大・院医・感染因子防御 )
- 4PA-081 HA 抗原発現バキュロウイルス接種免疫マウスのインフルエンザウイルス感染防御効果  
 阿部 隆之, 高橋 仁, 高井 和幸, 高久 洋 ( 千葉工大・ハイテクリサーチセンター )
- 4PA-082 放射線誘発マウス胸腺リンパ腫における TCR 鎖遺伝子の再構成  
 藤本 真慈<sup>1</sup>, 柿沼 志津子<sup>2</sup>, 島田 義也<sup>2</sup>, 河本 宏<sup>1</sup>, 桂 義元<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 京大・再生研・免疫, <sup>2</sup> 放医研 )
- 4PA-083 患者血清中のヒト ST2 タンパク質の解析  
 黒岩 憲二<sup>1,2</sup>, 新井 孝夫<sup>1</sup>, 岡崎 仁昭<sup>3</sup>, 蓑田 清次<sup>3</sup>, 李 紅杰<sup>2</sup>, 柳澤 健<sup>2</sup>, 岩花 弘之<sup>2</sup>, 多胡 憲治<sup>2</sup>, 早川 盛禎<sup>2</sup>, 富永 眞一<sup>2</sup> ( <sup>1</sup> 東京理大・応生, <sup>2</sup> 自治医大・生化, <sup>3</sup> 自治医大・アレ膠 )
- 4PA-084 Inducible Production of a CC Chemokine LARC/MIP-3 /CCL20 by Epidermal Keratinocytes and its Role in Atopic Dermatitis  
 Takashi Nakayama<sup>1</sup>, Ryuichi Fujisawa<sup>1</sup>, Hidekazu Yamada<sup>2</sup>, Hiroshi Kawasaki<sup>3</sup>, Kunio Hieshima<sup>1</sup>, Dai Izawa<sup>1</sup>, Satoru Fujii<sup>4</sup>, Tadashi Tezuka<sup>2</sup>, Osamu Yoshie<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>Dept. of Bacteriology, <sup>2</sup>Dept. of Dermatology, Kinki Univ. Sch. of Med., <sup>3</sup>Inst. Med. Sci., Univ. Tokyo, <sup>4</sup>2nd Dept. of Surgery, Kinki Univ. Sch. of Med. )
- 4PA-085 超弱毒化ワクチニアウイルスベクターの有用性—組換えエイズワクチンの開発—  
 大洲 竹晃<sup>1,4</sup>, 松尾 和浩<sup>1,4</sup>, 石井 孝司<sup>2</sup>, 加藤 賢三<sup>2</sup>, 網 康至<sup>3</sup>, 須崎 百合子<sup>3</sup>, 本多 三男<sup>1,4</sup> ( <sup>1</sup> 国立感染研・エイズ第一, <sup>2</sup> ウイルス 2 部, <sup>3</sup> 動物管理室, <sup>4</sup> 科技団・エイズワクチン )
- 4PA-086 モルモット遅延型過敏症反応に伴って発現する。3 遺伝子の解析  
 大谷 真志, 中田 久美子, 渡辺 直子, 小林 芳郎 ( 東邦大・理・生物分子 )
- 4PA-087 IL-1 レセプターアンタゴニスト欠損による免疫異常が慢性関節炎を誘導する  
 宝来 玲子, 岩倉 洋一郎 ( 東大・医科研・ヒト疾患 )
- 4PA-088 炎症時に転写因子 NF- B の転写活性を制御する新規核タンパク質 p70 の機能  
 山崎 創, 牟田 達史, 竹重 公一朗 ( 九大・院医・分子細胞生化学 )
- 4PA-089 カンジダ菌体成分によるマウスへの実験的血管炎の誘発  
 大野 尚仁<sup>1</sup>, 栗原 清<sup>1</sup>, 三浦 典子<sup>1</sup>, 安達 禎之<sup>1</sup>, 宿前 利郎<sup>1</sup>, 高橋 啓<sup>2</sup>, 大原関 利章<sup>2</sup>, 直江 史郎<sup>2</sup>, 大川原 明子<sup>3</sup>, 鈴木 和男<sup>3</sup> ( <sup>1</sup> 東京薬大・薬, <sup>2</sup> 東邦大・医・大橋・病理, <sup>3</sup> 国立感染研・生物活性 )
- 4PA-090 カンジダ菌体抽出物 (CADS) 誘導の血管炎モデルマウスにおける血管炎と MPO-ANCA の相関 - MPO ノックアウトマウスを用いた解析 -  
 大川原 明子<sup>1</sup>, 大原関 利章<sup>1,2</sup>, 高橋 啓<sup>2</sup>, 橋本 ゆき<sup>1</sup>, 荒谷 康昭<sup>1,3</sup>, 直江 史郎<sup>2</sup>, 代田 和恵<sup>1</sup>, 鈴木 和男<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 国立感染研・生物活性, <sup>2</sup> 東邦大・医・大橋病院・病理, <sup>3</sup> 横浜市立大・木原生物研・生物工学 )
- 4PA-091 IRF-8/ICSBP ノックアウトマウスにおける好中球及び MPO-ANCA 産生に関する解析  
 松岡 俊行<sup>1,2</sup>, 橋本 ゆき<sup>1</sup>, 大川原 明子<sup>1</sup>, Keiko Ozato<sup>3</sup>, 新井 孝夫<sup>2</sup>, 鈴木 和男<sup>1,2</sup> ( <sup>1</sup> 国立感染研・生物活性, <sup>2</sup> 東京理科大・理工・応生, <sup>3</sup> NICHD-NIH, Laboratory of Molecular Growth Regulation )
- 4PA-092 移植モデルにおける DNA マイクロアレイを用いた急性拒絶反応時の網羅的遺伝子解析  
 齋浦 明夫, 又木 千景, 和田 洋一郎, 浜窪 隆雄, 児玉 龍彦 ( 東大・先端研・分子生物医 )
- 4PA-093 慢性関節リウマチ患者滑膜における Id 遺伝子の発現  
 櫻井 大祐<sup>1</sup>, 山口 晃弘<sup>2</sup>, 土屋 尚之<sup>1</sup>, 山本 一彦<sup>2</sup>, 徳永 勝士<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 東大・院医・人類遺伝, <sup>2</sup> 東大・院医・アレ・リウ内科 )
- 4PA-094 1 型糖尿病発症における不活性化プロテアソームの関与  
 林 琢磨 ( ハーバード大・医 )
- 4PA-095 自然免疫における脂肪酸の関与  
 矢島 正士<sup>1</sup>, 高田 正俊<sup>1</sup>, 菊地 晴久<sup>1</sup>, 名取 俊二<sup>2</sup>, 大島 吉輝<sup>1</sup>, 倉田 祥一朗<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 東北大・院・薬, <sup>2</sup> 理研・名取特研 )
- 4PA-096 アデノウイルスベクターを利用した T 細胞への新しい遺伝子導入法の確立  
 山下 政克<sup>1</sup>, 中山 俊憲<sup>2</sup>, 谷口 克<sup>2</sup> ( <sup>1</sup> 千葉大・医・分子免疫, <sup>2</sup> 千葉大・院・免疫発生 )

- 4PA-097 サイトカインによるヒト培養細胞 LS174T におけるムシシンの産生の亢進  
岩下 淳, 阿部 達也 ( 秋田県立大・生物資源・応用生物・分子生物 )
- 4PA-098 カイコガ免疫処理血球に発現する遺伝子の解析  
中村 耕三, 佐藤 令一 ( 農工大, BASE )
- 4PA-099 ショウジョウバエ・ヘモレクチン遺伝子の解析  
後藤 彰<sup>1</sup>, 熊谷 剛<sup>1</sup>, 廣瀬 潤子<sup>2</sup>, 成田 宏史<sup>2</sup>, 北川 泰雄<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 名大・院生命農・生物情報制御, <sup>2</sup> 京女大・家政 )
- 4PA-100 原始的有顎脊椎動物における MHC 遺伝子の構造解析  
岡村 和彦, 橋本 敬一郎 ( 藤田保衛大・総医研 )
- .....( 6f 高次生命現象 , がん ).....
- 4PA-101 遺伝子発現プロファイルのパスウェイ投射による癌モデリング解析  
村木 倫子<sup>1,2</sup>, 北野 宏明<sup>1,3</sup> ( <sup>1</sup> 科技団・ERATO・北野共生システムプロジェクト, <sup>2</sup> 東京医歯大・難治研, <sup>3</sup> ソニーコンピュータサイエンス研 )
- 4PA-102 SAGE によるヒト大腸多段階発癌における遺伝子発現の変動の解析  
坂本 佳子<sup>1</sup>, 八尾 良司<sup>1</sup>, 河口 徳一<sup>2</sup>, 北川 知行<sup>2</sup>, 野田 哲生<sup>1,3</sup> ( <sup>1</sup> 癌研・研・細胞生物, <sup>2</sup> 癌研・研・病理, <sup>3</sup> 東北大・医・分子遺伝 )
- 4PA-103 GeneChip 解析法を用いた PhIP 大腸発がん感受性遺伝子のプロファイリング  
祖母井 庸之<sup>1</sup>, 市川 仁<sup>2</sup>, 落合 雅子<sup>1</sup>, 下川 卓志<sup>1</sup>, 大木 操<sup>2</sup>, 杉村 隆<sup>1</sup>, 中釜 育<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 国立がんセ・研・生化, <sup>2</sup> 腫瘍ゲノム解析 )
- 4PA-104 cDNA チップによる低分化型胃癌で特異的に発現する遺伝子の探索  
上田 哲也<sup>1,2</sup>, 青柳 一彦<sup>1</sup>, 西垣 美智子<sup>1</sup>, 田邊 智佳子<sup>1</sup>, 吉田 輝彦<sup>1</sup>, 真船 健一<sup>2</sup>, 上西 紀夫<sup>2</sup>, 佐々木 博己<sup>1</sup>, 寺田 雅昭<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 国立がんセ・研・分子腫瘍, <sup>2</sup> 東大・医・消化管外科 )
- 4PA-105 An analysis of gene expression profile in the pylorus of gastric cancer susceptible and resistant strain rats  
Satoshi Yamashita, Takashi Sugimura, Toshikazu Ushijima ( Carcinogenesis Div., National Cancer Center Res. Inst. )
- 4PA-106 Dissecting the cellular effect of antitumorsulfonamides using gene expression profiles.  
横井 晃<sup>1</sup>, 黒光 淳郎<sup>1</sup>, 大和 隆志<sup>1</sup>, 河合 隆利<sup>1</sup>, 杉 直子<sup>2</sup>, 吉松 賢太郎<sup>2</sup>, 長洲 毅志<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> エーザイ・シーズ 研究所, <sup>2</sup> エーザイ・創薬第二研究所 )
- 4PA-107 前立腺特異的に発現する新規遺伝子 hJAL のクローニング  
藤田 喜一郎<sup>1,2</sup>, 畠山 慎二<sup>1</sup>, 北村 唯一<sup>2</sup>, 石川 冬木<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 東京工大・院生命理工, <sup>2</sup> 東大・院医 )
- 4PA-108 p51 蛋白質の機能解析  
朝川 真也子, 瀬川 薫 ( 慶應大・医・微生物 )
- 4PA-109 p53 遺伝子をもたない細胞のシスプラチン耐性獲得機序  
伊勢 知子, 永谷 群司, 今村 寿宏, 和泉 弘人, 河野 公俊 ( 産業医大・医・分子生物 )
- 4PA-110 Detection of reciprocal fusion 5'-BCL6/partner-3' transcripts in lymphomas exhibiting reciprocal BCL6 translocations  
Naoko Ishiguro<sup>1</sup>, Yoshitaka Kaneita<sup>2</sup>, Shoko Yoshida<sup>3</sup>, Shigeo Mori<sup>4</sup>, Masatsugu Moriyama<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> Tottori Univ., Fac. Med., School Life Sci., Dept. Mol. Biol., <sup>2</sup> Nihon Univ., Fac. Med., First Dept. Int. Med., <sup>3</sup> Nippon med. School, Dept. Mol. Biol., <sup>4</sup> Univ. Tokyo, Inst. Med. Sci., Dept. Pathol. )
- 4PA-111 新規遺伝子 Niban のヒトホモログのクローニング  
今 重之<sup>1,2</sup>, 真嶋 州一<sup>2</sup>, 樋野 興夫<sup>2</sup> ( <sup>1</sup> (株)免疫生物研, <sup>2</sup> 癌研・研・実験病理 )
- 4PA-112 E2FBP1/DRIL1 is a putative p53 responsive gene and related to p53-mediated cell growth arrest  
Kaiwen Ma<sup>1</sup>, Keigo Alaki<sup>1</sup>, Mimi Tamamori-Adachi<sup>2</sup>, Solachvddin Ichwan<sup>1</sup>, Masa-aki Ikeda<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> Tokyo Med. & Dent. Univ., Sec. Mol. Embryol., <sup>2</sup> Tokyo Med. & Dent. Univ., Med. Res. Inst. )

- 4PA-113 DNA methylation status of *MGMT* and *hMLH1* promoter region  
S. Matsukura<sup>1</sup>, H. Soejima<sup>1</sup>, T. Nakagawachi<sup>1</sup>, H. Yakushiji<sup>2</sup>, A. Ogawa<sup>3</sup>, K. Miyazaki<sup>2</sup>, Y. Nakabeppu<sup>4,5</sup>, M. Sekiguchi<sup>6</sup>, T. Mukai<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>Dept Biochem, Saga Med Sch, <sup>2</sup>Dept Surg, Saga Med Sch, <sup>3</sup>Dept Pathol, Saga Med Sch, <sup>4</sup>Dept Biochem, Med Inst Bioreg, Kyushu Univ, <sup>5</sup>CREST, JST, <sup>6</sup>Lab Biol, Fukuoka Dent Coll )
- 4PA-114 癌化による Hippostasin/TLSP の発現パターンの変化  
中村 晃和<sup>1</sup>, 三井 真一<sup>2</sup>, 奥井 文<sup>3</sup>, 小南 勝也<sup>3</sup>, 三木 恒治<sup>1</sup>, 山口 希<sup>2</sup> ( <sup>1</sup>京府医大・泌, <sup>2</sup>京府医大・老化研・細生, <sup>3</sup>扶桑薬品・開研センター )
- 4PA-115 11q13 領域からのがん遺伝子およびがん抑制遺伝子候補の分離・同定  
西垣 美智子, 佐々木 博己, 成清 道博, 金 達浩, 坪佐 恭宏, 青柳 一彦, 坂本 裕美, 吉田 輝彦, 寺田 雅昭 ( 国立がん研・分子腫瘍 )
- 4PA-116 22q12.1 にマップされる *SEZ6L* 遺伝子の肺がんにおけるホモ欠失と変異  
西岡 真輔<sup>1,3</sup>, 河野 隆志<sup>1</sup>, 高橋 身奈<sup>1</sup>, 仁木 利郎<sup>2</sup>, 山田 哲司<sup>2</sup>, 曾根 三郎<sup>3</sup>, 横田 淳<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>国立がんセ・研・生物, <sup>2</sup>同・研・病理, <sup>3</sup>徳島大・医・三内 )
- 4PA-117 遺伝子増幅、欠失および転座の起点となる組み換えホットスポットの同定  
佐々木 博己, 金 達浩, 成清 道博, 坪佐 恭宏, 桑原 勝孝, 上田 哲也, 坂本 裕美, 吉田 輝彦, 寺田 雅昭 ( 国立がんセ・研・分子腫瘍 )
- 4PA-118 HTLV-1 が組込まれた細胞株 MT-2 特異的に発現する遺伝子の検索  
芝田 英生, 宇高 徹, 溝口 出, 菊川 浩子, 三輪 正直 ( 筑波大・基礎医・生化 )
- 4PA-119 SAPIFN- TGmouse および SV40 T-antigen TG mouse における YB-2(dbpA)の発現について  
梅田 知幸, 林 順平, 梶野 一徳, 樋野 興夫 ( 癌研・実験病理 )
- 4PA-120 誘導可能な活性型 H-ras トランスジェニックマウスによる Ras の機能解析  
山田 篤<sup>1</sup>, 中尾 和貴<sup>1</sup>, 堀江 重郎<sup>1</sup>, 武藤 智<sup>1</sup>, 饗場 篤<sup>1</sup>, 勝木 元也<sup>1,2</sup> ( <sup>1</sup>東大・医科研・ヒト疾患セ, <sup>2</sup>CREST )
- 4PA-121 Expression of Transforming Growth Factor 1 and Transforming Type I and Type II Receptor mRNAs in Adrenocortical Tissues and Cell Lines.  
Natsuko Yamamoto, Minako Manome, Hana Matoba, Yukitaka Miyachi ( First Dept. of Int. Med, Toho Univ. School of Medicine )
- 4PA-122 胎盤形成と癌細胞株を利用した転移関連遺伝子のスクリーニング  
片岡 健, 高田 義美, 中島 昭憲, 許 南浩 ( 富山医薬大・医・生化 )
- 4PA-123 胎盤形成と癌細胞株を利用した転移関連遺伝子の検索とその解析: Protein kinase domain をもつ新規遺伝子 6F5  
中島 昭憲, 片岡 健, 高田 義美, 許 南浩 ( 富山医薬大・医・2 生化 )
- 4PA-124 Real-time PCR 法を用いた癌転移に伴う遺伝子発現の解析  
今井 順一<sup>1</sup>, 渡邊 学<sup>2</sup>, 菅野 純夫<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>東大・医科研・ヒトゲノム解析センター, <sup>2</sup>宮崎大・農・家畜病理 )
- 4PA-125 一酸化窒素によるマトリックスメタロプロテアーゼの発現誘導  
石井 良征<sup>1</sup>, 小倉 勤<sup>1</sup>, 大塚 藤男<sup>2</sup>, 江角 浩安<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>国立がんセ・研・支所・がん治, <sup>2</sup>筑波大・医・皮 )
- 4PA-126 遊離型 CD14 トランスジェニックマウスにおけるマウスメラノーマ細胞 B16-F10 転移の亢進  
泥谷 直樹, 樋口 安典, 山本 俊輔 ( 大分医大・医・2 病理 )
- 4PA-127 膀胱癌におけるゲルソリンの発現低下とヒストン脱アセチル化  
芳賀 一徳<sup>1,2</sup>, 藤田 寿一<sup>1</sup>, 佐澤 陽<sup>1,2</sup>, 原林 透<sup>2</sup>, 篠原 信雄<sup>2</sup>, 瀧本 将人<sup>1</sup>, 小柳 知彦<sup>2</sup>, 葛巻 暎<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>北大・遺制研・癌遺伝子制御, <sup>2</sup>北大・医・泌 )

.....( 6h 高次生命現象, その他 ).....

- 4PA-128 シロイヌナズナ *SGR2* の内皮細胞層での発現がシュートの重力屈性反応に必要なである  
加藤 壮英<sup>1</sup>, 長房 清志<sup>2</sup>, 上田 貴志<sup>3</sup>, 中野 明彦<sup>3</sup>, 田坂 昌生<sup>2</sup> ( <sup>1</sup>京大・院理・植物, <sup>2</sup>奈良先端大・バイオ, <sup>3</sup>理研・生体膜 )



- 4PA-129 シロイヌナズナの重力屈性反応に関わる ZIG(SGR4)は v-SNARE をコードする  
森田(寺尾) 美代<sup>1</sup>, 新濱 充<sup>1</sup>, 上原 路子<sup>2</sup>, 齊藤 智恵子<sup>3</sup>, 中野 明彦<sup>3</sup>, 田坂 昌生<sup>1</sup> (<sup>1</sup> 奈良先端,<sup>2</sup> 京大・院,<sup>3</sup> 理研)
- 4PA-130 オステオポンチン遺伝子プロモーター上グルコース反応領域の同定と機能解析  
浅海 直, 森 聖二郎, 竹本 稔, 横手 幸太郎, 齊藤 康 (千葉大・医・第二内科)
- 4PA-131 Analyses of the ADAMTS-1 homologous gene in *C. elegans*.  
久野 耕嗣<sup>1</sup>, 馬場 智恵<sup>2</sup>, 松島 千恵子<sup>3</sup>, 松島 綱治<sup>3</sup>, 細野 隆次<sup>2</sup> (<sup>1</sup> 金沢大・がん研・分子薬理,<sup>2</sup> 金沢大・医・生体情報,<sup>3</sup> 東京大・医・衛生)
- 4PA-132 カルピンディン D9k 遺伝子発現のフラクトオリゴ糖による調節機構  
福島 亜紀子<sup>1</sup>, 太田 篤胤<sup>2</sup>, 酒井 健介<sup>2</sup>, 高崎 みさお<sup>2</sup>, 佐久間 慶子<sup>1</sup> (<sup>1</sup> 女子栄養大・分子栄養,<sup>2</sup> 明治製菓・生物科学研)
- 4PA-133 メロン品種'アイソフィ'追熟果実における Cm-ERS1 および Cm-ETR1 遺伝子の発現解析  
古川 一 (大阪府大・農)
- 4PA-134 Activation of *hsp-16* mRNA and HSF/HSE binding in *C.elegans* exposed by extremely low frequency magnetic field  
原田 真市<sup>2</sup>, 宮川 倫一<sup>1</sup>, 石森 隆行<sup>1</sup>, 山本 博<sup>3</sup>, 山田 外史<sup>1</sup>, 細野 隆次<sup>4</sup> (<sup>1</sup> 金沢大・工・電磁場,<sup>2</sup> 医・機器セン,<sup>3</sup> 二生化,<sup>4</sup> 生体情報)
- 4PA-135 Significant association of the tumor necrosis factor-alpha (TNF- ) and its receptor 2 (TNFR2) genes with human narcolepsy  
Hirohiko Hohjoh<sup>1</sup>, Natsuko Terada<sup>1</sup>, Minae Kawashima<sup>1</sup>, Yutaka Honda<sup>2</sup>, Katsushi Tokunaga<sup>1</sup> (<sup>1</sup> Univ. of Tokyo, Dept. of Hum Genet, <sup>2</sup> Seiwa hospital)
- 4PA-136 マウス H19 および Igf2 のインプリント制御領域内に存在する低メチル化状態を維持するシスエレメント  
堀 直裕<sup>1</sup>, 中野 博<sup>1</sup>, 加藤 博之<sup>1</sup>, 押村 光雄<sup>2</sup>, 佐藤 建三<sup>1</sup> (<sup>1</sup> 鳥取大・医・分子生物,<sup>2</sup> 鳥取大・医・細胞工芸学)
- 4PA-137 ショウジョウバエの糖受容体遺伝子の分子生物学的解析  
石元 広志, 松本 顕, 谷村 禎一 (九大・院理・生物)
- 4PA-138 Isolation and characterization of zebrafish cry genes  
Yuri Kobayashi<sup>1</sup>, Tomoko Ishikawa<sup>1</sup>, Jun Hirayama<sup>1</sup>, Hiromi Daiyasu<sup>2</sup>, Satoru Kanai<sup>2</sup>, Hiroyuki Toh<sup>2</sup>, Itsuki Fukuda<sup>1</sup>, Shigenori Iwai<sup>2</sup>, Takeshi Todo<sup>1</sup> (<sup>1</sup> Kyoto Univ., Radiation Biology Center, <sup>2</sup> Biomolecular Engineering Reserch Institute)
- 4PA-139 DNA chip を用いたインプリンティング遺伝子の体系的スクリーニング  
小林 慎<sup>1,2</sup>, 小野 竜一<sup>2</sup>, 我妻 広貴<sup>1,2</sup>, 市川 仁<sup>3</sup>, 小倉 淳郎<sup>4</sup>, 幸田 尚<sup>1,2</sup>, 大木 操<sup>3</sup>, 石野(金児) 知子<sup>5</sup>, 石野 史敏<sup>1,2</sup> (<sup>1</sup> 科技団・CREST,<sup>2</sup> 東京工大・遺伝子,<sup>3</sup> 国立がんセ・研・放研,<sup>4</sup> 国立感染研,<sup>5</sup> 東海大・健康科学部)
- 4PA-140 マウス消化管組織におけるエンドセリンファミリー (ET-1 および VIC/ET-2) の遺伝子発現に及ぼす絶食の影響  
小酒井 貴晴<sup>1</sup>, 坂手 光恵<sup>2</sup>, 増尾 好則<sup>2</sup>, 小松 泰彦<sup>2</sup>, 打出 毅<sup>3</sup>, 斎田 要<sup>1,2</sup> (<sup>1</sup> 工技院・生命研・生体情報部,<sup>2</sup> 工技院・生命研・特許微生物寄託センター,<sup>3</sup> 北里大・獣医・毒性)
- 4PA-141 IL-1 レセプターアンタゴニスト遺伝子欠損マウスに見られる脂質代謝異常  
松木 大造, 宝来 玲子, 須藤 カツ子, 岩倉 洋一郎 (東大・医科研・ヒト疾患・細胞機能)
- 4PA-142 サイトカインによる破骨細胞分化における p38MAPK 経路の相関と破骨細胞マーカー遺伝子を発現誘導する転写因子の検索  
松本 征仁<sup>1</sup>, 須藤 龍彦<sup>2</sup>, 丸山 真澄<sup>2</sup>, 長田 裕之<sup>2</sup>, 辻本 雅文<sup>1</sup> (<sup>1</sup> 理研・細胞生化学,<sup>2</sup> 同・抗生物質)
- 4PA-143 Identification of ELF1-responsive novel genes in *C.elegans* using differential display  
宮川 倫一<sup>1</sup>, 原田 真市<sup>2</sup>, 山田 外史<sup>1</sup>, 細野 隆次<sup>3</sup> (<sup>1</sup> 金沢大・工・電磁場,<sup>2</sup> 医・機器セン,<sup>3</sup> 生体情報)
- 4PA-144 単離膵内分泌細胞と単離膵島における内分泌機能の評価と比較検討  
長田 奈津紀, 顔 元駿, 堀 洋, A.N. Balamurugan, 藤間 真紀, 井上 一知 (京大・再生研・器官形成)

- 4PA-145 A novel blue light receptor, NPL1, in Arabidopsis.  
Tatsuya Sakai<sup>1</sup>, Takatoshi Kagawa<sup>2</sup>, Kasahara Masahiro<sup>3</sup>, Trevor Swartz<sup>3</sup>, John Christies<sup>3</sup>, Winslow Briggs<sup>3</sup>, Masamitsu Wada<sup>2</sup>, Kiyotaka Okada<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>Kyoto Univ., <sup>2</sup>Natio. Inst. Basic Biol., <sup>3</sup>Carnegie Inst. Washington )
- 4PA-146 トマトミトコンドリア型および小胞体型 sHSP 遺伝子の生殖器官における発現様式  
三宮 一幸<sup>1</sup>, 鈴木 克己<sup>1</sup>, Ishwar Singh<sup>1</sup>, Hong-Yan Wang<sup>2</sup>, Jian Liu<sup>2</sup>, 庄野 真理子<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>国際農林水産業研究センター沖縄支所, <sup>2</sup>Shandong Teacher Univ., China )
- 4PA-147 糖尿病モデル動物の膵臓における REGI タンパク質の発現解析  
佐貫 伸一, 酒井 明 ( 三菱化学生命研 )
- 4PA-148 Glucocorticoids による膵 細胞における HES-1 及び BETA2/NeuroD, PDX1 の発現の変化と、insulin 生合成の抑制  
篠塚 より子<sup>1</sup>, 岡田 雅之<sup>2</sup>, 水井 佳治<sup>2</sup>, 隠岐 徹<sup>2</sup>, 相根 康司<sup>2</sup>, 田中 勲<sup>2</sup>, 片山 幸一<sup>2</sup>, 室伏 きみ子<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>お茶の水女子大・院・細胞生化学, <sup>2</sup>エーザイ筑波研 )
- 4PA-149 Functional Analysis of Oxytocin/Oxytocin-Receptor  
高柳 友紀<sup>1</sup>, 持田 菜穂子<sup>1</sup>, 山口 高弘<sup>2</sup>, 杉本 幸彦<sup>3</sup>, 三輪 岳志<sup>4</sup>, 西森 克彦<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>東北大・院農・分子生物, <sup>2</sup>東北大・院農・機能形態, <sup>3</sup>京大・院薬・生体情報制御, <sup>4</sup>阪大・遺伝情報実験施設 )
- 4PA-150 ARNT の胸腺細胞特異的ノックアウトマウスの解析  
富田 修平<sup>1</sup>, 姜 厚波<sup>1</sup>, 上野 智雄<sup>2</sup>, 菅原 剛彦<sup>2</sup>, 竹田 潤二<sup>3</sup>, F. Gonzalez<sup>4</sup>, 高浜 洋介<sup>2</sup>, 古川 愛造<sup>1</sup>, 宮武 明<sup>5</sup>, 市川 佳幸<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>香川医大・生化, <sup>2</sup>徳島大・ゲノム解セ, <sup>3</sup>阪大・院医, <sup>4</sup>NCI/NIH, <sup>5</sup>香川医大・機器セ )
- .....( 8a 生命情報科学・理論 , 分子進化 ) .....
- 4PA-151 遺伝子発現プロフィールから生物の進化が見えるか? -プラナリアに注目した多細胞動物の発生進化的研究-  
峯田 克彦<sup>1,2</sup>, 中澤 真澄<sup>1</sup>, 池尾 一穂<sup>1,2</sup>, 阿形 清和<sup>3</sup>, 五條堀 孝<sup>1,2</sup> ( <sup>1</sup>遺伝研・生命情報研究セ, <sup>2</sup>総研大・遺伝学, <sup>3</sup>岡山大・理 )
- 4PA-152 プラナリア cDNA チップを使った頭部特異的遺伝子の探索  
中澤 真澄<sup>1</sup>, 峯田 克彦<sup>1</sup>, 池尾 一穂<sup>1</sup>, 阿形 清和<sup>2</sup>, 五條堀 孝<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>国立遺伝研・生命情報センター, <sup>2</sup>岡山大・理 )
- 4PA-153 三次元データベースと遺伝子発現プロファイルによる遺伝子ネットワーク解明の比較進化的試み  
池尾 一穂<sup>1</sup>, 峯田 克彦<sup>1</sup>, 中澤 真澄<sup>1</sup>, 坂本 浩一<sup>2</sup>, 柴崎 隆男<sup>3</sup>, 岡山 利次<sup>2</sup>, 下田 正文<sup>2</sup>, 阿形 清和<sup>4</sup>, 田中 讓<sup>5</sup>, 五條堀 隆<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>遺伝研・生命情報, <sup>2</sup>日立ソフトウェア, <sup>3</sup>オリンパス光学, <sup>4</sup>岡山大・理, <sup>5</sup>北大・工 )
- 4PA-154 Estimation of Phylogenetic relationships of Species in the Genus *Saccharomyces* by Nucleotide Sequences of Mitochondrial *cox2* and *cox3* Genes  
Takuma Gamo<sup>1,2</sup>, Jun Shima<sup>1</sup>, Shinichi Kawamoto<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>Natl. Food. Res. Inst., Dept. Appl. Microbiol., <sup>2</sup>Support Researcher )
- 4PA-155 真核生物の核の起源 ; 古細菌の真正細菌への共生  
堀池 徳祐<sup>1</sup>, 濱田 一男<sup>1</sup>, 金谷 重彦<sup>2</sup>, 篠沢 隆雄<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>群馬大・工・生物化学工学, <sup>2</sup>山形大・工・電子情報工学 )
- 4PA-156 ショウジョウバエゲノムにみられる大規模な重複領域の分子進化  
今西 規, 山口 香織, 五條堀 孝 ( 遺伝研・生命情報研究センター )
- 4PA-157 動物の初期進化におけるカスパーゼ遺伝子の多様化  
岩部 直之, 宮田 隆 ( 京大・院理 )
- 4PA-158 マウスヘモグロビン 鎖 d,p,w1 ハプロタイプ遺伝子の塩基配列  
小東 千紗<sup>1</sup>, 能登原 正明<sup>1</sup>, 上田 佳宏<sup>1</sup>, 杉山 慎悟<sup>1</sup>, 山口 泰典<sup>1</sup>, 宮下 信泉<sup>2</sup>, 森脇 和朗<sup>3</sup> ( <sup>1</sup>福山大・工・生物工, <sup>2</sup>香川医大, <sup>3</sup>総研大 )
- 4PA-159 プロテインチロシンホスファターゼ遺伝子族の分子進化  
小柳 (小野) 香奈子, 宮田 隆 ( 京大・院理・生物物理 )

- 4PA-160 核内レセプター遺伝子族の分子進化：原始的多細胞動物からのステロイドホルモンレセプターホモログの単離およびサブタイプの多様化時期  
工楽 樹洋<sup>1</sup>, 丸山 好彦<sup>2</sup>, 加藤 和貴<sup>1</sup>, 宮田 隆<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>京大・院理・生物物理, <sup>2</sup>島根大・生物資源科学 )
- 4PA-161 肺魚とシーラカンスではどちらが四足動物に近縁か：ミエリン DM20 のアミノ酸配列を用いた解析  
栗原 正<sup>1</sup>, 遠山 陽子<sup>1</sup>, 一宮 智美<sup>1</sup>, 曹 纓<sup>2</sup>, 小嶋 久子<sup>3</sup>, 吉田 弘美<sup>1</sup>, 長谷川 政美<sup>2</sup>, 玉井 洋一<sup>3</sup> ( <sup>1</sup>創価大・生命研, <sup>2</sup>統計数理研, <sup>3</sup>北里大・医・生化 )
- 4PA-162 細菌・古細菌におけるアミノアジピン酸経由リシン生合成の分子進化的解析  
西田 洋巳<sup>1</sup>, 小倉 淳<sup>1,2</sup>, 横田 明<sup>1</sup>, 伊藤 隆<sup>3</sup> ( <sup>1</sup>東大・分生研, <sup>2</sup>現・総研大・遺伝学, <sup>3</sup>理研・系統保存 )
- 4PA-163 SINE のゲノム中への挿入時期を指標とした有袋類内部の系統解析  
西原 秀典, 岡田 典弘 ( 東京工大・生命理工 )
- 4PA-164 ショウジョウバエ嗅覚レセプター遺伝子の分子進化的研究  
野田 彰子<sup>1</sup>, 金子 聡子<sup>1</sup>, 石和 貞男<sup>2</sup>, 近藤 るみ<sup>2</sup> ( <sup>1</sup>お茶大・院人間文化, <sup>2</sup>お茶大・理・生物 )
- 4PA-165 ABO 式血液型遺伝子を中心とした類人猿の分子進化的研究  
野田 令子<sup>1</sup>, 竹中 修<sup>2</sup>, 北野 誉<sup>1</sup>, 斎藤 成也<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>国立遺伝研・進化遺伝研究部, <sup>2</sup>京大・霊長類研 )
- 4PA-166 生活史が多様化した日本のアメリカシロヒトリの COI 遺伝子塩基配列の比較  
尾崎 克久 ( 弘前大・農生・生環 )
- 4PA-167 マイクロサテライト多型解析に基づく実験用マウス系統の起源の探索  
三浦 郁生<sup>1</sup>, 吉川 欣亮<sup>1</sup>, 高浜 純代<sup>1</sup>, 坂井 隆浩<sup>1,2</sup>, 山崎 由紀子<sup>3</sup>, 城石 俊彦<sup>4</sup>, 米川 博通<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>都臨床研・実験動物, <sup>2</sup>東農大・農, <sup>3</sup>遺伝研・系統情報, <sup>4</sup>遺伝研・哺乳 )
- 4PA-168 細菌から鱗翅目昆虫へ遺伝子が水平移動した？  
嶋田 透<sup>1</sup>, 浜田 晃太郎<sup>1,4</sup>, 鈴木 雅京<sup>1</sup>, 菅崎 俊幸<sup>1,5</sup>, 大室 奈緒子<sup>1</sup>, 岡野 和広<sup>2</sup>, 三田 和英<sup>3</sup> ( <sup>1</sup>東大・農, <sup>2</sup>理研, <sup>3</sup>放医研, <sup>4</sup>現・アサヒビール, <sup>5</sup>現・北本高校 )
- 4PA-169 立襟鞭毛虫のチロシンキナーゼの分子進化  
菅 裕, 西頼 広美, 近藤 準一, 加藤 和貴, 宮田 隆 ( 京大・院理・生物物理 )
- 4PA-170 欧米で流行しているウマインフルエンザウイルスの抗原決定基と血清レベルでの抗原性の差異の解析  
杉田 繁夫<sup>1</sup>, ペコラロ マルセロ<sup>2</sup>, 杉浦 健夫<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>JRA 総研, <sup>2</sup>ラブラタ大 )
- 4PA-171 vsx 遺伝子の分子進化的研究  
内山 佳子, 池尾 一穂, 五條堀 孝 ( 遺伝研・生命情報研究セ )
- 4PA-172 中国長江流域の炭化米 DNA 分析  
矢野 梓<sup>1</sup>, 佐藤 洋一郎<sup>2</sup>, 安田 喜憲<sup>3</sup> ( <sup>1</sup>日文研・埋蔵 DNA, <sup>2</sup>静岡大・農, <sup>3</sup>日文研 )
- 4PA-173 Amerind と Na-Dene は同一 JC ウイルスゲノム型(MY)を保有する  
余郷 嘉明<sup>1</sup>, 杉本 智恵<sup>1</sup>, 鄭 懷穎<sup>2</sup>, 北村 唯一<sup>2</sup>, 郭 鏡<sup>3</sup> ( <sup>1</sup>東大・医科研・ウイルス感染, <sup>2</sup>東大・医・泌尿器科, <sup>3</sup>アルバータ大・医 )

..... ( 8b 生命情報科学・理論 , その他 ) .....

- 4PA-174 E-CELL System を用いた遺伝子発現系汎用モデルの構築  
橋本 健太<sup>1,2</sup>, 妹尾 紗恵<sup>1,3</sup>, 富田 勝<sup>1,3</sup> ( <sup>1</sup>慶應大・生命情報研, <sup>2</sup>政策・メディア, <sup>3</sup>環境情報 )
- 4PA-175 G6PD 欠損症における酸化ストレスが及ぼす影響のシミュレーション解析  
木下 綾子<sup>1,2</sup>, 中山 洋一<sup>1,2</sup>, 富田 勝<sup>1,2</sup> ( <sup>1</sup>慶應大・生命情報研, <sup>2</sup>同・環境情報 )
- 4PA-176 確率論的表現による概日リズムのモデルを用いた経路予測  
三由 文彦<sup>1,2</sup>, 中山 洋一<sup>1,3</sup>, 富田 勝<sup>1,3</sup> ( <sup>1</sup>慶應大・生命情報研, <sup>2</sup>同・政策メディア, <sup>3</sup>同・環境情報 )
- 4PA-177 赤血球細胞シミュレーションにおける体積の変化の代謝全体への影響  
中山 洋一<sup>1,2</sup>, 喜田 光洋<sup>1,2</sup>, 富田 勝<sup>1,2</sup> ( <sup>1</sup>慶應大・生命情報研, <sup>2</sup>同・環境情報 )
- 4PA-178 概日時計の理論的研究  
黒沢 元, 望月 敦史, 巖佐 庸 ( 九大・理・生物 )

- 4PA-179 What is the optimal response: a mathematical study for acquired immunity to antigen  
首藤 絵美, 巖佐 庸 (九大・理・生物)
- 4PA-180 野生型と単一遺伝子破壊型の発現データからの遺伝子ネットワーク推定手法  
京田 耕司<sup>1,2</sup>, 諸橋 峰雄<sup>1,3</sup>, 大浪 修一<sup>1,4</sup>, 北野 宏明<sup>1,4,5</sup> ( <sup>1</sup>ERATO 北野プロジェクト, <sup>2</sup>慶應大・院基礎理,  
<sup>3</sup>東京医歯大, <sup>4</sup>Caltech・CDS, <sup>5</sup>ソニー CSL )
- 4PA-181 分岐解析を利用した生化学モデルのパラメータ空間構造分析  
諸橋 峰雄<sup>1,2</sup>, Mark Borisuk<sup>1,3</sup>, Amanda Winn<sup>1,4</sup>, Hamid Bolouri<sup>1,3,4</sup>, 北野 宏明<sup>1,5</sup> ( <sup>1</sup> 科技団・ERATO 北野プロ  
ジェクト, <sup>2</sup> 東京医歯大・難治研, <sup>3</sup> カリフォルニア工大, <sup>4</sup> ハートフォードシャー大, <sup>5</sup> ソニー CSL )
- 4PA-182 オブジェクト指向技術を用いたイネの総合データベース(Oryzabase)の構築  
三ツ井 和<sup>1</sup>, 吉村 淳<sup>2</sup>, 長戸 康郎<sup>3</sup>, 倉田 のり<sup>1</sup>, 山崎 由紀子<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 国立遺伝研, <sup>2</sup> 九大, <sup>3</sup> 東大 )
- 4PA-183 ALIS Human Organized Whole genome Database ( HOWDY )  
Mika Hirakawa, Katsuji Matsumura, Sanae Sato, Hiroko Yamaguchi, Kazuo Takehana, Masako Kuroda  
( Bioinfo. div., Adv. DB Dept., JST )
- 4PA-184 主成分分析と分散分析を利用した cDNA マイクロアレイ・データの解析法  
土門 英司, 斎藤 彰 ( 九農試・作開・育種工学 )
- 4PA-185 Development of the two-phase partition method for simulating a biological system  
Hiroyuki Kurata<sup>1</sup>, Kazunari Taira<sup>1,2</sup> ( <sup>1</sup>Univ. Tokyo, Fac. Eng., Dept. Chem. & Biotech., <sup>2</sup>MITI, AIST )
- 4PA-186 ハードウェア遺伝子ネットワークシミュレーションシステム  
邊見 均, 真栄城 哲也, 下原 勝憲 ( ATR ISD )
- 4PA-187 遺伝の信頼性を、DNA レベルにおける量子論で考察する。(メンデル・モルガン遺伝学からシュレディンガー  
遺伝学へ)  
尾崎 照遵, 岡本 信明 ( 東京水産大・生物生産 )
- 4PA-188 蛋白質立体構造・生理機能予測支援データベースの開発  
山崎 寛之<sup>1</sup>, 三浦 順一郎<sup>2</sup>, 佐藤 公宣<sup>1</sup>, 金井 理<sup>1</sup>, 松尾 洋<sup>1</sup>, 古谷 利夫<sup>1</sup> ( <sup>1</sup> 株式会社ファルマデザイン,  
<sup>2</sup> 株式会社ダイナコム )
- ..... ( 9a その他 ) .....
- 4PA-189 Analyses of expression patterns and physiological functions of *C. elegans* insulin/IGF-like peptides  
Tsuayoshi Kawano<sup>1</sup>, Youhei Ito<sup>1</sup>, Yuka Kobayashi<sup>1</sup>, Masaji Ishiguro<sup>2</sup>, Kyoko Takuwa<sup>2</sup>, Terumi Nakajima<sup>2</sup>, Yasuo  
Kimura<sup>1</sup> ( <sup>1</sup>Dept. of Biol. Envir. Chem., Tottori Univ., <sup>2</sup>Suntory Inst. for Bioorganic Res. )
- 4PA-190 原子間力顕微鏡を用いた MutS の結合による 1 塩基変異検出の特異性の検討  
町田 雅之<sup>1</sup>, 國廣 澄子<sup>1</sup>, 山本 みどり<sup>1</sup>, 谷川 雅人<sup>2</sup>, 萩原 央子<sup>1</sup>, 阿部 由紀子<sup>1</sup>, 後藤 雅式<sup>3</sup> ( <sup>1</sup> 工技院・生  
命研, <sup>2</sup> 大分医大, <sup>3</sup> アマシャム ファルマシア バイオテク )
- 4PA-191 アブラムシ菌細胞内共生系における特殊なポリアミン組成  
中鉢 淳<sup>1,2</sup>, 工藤 俊章<sup>1</sup>, 石川 統<sup>2</sup> ( <sup>1</sup> 理研・微生物, <sup>2</sup> 東大・生物科学 )
- 4PA-192 Outer dense fiber 2:単離した中心体を用いて同定した新規中心体構成蛋白質  
中川 善雄<sup>1,2</sup>, 岡上 武<sup>2</sup>, 月田 承一郎<sup>1</sup>, 月田 幸子<sup>1,3</sup> ( <sup>1</sup> 京大・医, <sup>2</sup> 京都府立医大・三内, <sup>3</sup> 京大・医短 )