

一般演題 ポスター発表 プログラム

第1日(12月13日(水))

PA 会場

..... (1a ゲノム, ゲノム構造)

1PA-001 イネ高密度発現遺伝子地図の特徴と応用

○前原 智子, 呉 健忠, 山本 伸一, 下川 尊巧, 小野 望, 高崎 夕嫁, 向井 喜之, 原田 千津子, 藤井 文子, 矢崎 潤史, 小池 一宏, 正村 純彦, 安藤 露, 河野 いづみ, 矢野 昌裕, 松本 隆, 佐々木 卓治 (農水省・生物研/STAFF 研・イネゲノム研究チーム)

1PA-002 イネ動原体のマッピング及び構造解析

○下川 尊巧, 呉 健忠, 前原 智子, 山本 伸一, 向井 喜之, 正村 純彦, 矢野 昌裕, 松本 隆, 佐々木 卓治 (農水省・生物研/STAFF・イネゲノム研究チーム)

1PA-003 塩基配列解析用イネ物理地図作成のためのフィンガープリント解析

○中島 麻里奈, 馬場 知哉, 市川 洋子, 池野 真依子, 本多 美紀子, 唐澤 涉, 吉木 昭二, 松本 隆, 佐々木 卓治 (農水省・生物研/STAFF・イネゲノム研究チーム)

1PA-004 連鎖解析による塩基配列解析のためのイネ物理地図作成

○佐治 章子, 馬場 知哉, 正村 純彦, 岡本 雅子, 河野 いづみ, 安藤 露, 有田 耕平, 松本 隆, 矢野 昌裕, 佐々木 卓治 (農水省・生物研/STAFF・RGP)

1PA-005 イネゲノム全塩基配列決定のための第1および第6染色体物理地図作成

○馬場 知哉, 片桐 敏, 濱田 昌雄, 林 美佳, 千傳 吉濃, 太田 智弥, 呉 健忠, 松本 隆, 佐々木 卓治 (農水省・生物研/STAFF・イネゲノム研究チーム: RGP)

1PA-006 イネゲノム塩基配列解析における PAC/BAC クローンから鋳型作製までの効率的システムの構築

○寺沢 公宏, 青木 弘良, 山根 弘子, 飯嶋 益巳, 伊藤 友子, 下川 尊巧, 山本 公子, 片寄 裕一, 松本 隆, 佐々木 卓治 (農水省・生物研/STAFF・RGP)

1PA-007 新規 Deletion 法ベクターの開発とイネゲノムシーケンスへの応用

○青木 弘良, 山根 弘子, 飯嶋 益巳, 伊藤 友子, 寺沢 公宏, 細川 聡美, 山本 公子, 片寄 裕一, 松本 隆, 佐々木 卓治 (農水省・生物研/STAFF・イネゲノム研究チーム)

1PA-008 イネゲノム中の反復配列解析への ND 法の応用

○飯嶋 益巳¹, 山根 弘子¹, 伊藤 友子¹, 寺沢 公宏¹, 青木 弘良¹, 山本 公子¹, 片寄 裕一¹, 松本 隆¹, 服部 正平², 佐々木 卓治¹ (¹農水省・生物研/STAFF・イネゲノム研究チーム, ²理研・GSC)

1PA-009 イネ第1染色体・第6染色体のゲノム塩基配列解析

○山形 晴美, 山本 公子, 金森 裕之, 宋 健瑜, 小林 のり子, 細川 聡美, 柴田 未知恵, 原田 千津子, 小野瀬 幸恵, 中村 まり, 湯川 和子, 鍾 恵孫, 池田 道子, 神谷 梢, 菊田 有里, 中間 裕子, 仲道 裕美, 町田 佳代, 小野 望, 高崎 夕嫁, 片寄 裕一, 坂田 克己, 松本 隆, 佐々木 卓治 (農水省・生物研/STAFF・イネゲノム研究チーム)

1PA-010 イネゲノム塩基配列解析; 解析困難領域の解析法

○金森 裕之, 山本 公子, 宋 健瑜, 小林 のり子, 細川 聡美, 山形 晴美, 柴田 未知恵, 原田 千津子, 小野瀬 幸恵, 中村 まり, 湯川 和子, 鍾 恵孫, 池田 道子, 神谷 梢, 菊田 有里, 中間 裕子, 仲道 裕美, 町田 佳代, 小野 望, 高崎 夕嫁, 片寄 裕一, 坂田 克己, 松本 隆, 佐々木 卓治 (農水省・生物研/STAFF・イネゲノム研究チーム)

1PA-011 イネゲノム塩基配列(第1、第6染色体)のアノテーション

○根岸 真奈美, 長崎 英樹, 井戸沼 淳子, 増川 正敏, 有川 浩司, 向井 喜之, 太田 勇, 坂田 克己, 佐々木 卓治 (農水省・生物研/STAFF・イネゲノム研究チーム)

- 1PA-012 イネゲノム塩基配列のアノテーションデータベース
 ○有川 浩司, 長崎 英樹, 井戸沼 淳子, 増川 正敏, 根岸 真奈美, 向井 喜之, 坂田 克己, 佐々木 卓治 (農水省・生物研/STAFF 研・イネゲノム研究チーム)
- 1PA-013 イネゲノム統合データベース-INE の現状
 ○向井 喜之¹, Baltazar A. Antonio¹, 坂田 克己¹, 牧野 和佳², 境 泰道², 佐々木 卓治¹ (¹農水省・生物研/STAFF・イネゲノム研究チーム, ²三菱スペース・ソフトウェア)
- 1PA-014 イネ完全長 cDNA の収集
 ○太田 由己¹, 河合 純^{1,2}, 伊藤 昌可^{1,2}, 柴田 一浩^{1,2}, 品川 朗¹, カルニンチ ピエロ¹, 吉野 正康¹, 原 亜矢子^{1,3}, 大里 直樹^{1,3}, 福田 史朗^{1,2}, 早津 徳人¹, 石井 善幸¹, 荒川 貴博¹, 今野 英明^{1,2}, 齋藤 輪太郎¹, 相澤 克則^{1,2}, 菊池 尚志³, 大竹 祐子³, 佐藤 浩二³, 岸本 直己³, 林崎 良英^{1,2,4} (¹理研・GSC・遺伝子構造機能/筑波研・生体分子機能, ²科技団・CREST, ³農水省・生物研)
- 1PA-015 イネ完全長 cDNA のイネゲノムへのマッピング
 ○近藤 伸二¹, 太田 由己¹, 今野 英明^{1,2}, 河合 純^{1,2}, 伊藤 昌可^{1,2}, 柴田 一浩^{1,2}, 品川 朗¹, 大里 直樹¹, 齋藤 哲哉¹, 林崎 良英^{1,2,3} (¹理研・GSC・遺伝子構造機能/筑波研・生体分子機能, ²科技団・CREST, ³筑波大・基礎)
- 1PA-016 イネ完全長 cDNA の両端配列による分類
 ○大里 直樹¹, 太田 由己¹, 福田 史朗^{1,2}, 今野 英明^{1,2}, 河合 純^{1,2}, 伊藤 昌可^{1,2}, 柴田 一浩^{1,2}, 品川 朗^{1,2,3}, 林崎 良英^{1,2,3} (¹理研・GSC・遺伝子構造機能/筑波研・生体分子機能, ²科技団・CREST, ³筑波大・基礎)
- 1PA-017 イネ第5染色体の動原体領域における繰り返し配列の構成
 ○野々村 賢一, 倉田 のり (国立遺伝研)
- 1PA-018 イネ科植物に遍在する DNA 配列と MITE との関係
 ○長野 宏則, 貴島 祐治, 佐野 芳雄 (北大・院農)
- 1PA-019 Integration of the Genetic Map and Physical Map of a Gene, *srt-3*, Responsible for the Root Growth in Rice
 ○Xiaoping Yi¹, Zhengwei Liang¹, Shinji Kawasaki², Shigeru Kuroda¹, Masahiko Ichii³, Ikuo Ashikawa¹ (¹MAFF HNAES, ²MAFF NIAR, ³Kagawa Univ.)
- 1PA-020 コムギのゲノム科学 V.パンコムギの TAC ライブラリーを用いたコムギ遺伝子のスクリーニング
 ○荻原 保成¹, 木坂 真由美¹, 根本 泰江¹, 長岐 清孝¹, 劉 耀光² (¹横浜市大・木原生研, ²華南農業大、中国)
- 1PA-021 The Integrated SNP Genotyping Platform
 ○I.G. Gut, D. Lechner, F. Matsuda, G.M. Lathrop (Centre National de Genotypage)
- 1PA-022 オリゴキャッピング法による霊長類の完全長 cDNA ライブラリーの作製とシーケンシング、及びヒト配列との比較解析
 ○肥田 宗友^{1,5}, 鈴木 穰¹, 橋本 雄之², 坂手 龍一³, 平井 百樹³, 寺尾 恵治⁴, 早坂 郁夫⁵, 菅野 純夫¹ (¹東大・医科研・ゲノム構造解析, ²国立感染研・遺伝子資源, ³東大・新領域, ⁴筑波霊長類センター, ⁵三和化研)
- 1PA-023 第一染色体短腕への BAC の整列化とガン抑制遺伝子の探索
 ○陳 迎章^{1,2}, 林 泰秀², 大木 操³, 稲澤 譲治⁴, 堀井 明⁵, 添田 栄一¹ (¹理研・ジーンバンク, ²東大・院医・小児, ³国立がんセ・がんゲノム, ⁴東京医歯大・難治研・分子細胞遺伝, ⁵東北大・院医・分子病理)
- 1PA-024 がん関連遺伝子の単離・解析を目指した 1p36-p35 のコンテイングの作成
 ○堀井 明¹, 林 泰秀², 稲澤 譲治³, 中川原 章⁴, 添田 栄一⁵ (¹東北大・院医・分子病理, ²東大・院医・小児, ³東京医歯大・難治研・分子細胞遺伝, ⁴千葉がんセ・生化, ⁵理研・ジーンバンク)
- 1PA-025 ヒト Y 染色体特異多型マーカーの発見
 ○松木 孝澄¹, 坪田 悦子¹, 飯田 礼子¹, 黒木 陽子², 中堀 豊² (¹福井医大・医・法医学, ²徳島大・医・公衆衛生学)
- 1PA-026 先天性疾患患者由来染色体相互転座 t(5;14)切断点の同定
 ○松本 理恵¹, 石井 光子², 福嶋 義光³, 磯部 正治¹ (¹富山大・工・生命工学, ²千葉県リハビリテーションセ, ³信州大・医)

- 1PA-027 神経芽腫細胞株における 1p36 ホモ欠失領域の同定とそのゲノム解析
 ○大平 美紀¹, 影山 肇¹, 三原 基弘¹, 古田 繁行¹, 町田 泰一¹, 服部 正平^{1,2}, 榊 佳之^{2,3}, 添田 栄一^{3,4}, 隈 秀和^{4,5}, 中川原 章¹ (1 千葉県がんセ・生化, 2 理研・ゲノムセ, 3 東大・医科研・ヒトゲノム, 4 理研・ジーンバンク, 5 久光製薬・中央研)
- 1PA-028 Fiber-FISH 法による Rh 式血液型抗原遺伝子座の構成解析
 ○数藤 由美子¹, 石川 善英², 兵頭 博信², 内川 誠², 平井 百樹³, 十字 猛夫² (1 東大・院理・生物科学, 2 日赤・中央血液セ, 3 東大・院新領域)
- 1PA-029 理研 GSC ゲノムシーケンスシステム: 21 番染色体の完成と 11、18 番のドラフトシーケンス
 ○豊田 敦, H.S. Park, T.D. Taylor, 矢田 哲士, 渡辺 日出海, 十時 泰, 藤山 秋佐夫, 服部 正平, 榊 佳之 (理研・ゲノム科学総研セ)
- 1PA-030 Structural and expression analyses of an imprinting domain on human chromosome 19 in mouse A9 cells
 前川 真治¹, ○板場 則子¹, 吉岡 広陽², 西原 茂城², 久保田 智香¹, 難波 栄二¹, 押村 光雄^{2,3} (1 鳥取大・遺伝子実験施設, 2 鳥取大・院・医学系研究科生命科学, 3 科学技術振興事業団 CREST)
- 1PA-031 ヒト 11p15.5 (セントロメア側) に対応するマウスゲノム領域の構造解析
 ○八木 ひとみ, 東元 健, 佐藤 勇司, 中川内 哲治, 王 又冬, 副島 英伸, 向井 常博 (佐賀医大・生化学)
- 1PA-032 3'UTR に存在する VNTR の遺伝子発現への影響
 ○坂上 正行¹, 河内 彩織¹, 大澤 沙織², 小川 千絵², 中村 祐輔², 小山 公美子¹ (1 理研・遺伝子多型セ, 2 東大・医科研・ヒトゲノムセ)
- 1PA-033 アクチン調節タンパク質ゲルソリンのプロモーター領域の同定
 ○藤田 寿一, 芳賀 一徳, 佐川 憲明, 瀧本 将人, 葛巻 暹 (北大・遺制研・癌遺伝子制御)
- 1PA-034 Identification of mouse *p57kip2* variant and the regulatory mechanism of the gene expression
 ○ZhenghanXin, Hitomi Yatsuki, Hiroshi Komoda, Keiichiro Joh, Tsunehiro Mukai (Dept. of Biochem., Saga Med. Sch.)
- 1PA-035 ヒト・ガレクチン-9 の遺伝子構造
 ○秋山 修一¹, 田澤 (石黒) 千鶴¹, 松本 良二², 金ヶ崎 史朗¹ (1 エフェクター細胞研究所, 2 Mayo Clinic, USA)
- 1PA-036 Structure and analysis of transcriptional regulation of AMY-1 gene that encodes c-Myc binding protein
 ○Makoto Furusawa³, Takahiro Taira³, Sanae M. M. Iguchi-Ariga³, Hiroyosi Ariga^{1,3} (1 Grad. Sch. of Pharm. Sci., Hokkaido Univ., 2 Col. of Med. Tech., Hokkaido Univ., 3 CREST・JST)
- 1PA-037 Rho・Rho キナーゼを介した血管平滑筋トーン調節系の Ca²⁺ 感受性制御
 ○多久和 陽 (金沢大・医・一生理)
- 1PA-038 精巢半数体精子細胞特異的に発現する Hanp1 遺伝子のゲノム構造解析
 ○大西 正剛, 田中 宏光, 西宗 義武, 野崎 正美 (阪大・微研・動物実験)
- 1PA-039 精巢・卵巣特異的に発現する新規コラーゲン様タンパク質 COL-TO の解析
 ○佐藤 啓二¹, 蓬田 健太郎³, 和田 崇之¹, 頼藤 徹也^{1,2}, 西宗 義武³, 細川 暢子^{1,2}, 永田 和宏^{1,2} (1 京大・再生研・細胞機能, 2 CREST, JST, 3 阪大・微研・動物実験)
- 1PA-040 DNA-PKcs 遺伝子のゲノム塩基配列の構造の解析
 ○藤森 亮¹, 橋本 博支², 荒木 良子³, 斎藤 俊行³, 福村 龍太郎³, 大畑 樹也³, 巽 紘一³, 安倍 真澄³ (1 京大・医・放射線遺伝学, 2 北海道システムサイエンス, 3 放医研)
- 1PA-041 NEXTDB:C.elegans 発現パターンマップデータベース
 ○新井 理¹, 伊藤 将弘¹, 水口 洋平¹, Thierry-Mijear², Thierry-MDanielle², 杉浦 郁子¹, 大庭 登紀江¹, 小原 真澄¹, 北山 小百合¹, 鈴木 孝美¹ (1 CREST・遺伝研・遺伝資源情報, 2 CRBM-CNRS)
- 1PA-042 タンデムリピート TREST1 とレトロトランスポゾン STERT1 の分布と染色体サブテロメア領域の解析
 ○橋戸 和夫, 前川 秀彰 (感染研・放射能)
- 1PA-043 BAC ライブラリーを活用したカイコの物理地図及び遺伝子発現地図の作成
 ○安河内 祐二¹, L.A. Ashakumary, 馬場 浩太郎¹, 三田 和英² (1 農水省・蚕糸昆虫研, 2 放医研・2G)

- 1PA-044 ニジマス Sox24 と相互作用する因子の cDNA クローンの単離及び解析
 ○牧 文典¹, 松下 浩和¹, 神田 宏美¹, 伊藤 道彦¹, 高松 信彦¹, 山下 伸也², 柴 忠義¹ (¹北里大・理・生物科, ²日本水産)
- 1PA-045 南米産ガラガラヘビ毒成分クロタミンの遺伝子及びその関連遺伝子の構造解析
 ○久保 泰¹, Gandhi Radis Baptista², 竹田 摩美¹, Tetsuo Yaman² (¹生命工学工業技術研, ²Molec. Toxinol. Lab., Butantan Inst., Brazil)
- 1PA-046 メダカの性染色体の解析
 ○近藤 真理子¹, 永尾 絵梨子¹, 成瀬 清², 三谷 啓志¹, 浅川 修一³, 清水 信義³, 嶋 昭紘¹ (¹東大・院新領域, ²院理・生物科学, ³慶應大・医・分子生物)
- 1PA-047 体細胞クローン牛胎児由来の cDNA を利用した expressed sequence tags (ESTs) の染色体マッピング
 ○村松 陽治¹, 谷口 幸雄², 山田 宜永², Bernard Konfortov³, 安江 博⁴, 佐々木 義之² (¹静岡英和短大・食物, ²京大・院農・動物遺伝育種, ³PNAC division, Lab. Mol. Biol., Med. Res. Council, ⁴農水省・畜試)
- 1PA-048 Cloning and characterization of equine microsatellite-linked repetitive element
 ○Teruaki Tozaki^{1,2}, Suguru Mashima², Kei-ichi Hirota², Nobuyoshi Miura², Nam-Ho Choi-Miura², Motowo Tomita¹ (¹Physiol. Chem., Pharm. Sci., Showa Uni, ²Lab. of Racing Chem)
- 1PA-049 原始紅藻の cDNA 解析結果による真核生物ゲノム成立の推定
 ○太田 にじ¹, 黒岩 常祥² (¹埼玉大・理・分子生物, ²東大・院理・生物科学)
- 1PA-050 ラン藻 *Synechococcus* PCC6301 株のゲノム解析 (1)
 杉田 千恵子¹, 原 由里子¹, 横田 はるみ¹, 間瀬 明日香¹, Nikolay Tzvetkov¹, 四方 正光², 高岡 直子², ○杉田 護¹, 杉浦 昌弘³ (¹名大・遺伝子, ²島津製作所・ジェノミックリサーチ, ³名市大・システム自然科学)
- 1PA-051 ラン藻 *Synechococcus* PCC6301 株のゲノム解析 (2)
 杉田 護¹, 續 伯彦³, 虎沢 慶太³, 石浦 正寛², 高野 純⁴, ○軸屋 博之⁴, 本川 修⁴, 福井 俊文⁴, 緒方 是嗣⁴, 杉浦 昌弘⁵ (¹名大・人間情報, ²名大・遺伝子, ³愛知学院大・計算機センター, ⁴島津製作所・ジェノミックリサーチ室, ⁵名市大・システム自然科学)
- 1PA-052 深海由来好塩性細菌 *Bacillus* sp. HTE831 株のゲノム解析
 ○仲宗根 薫, 高見 英人, 高木 善弘, 佐々木 るみ系, 掘越 弘毅 (海洋科技セ・深海微生物)
- 1PA-053 好熱古細菌ゲノムの比較解析とそこから判明した特徴
 青木 健一¹, 田中 敏広¹, 増田 さやか¹, 菊池 久¹, ○河原林 裕^{1,2} (¹評価センター・バイオセンター, ²工技院・生命研)
- 1PA-054 Crenarchaeon ゲノムから予想された新規イントロンを含む tRNA 分子の解析
 ○山崎 秀司¹, 山崎 純¹, 日野 由美¹, 菊池 久¹, 河原林 裕^{1,2} (¹評価センター・バイオセンター, ²工技院・生命研)
- 1PA-055 出芽酵母全プロテインホスファターゼ二重遺伝子破壊株の構築と表現型解析
 松岡 逸美¹, 作本 直子¹, 向 由起夫¹, 小川 暢男², 金子 嘉信¹, ○原島 俊¹ (¹阪大・院工・応用生物, ²スタンフォード大・生化学)
- 1PA-056 出芽酵母のテロメア領域複製に関する遺伝子の機能
 ○林 直之, 村上 清史 (金沢大・がん研・腫瘍分子)
- 1PA-057 分裂酵母の cDNA とゲノム解析
 ○本郷 悦子¹, 三田 和英¹, 小副川 一豊², 味村 正博¹, 東 智康¹, 平岡 秀一¹, 菅谷 公彦¹, 山内 正剛¹, 森明 充興¹ (¹放医研・ゲノム, ²オークランド小児病院研究所)
- 1PA-058 原子間力顕微鏡による大腸菌ゲノムの観察
 ○正村 祐介¹, Talukder Ali Azam², 石浜 明², 竹安 邦夫¹ (¹京大・院生命科学研究所, ²国立遺伝研・分子遺伝)
- 1PA-059 セパシア菌 *Burkholderia cepacia* のゲノム構造
 ○井村 喜之, 永田 裕二, 源河 浩之, 小松 春伸, 津田 雅孝 (東北大・遺生研)
- 1PA-060 乳酸菌フェジ PL - 2 のゲノム構造の解析 (1)
 ○中島 幸彦, 山本 雅達, 鹿志毛 信広, 見明 史雄, 渡辺 健治 (福岡大・薬)

- 1PA-061 腸管出血性大腸菌 O157:H7 (堺株) のゲノム解析
 ○大西 真¹, 村田 敬寛¹, 中山 恵介¹, 林 哲也¹, 黒川 顕², 安永 照男², 牧野 耕三³, 品川 日出夫³, 久原 哲⁴, 服部 正平^{5,6} (1 信州大・医, 2 阪大・遺情, 3 阪大・微研, 4 九大・院農, 5 理研・ゲノム科学, 6 東大・医科研)
- 1PA-062 制限酵素ランダムマークゲノムスキニング (RLGS) 法を用いたバクテリア人工染色体 (BAC) クローンの制限酵素地図の作成
 ○奥泉 久人^{1,2}, Mark Burow, Andrew Paterson (1 ジョージア大, 2 農水省・生物研)
- 1PA-063 *Clostridium perfringens* の全ゲノムシーケンスの決定
 ○清水 徹, 大谷 郁, 清水 健, 林 英生 (筑波大・基礎医学・微生物)
- 1PA-064 好アルカリ性 *Bacillus halodurans* C-125 株のゲノムに見いだされた新しい IS
 ○高見 英人¹, 韓 昌均², 高木 善弘¹, 大坪 栄一², 掘越 弘毅¹ (1 海洋科技セ・深海微生物, 2 東大・分生研)
- 1PA-065 Analysis of transcriptional control of the pathogenic genes based on the whole genome information of *Chlamydia pneumoniae*.
 ○ H Toh¹, H Hirakawa², K Miura³, R Fujinaga⁴, K Ouchi⁵, M Hattori⁶, K Tashiro⁷, S Kuhar⁸, T Nakazawa, M Shirai¹ (1 Yamaguchi Univ. Med., Dept. Microbiology, 2 Kyushu Univ., Genetic Resources Tech., 3 Shimomoseki Saiseikai Hosp., 4 RIKEN)
- 1PA-066 北里大学未来開拓事業における微生物ゲノムシーケンシング
 ○山下 敦士¹, 大島 健志朗^{1,2}, 古谷 恵子¹, 吉野 智絵¹, 柴 忠義¹, 服部 正平^{1,3} (1 北里大・理, 2 日立計測器サービス, 3 理研・ゲノム科学総研セ)
- 1PA-067 近縁細菌ゲノム配列の比較から得られた、制限修飾遺伝子が「動く遺伝子」である証拠
 ○信里 綾香¹, 知念 秋人¹, 内山 郁夫², 大橋 青史¹, 小林 一三¹ (1 東大・医科研・基礎医科学, 2 基生研)
- 1PA-068 好熱古細菌 *Pyrococcus* の二つの種のゲノム配列の比較から示唆された制限酵素修飾酵素遺伝子のゲノム多型形成への関与
 ○知念 秋人¹, 内山 郁夫², 小林 一三¹ (1 東大・医科研・基礎医科学, 2 基生研)
- 1PA-069 制限修飾遺伝子のゲノム間移動
 ○大橋 青史, 小林 一三 (東大・医科研)
- 1PA-070 Resistance of *Bam*HI RM gene complex on *Bacillus subtilis* chromosome to replacement and genome rearrangements
 ○ M. Sadykov^{1,2}, N. Handa¹, Y. Asami¹, M. Tanokura³, M. Itaya⁴, I. Kobayashi (1 Inst. Med. Sci., Univ. of Tokyo, 2 NEDO, 3 Univ. of Tokyo, 4 Mitsubishi Kagaku Inst. of Life Sci.)
- 1PA-071 制限修飾酵素遺伝子の自己維持作用を利用した有用遺伝子の安定維持・発現
 ○高橋 (小林) 規子, 小林 一三 (東大・医科研・基礎医科学)
- (2a 分子構造, 遺伝子・核酸)
- 1PA-072 RNA 分解酵素の漏出を指標にした変異型ウンデカブレニルニリン酸合成酵素遺伝子のスクリーニング
 ○田口 直子, 中島 謙一, 藤崎 真吾, 西村 行進 (東邦大・理)
- 1PA-073 Structural variation of the nonacistronic *Salmonella typhimurium* atp operon compared with the *Escherichia coli* one.
 ○ Hai-Kyung Kim, No-Jun Heo, Sa-Youl Ghim, Bang-Ho Song (Kyungpook Univ. Teachers Coll., Dept. Biol. Edu.)
- 1PA-074 Gene organization and insecticidal activities of a novel *Bt* strain, TK-E6
 ○ So Takebe¹, Yohei Izumoto², Tsuyoshi Matsumura³, Kikuo Sen², Masashi Yamagiwa², Hiroshi Saka³, Tohru Komano⁴ (1 Kinki Univ., Dept. of Genet. Eng., 2 Shinshu Univ., Dept. of Biosci. and Biotech., 3 Okayama Univ., Dept. of Biosci. and Biotech.)
- 1PA-075 *Myxococcus xanthus* の形態形成遺伝子 *fruB* の解析
 ○秋山 琢也, 小川 万里, 駒野 照弥 (都立大・理・生物)

- 1PA-076 *Bacteroides fragilis* の複合糖鎖分解におけるエステラーゼ遺伝子群の役割
○中山 治之, 桑原 知巳, 岩沙 朋哉, 大西 克成 (徳島大・医・細菌)
- 1PA-077 Genomic organization of elongation factor (EF) -G and EF-Tu genes of phytoplasma
○Shin-ichi Miyata¹, Ken-ichi Furuki¹, Kenro Oshima², Tsutomu Kuboyama², Masashi Ugaki¹, Shigetou Namba¹
(¹Grad. Sch. Frontier Sci., Univ. Tokyo²Grad. Sch. Agr. Life Sci., Univ. Tokyo)
- 1PA-078 溶連菌の遺伝子操作による streptolysin の発現および機能の解析
○木元 久¹, 山元 一休¹, 大嶋 勇成², 藤沢 和郎², 武藤 明³ (¹福井医大・医・生化^{1,2}福井医大・医・小児,
³福井工大・工・応用理化)
- 1PA-079 植物病原細菌 *Ralstonia solanacearum* の病原性関連遺伝子の単離と解析
○向原 隆文, 村田 幸男, 岩淵 雅樹, 田村 尚之 (岡山県生物科学総合研究所)
- 1PA-080 クラミドモナス光化学系 II 集光装置関連遺伝子群の同定
○寺本 陽彦, 小野 高明, 皆川 純 (理研 PDC・光生物)
- 1PA-081 古細菌イントロンにコードされるホーミングエンドヌクレアーゼ遺伝子
○森永 弥生, 野村 紀通, 左子 芳彦, 内田 有恆 (京大・院農)
- 1PA-082 超好熱古細菌 *Pyrobaculum* 属における好氣的環境適応機構について
○布浦 拓郎¹, 左子 芳彦¹, 若木 高善², 内田 有恆¹ (¹京大・院農・応生物,²東大・院農生科・応生工)
- 1PA-083 ラン藻のポリケチド ポリペプチド合成融合遺伝子の解析
○西澤 智康¹, 朝山 宗彦¹, 黒津 敏嗣², 堀 和子², 白井 誠¹ (¹茨城大・農・分子遺伝,²兵庫医大・生化)
- 1PA-084 *Microcystis* 属におけるデブシペプチド合成遺伝子の解析
○上田 明子¹, 中山 康弘¹, 西澤 智康¹, 朝山 宗彦¹, 藤井 清永², 原田 健一², 白井 誠¹ (¹茨城大・農・分子
遺伝,²名城大・薬・機器分析)
- 1PA-085 Analysis of a gene specifically expressed during early development of multicellular algae, *Volvox carteri*.
○MIkiko Kawai¹, Tan Inoue², Hideaki Shiraishi² (¹Graduate School of Science, Kyoto Univ., ²Faculty of
Biostudies, Kyoto Univ.)
- 1PA-086 担子菌シタケ *priA* 遺伝子の 5'プロモーター領域に存在するピリミジン/プリンに富む配列の構造と機能
○山崎 丘¹, 長谷部 武², 梶原 将¹, 穴戸 和夫¹ (¹東工大・院生命理工・分子生命科学,²現順天堂大・医)
- 1PA-087 Unusual structure of a Py-Pu alternate sequence from the 3'-noncoding region of *Dunaliella* H⁺-ATPase cDNA
○J. Yuki, T. Yamazaki, S. Kajiwara, K. Shishido (Dept. of Life & Tokyo Inst. of Tech.)
- 1PA-088 SOD と融合したオオミジンコの新規ピテロゲニン遺伝子の解析
○加藤 泰彦, 時下 進一, 太田 敏博, 山形 秀夫 (東薬大・生命・環境生命)
- 1PA-089 オオミジンコアルドラーゼ遺伝子の単離と解析
○政所 由美子, 時下 進一, 太田 敏博, 山形 秀夫 (東薬大・生命・環境生命)
- 1PA-090 八放サンゴレクチン SLL-2 の精製およびクローニング
○神保 充¹, 佐藤 愛¹, 矢野原 泰士¹, 小池 一彦¹, 酒井 隆一¹, 村本 光二², 神谷 久男¹ (¹北里大・水,²東北
大・院農)
- 1PA-091 マボヤ FGF receptor 遺伝子(HrFGFR)の単離とその発現解析
○亀井 修一¹, 矢嶋 伊知郎², 山本 博章², 小林 亜子³, 真壁 和裕³, 山崎 英俊¹, 林 眞一¹, 國貞 隆弘¹ (¹鳥取
大・医・生命・免疫,²東北大・院理・生物,³京大・院理・動物)
- 1PA-092 トランスポゾン *mariner* 様因子の末端部反復配列構造の変異と転移活性
○小倉 啓司, 山本 雅敏 (京都工繊大・ショウジョウバエ遺伝資源センター)
- 1PA-093 カイコ精巢において発現する 2 種の ATPase inhibitor-like protein の解析
○小倉 一朗, 日下部 宜宏, 河口 豊, 古賀 克己 (九州大・院農)
- 1PA-094 トリパノソーマのピリミジン合成遺伝子クラスター
○奈良 武司¹, 橋本 哲男², 青木 孝¹ (¹順天堂大・医・寄生虫学,²統計数理研究所)
- 1PA-095 雌性生殖系ギンブナの *wee1* ホモローグの同定
○松葉 周子, 村上 賢, 藤谷 英男 (麻布大・獣医・分子生物)

- 1PA-096 ゼブラフィッシュグアニル酸シクラーゼのクローニング
○山田 雅樹¹, 森 哲哉², 柏倉 正^{1,2} (1 青森大・院・環境科, 2 工・生物工)
- 1PA-097 ウナギのゲノム中に存在する LINE の全長配列の決定とその増幅機構の解析
○梶川 正樹, 岡田 典弘 (東工大・生命理工)
- 1PA-098 レトロポジションにおけるウナギのレトロポゾン(UnLINE)の組み換えとそれによる SINEs 生成メカニズムの解析
○加藤 譲, 梶川 正樹, 大島 一彦, 岡田 典弘 (東工大)
- 1PA-099 Minisatellite Mutation and Quadruplex Formation
○福田 博政¹, 土屋 直人¹, 片平 正人², 川隅 寛², 杉村 隆¹, 長尾 美奈子¹, 中釜 齊¹ (1 国立がん研・研・生 化, 2 横浜国大・工・物質工学)
- 1PA-100 SECIS 中の G・A/A・G 塩基対の存在について
伊藤 祐子, 後藤 千春, ○水谷 隆治 (名市大・薬)
- 1PA-101 短い回文配列における十字型構造-三重鎖構造間の立体構造転移
○加藤 幹男¹, 板倉 修二¹, 高橋 勉¹, 清水 信義² (1 阪府大・総科・自然環境, 2 慶應大・医・分子生物)
- 1PA-102 ハンマーヘッド型リボザイム中に見られる金属結合モチーフの配列要求性
○笠井 康弘^{1,2}, 田中 好幸¹, 森田 勇人³, 林 秀則³, 田中 俊之⁴, 多比良 和誠^{1,5} (1 工技院・融合研, 2 筑波 大・生環, 3 愛媛大・理, 4 筑波大・応生, 5 東大・院工)
- 1PA-103 Circular dichroism study of single stranded DNA mini-hairpin structure
○ Ayako Iwasaki, Mahito Terabe, Kin-ichiro Miura (Institute for Molecular Science, Gakushuin Univ.)
- 1PA-104 DT40 細胞に存在するトリメチルグアノシンキャップをもつ新規低分子 RNA
○木戸 敬治, 増田 義雄, 原田 文夫 (金沢大・がん研・細胞情報調節)
- 1PA-105 ヒトテロメラーゼ RNA の性質と構造
○市川 智則¹, 太田 亜里沙¹, 豊田 雅広¹, 田中 陽一郎¹, 栗原 靖之¹, 原田 文夫², 上杉 晴一¹ (1 横浜国大・ 工・物質工, 2 金沢大・がん研・細胞情報調節)
- 1PA-106 ヒト第6染色体 HLA クラスI 領域における新規遺伝子の単離および発現解析
○傳田 晃弘, 東内 健一, 松坂 恭成, 岡 晃, 富澤 麻衣子, 牧野 悟士, 田宮 元, 猪子 英俊 (東海大・医・分子生 命科学 2)
- 1PA-107 精子形成期ラット精巣に特異的に発現する遺伝子の解析
○平川 由理¹, 山野 好章¹, 大山 建司², 島田 章則³, 森嶋 伊佐夫¹, 杉本 みや子¹ (1 鳥取大・農・応用生命, 2 山梨医大・臨床看護, 3 鳥取大・農・獣医病理)
- 1PA-108 新奇 p44 類似タンパクに関する遺伝子解析
○畑村 育次¹, 伊藤 俊治¹, 安井 夏生², 村垣 泰光¹, 大島 章¹ (1 和歌山医大・一病理, 2 阪大・医・整形外科)
- 1PA-109 精巣に局在する zinc finger protein TZF のアイソフォームのクローニング
○石塚 晶道, 大島 裕隆, 井上 敦人, 広瀬 茂久, 萩原 啓実 (東工大・生物実験センター)
- 1PA-110 心臓筋肉の新しい DNA について
○香川 和子¹, 香川 晴男² (1 京大・ウイルス研, 2 京大・理・物理)
- 1PA-111 マウス Brain Mitochondrial Carrier Protein-1 新規 cDNA のクローニング
○守谷 里美, 長南 めぐみ, 三上 歩, 二松 映三子, 人見 賢徳, 田中 秀幸 (宇都宮大・農・生 生科)
- 1PA-112 マウス新規核蛋白質 Np95 遺伝子のヒト・ホモログ huNp95 の分離と解析
○武藤 正弘¹, 金成 安慶^{1,2}, 久保 糸い子¹, 藤森 亮¹, 巽 紘一¹, 松田 洋一² (1 放医研・生物影響, 2 北大・染 色体研)
- 1PA-113 マウスの脳で発現するアリルアミン N-アセチル転移酵素(NATs)の cDNA クローニングと局在
○大富 美智子, 石川 玲子, 小林 美穂 (東邦大・理・生物分子)
- 1PA-114 マウスの精巣特異的な細胞接着分子 TCAM-1 の遺伝子構造、発現および成長ホルモン遺伝子との Linkage
坂谷 志織¹, 高橋 亮介¹, 奥田 友紀¹, 相澤 明², ○大塚 昭¹, 小野 雅夫¹ (1 立教大・理・生命, 2 家畜改良技研)
- 1PA-115 新規候補癌遺伝子 TCL6 の発現ならびに Single Nucleotide Polymorphism(SNP)の解析
○斎藤 益満, 磯部 正治 (富山大・工・生命工学)

- 1PA-116 常染色体劣性非症候群性聾 DFNB8/10 の原因遺伝子のクローニング
○渋谷 和憲¹, 工藤 純¹, H.S. Scott², A. Berry³, J. Wang¹, 川崎 和彦¹, 浅川 修一¹, 蓑島 伸生¹, B. Bonne-Tami³, S.E. Antonarakis³, 清水 信義¹ (¹慶應大・医・分子生物, ²ジュネーブ大・医, ³テルアビブ大・医)
- 1PA-117 BodyMap を利用した心臓特異的遺伝子の単離
○副島 英伸¹, 川本 祥子², 赤井 潤³, 三好 修⁴, 荒井 勇二⁵, 新川 詔夫⁴, 木村 彰方³, 大久保 公策², 向井 常博¹ (¹佐賀医大・生化, ²阪大・細生工セ, ³東京医歯大・難治研, ⁴長崎大・原研遺伝, ⁵国循セ)
- 1PA-118 新規タンパク質、細胞質アセチル-CoA 水解酵素の cDNA 全塩基配列決定と組換え蛋白の大量発現
○末松 直也¹, 岡本 一起¹, 柴田 清孝², 中西 洋子³, 磯橋 文秀¹ (¹聖マリアンナ医大・生化学, ²石巻専修大・理工, ³京都教大・教育・家政)
- 1PA-119 ヒト破骨細胞由来のカルパスタチン新規分子種
○鈴木 直子¹, 林 昌美², 小野 富男¹, 腰原 康子³, 猪股 光司², 川島 誠一¹ (¹都臨床研・分子制御, ²都老人研・蛋白質生化, ³都老人研・栄養)
- 1PA-120 脳で高発現する長鎖アシル CoA 水解酵素の性質と遺伝子解析
○高木 充弘, 倉持有, 北原 真理, 江森 亮子, 浅羽 祐介, 渡辺 隆史, 山田 純司, 須賀 哲弥 (東京薬大・薬・臨床生化)
- 1PA-121 Molecular structure and tissue expression of the mouse putative protein O-mannosyltransferase mPOMT1 and mPOMT2 genes
○ Xiaohui Wang, Yasunori Chiba, Yosifumi Jigami (NIBH, AIST)
- 1PA-122 マウスのゲノム刷込みを受ける遺伝子、*U2af1-rs1*、のアンチセンス転写産物の解析
○王 又冬, 城 圭一郎, 向井 常博 (佐賀医大・生化学)
- 1PA-123 Human brain long-chain acyl-CoA hydrolase isoforms generated by alternative use of exons of a single gene.
○ J. Yamada, Y. Kuramochi, A. Kurata, R. Sakaguchi, S. Nishimura, T. Watanabe, M. Takagi, T. Suga (Tokyo Univ. of Pharm. & Life Sci.)
- 1PA-124 Identification of human RTP gene family: RTP4 is expressed specifically in brain and heart
○ Rui-Hai Zhou¹, Koichi Kokame¹, Yoshitane Tsukamoto², Chikao Yutan², Hisao Kato¹, Toshiyuki Miyata¹ (¹Natl. Cardiovasc. Ctr. Res. Inst.²Dept. Pathol., Natl. Cardiovasc. Ctr.)
- 1PA-125 スナネズミ(*Meriones unguiculatus*)における放射線抵抗性機構の解析: *CRM1*cDNA のクローニング
○山内 一己, 吉村 康秀, 五十川 亜紗子, 續 輝久, 佐々木 弘 (九大・院医・医学生物物理学)
- 1PA-126 ルビスコアクティブース遺伝子導入形質転換体の作出とその機能解明
○芦刈 五月, 張 子蓮, 楊 広笑, 李志軍, 田切 明美, 田中 宥司, 小松 節子 (農水省・生物研)
- 1PA-127 シロイヌナズナ葉脈維管束において強く発現するリジン感受性アスパラギン酸キナーゼの解析
○吉岡 泰, 樽井 俊介, 町田 泰則 (名大・院理・生命理)
- 1PA-128 大豆の NRT1 硝酸輸送体の cDNA クローニングとその遺伝子発現解析
○横山 照史¹, 児玉 典央¹, 青島 均², 山田 守¹ (¹山口大・農・生物資源, ²山口大・理・自然情報)
- 1PA-129 イネ幼苗期においてブラシノライドにより誘導される遺伝子群の解析
○楊 広笑, 小松 節子 (農水省・生物研)
- 1PA-130 ジベレリンにより誘導されるコムギ *GAmby* 遺伝子のクローニングと解析
○宇都木 繁子, 前川 雅彦, 野田 和彦 (岡山大・資生研)
- 1PA-131 Characterization of Arabidopsis *Atppt1* gene encoding PHB:solanesyl diphosphate transferase
○ Kazunori Okada¹, Naonori Uchida², Makoto Kawamuka² (¹Dept. of Biology, Tokyo Gakugei Univ., ²Dept. of Life Sci. & Biot., Shimane Univ.)
- 1PA-132 シロイヌナズナのトバモウイルスに対する抵抗性反応に関わる宿主およびウイルス遺伝子の解析
○大森 拓¹, 李 貴宰², 西口 正通³, 柏崎 哲¹ (¹農水省・農研センター, ²韓国全北大学校, ³農水省・生物研)
- 1PA-133 紅色植物スサビノリのリン酸飢餓条件下で発現されるタンパク質の解析
○三輪 泰彦¹, 櫛本 寛之¹, 飯島 晋次郎¹, 嵯峨 直恆², 中田 篤男¹ (¹福山大・工・海洋生物工, ²東海大・海洋研・先端技術センター)

- 1PA-134 タバコ *tbzF* 遺伝子は老化葉の孔辺細胞と花芽で強く発現する
 梁 勝煥¹, ThomasBerberich¹, 佐野 浩¹, ○草野 友延¹ (1 奈良先端大・遺伝子センター, ²Goethe-Univ.,
 Botanisches Institut.)
- 1PA-135 ムラサキにおける 4-hydroxybenzoate geranyltransferase の発現と酵母における機能解析
 ○國久 美由紀, 佐藤 文彦, 矢崎 一史 (京大・院生命・統合生命)
- 1PA-136 Brassica 属植物の自家不和合性因子 SRK を用いた固相リン酸化法によるヌクレオシド 2 リン酸キナーゼ
 (NDPK) cDNA の単離
 ○久保田 亮¹, 松下 保彦¹, 西尾 剛², 丹生谷 博¹ (1 東京農工大・遺伝子, ²東北大・農)
- 1PA-137 アリユーロン層形成に関わるイネレセプター様プロテインカイネース遺伝子のクローニングとその構造解析
 ○川田 元滋¹, 及川 鉄男¹, 松村 葉子¹, 福本文良¹, 黒田 秧¹, 川崎 信二², 高岩 文雄² (1 農水省・北陸農試,
²農水省・北陸農試)
- 1PA-138 イネのグルタミン酸脱カルボキシル酵素(GAD)の分子解析
 ○赤間 一仁¹, 秋M 高志², 高岩 文雄³ (1 島根大・生物資源・生物科学, ²筑波大, ³農水省・生物研)
- (5c 細胞の機能, がん遺伝子, がん化)
- 1PA-139 Kruppel 型転写因子 KLF4/GKLF、KLF5 のがんにおける発現と機能解析
 ○大西 俊介^{1,4}, 青木 一教¹, 大浪 澄子¹, 金井 弥栄², 芳賀 一徳³, 浅香 正博^{3,4}, 寺田 雅昭^{1,4}, 吉田 輝彦¹ (1
 国立がんセ・研・分腫, ²国立がんセ・研・病, ³北大・泌, ⁴北大・3内)
- 1PA-140 Dnmt1 の転写制御機構
 ○木村 博道, 中村 能久, 塩田 邦郎 (東大・院農学生命科学)
- 1PA-141 VHL 癌抑制遺伝子産物 pVHL は細胞密度の上昇とともに増加し、増殖を抑制する。
 ○馬場 理也^{1,2}, 平井 秀一¹, 河上 哲², 酒井 直樹², 岸田 健², 金子 茂樹², 矢尾 正裕², 執印 太郎³, 穂坂 正彦²,
 大野 茂男¹ (1 横浜市大・医・2生化, ²横浜市大・医・泌尿器, ³高知医科大学・泌尿器)
- 1PA-142 VHL は -ドメインを介した結合により atypicalPKC をユビキチン化する。
 ○奥田 平和¹, 平井 秀一², 高木 康行^{1,2}, 馬場 理也^{2,3}, 大野 茂男², 執印 太郎¹ (1 高知医大・医・泌尿器, ²
 横浜市大・医・2生化, ³泌尿器)
- 1PA-143 初期腎発癌において発現が亢進している新規遺伝子
 ○眞嶋 州一^{1,2}, 梶野 一徳¹, 今 重行^{1,3}, 大塚 藤男², 樋野 興夫¹ (1 癌研・実験病理部, ²筑波大・医・皮, ³免
 疫生物研)
- 1PA-144 Ets ファミリー転写因子を介した *Tsc2* 遺伝子発現の制御
 ○本田 聡, 小林 敏之, 梶野 一徳, 樋野 興夫 (癌研・研・実験病理)
- 1PA-145 変異型 *Tsc2* 遺伝子導入 Ekerrat の表現型の解析
 ○百瀬 修二^{1,2}, 小林 敏之¹, 平林 真澄³, 伊藤 和美³, 鍋島 陽一², 樋野 興夫¹ (1 癌研・研・実験病理, ²京大
 院・医・腫瘍生物, ³YS 研)
- 1PA-146 腎発癌過程における *Erc/MESOTHELIN* 遺伝子産物の解析
 ○中石 真行¹, 梶野 一徳¹, 今 重之^{1,2}, 樋野 興夫¹ (1 癌研・研・実験病理, ²免疫生物研)
- 1PA-147 胆道がんの発生・進展に関わる第 17 番染色体長腕領域のアンプリコン
 ○高野 克己¹, 柏木 浩暢¹, 野木 康子¹, 吉田 貞夫^{1,2}, 三輪 正直¹, 内田 和彦¹ (1 筑波大・基礎・生化, ²)
- 1PA-148 ヒト 11 番染色体 q23.1 の癌抑制遺伝子領域コンテイング作製と遺伝子変異の検索
 ○赤羽 努¹, 細田 文恵¹, 福島 美智代¹, 新井 享子¹, 桑原 泰子¹, 新井 康仁¹, 津田 均², 広橋 節雄², 添田 栄
 一³, 大木 操¹ (1 国立がんセ・研・腫瘍ゲノム, ²国立がんセ・研・病理, ³理研・ジーンバンク)
- 1PA-149 マウスリンパ腫の 19 番染色体におけるがん抑制遺伝子の解析
 ○洪 斗杓¹, 朴 永寛¹, 藤澤 可恵¹, 小川 祥司¹, 森 展子¹, 宋 昌祐², 相沢 志郎³, 奥本 正昭¹ (1 大阪府大・先
 端研, ²韓国化学研, ³放医研)
- 1PA-150 トランスフォーメーション抑制遺伝子の包括的単離により得られた新規低分子量 G 蛋白質 TRIF97 の解析
 ○藤 重夫, 吉岡 直寿, 野島 博 (阪大・微研・分子遺伝)

- 1PA-151 新規癌抑制遺伝子 *drs* の2種類の mouse cDNA のクローニングとその機能解析
○井上 寛一 (滋賀医大・微生物)
- 1PA-152 新しいがん抑制遺伝子 *Rit1* の機能解析
○小杉 日登美¹, 井上 順¹, 若林 雄一¹, 高橋 良明¹, 三嶋 行雄¹, 丹羽 太貫², 木南 凌¹ (¹新潟大・医・一生活化, ²京大・放生研セ)
- 1PA-153 マウス PATCHED1(*ptc1*)遺伝子の欠失変異誘導と脳腫瘍の発生
○柳沼 克幸^{1,5}, 外山 馨^{2,5}, 美野輪 治^{3,5}, 杉谷 善信^{2,5}, 野田 哲生^{2,4,5} (¹癌研・物理, ²癌研・細胞生物, ³理研・ゲノム科学センター, ⁴東北大・医・分子遺伝, ⁵科技団・CREST)
- 1PA-154 ヒト滑膜肉腫関連蛋白 SYT-SSX1 とクロマチンリモデリング因子 hBRM の結合の機能解析
○長井 真人^{1,5}, 田中 伸哉^{1,5}, 津田 真寿美^{1,5}, 園部 宏², 加藤 宏幸³, 平賀 博明⁴, 西原 広史^{1,5}, 澤 洋文^{1,5}, 長嶋 和郎^{1,5} (¹北大・医・分子細胞病理, ²高知医大・病理, ³ロックフェラー大, ⁴国立札幌病院・臨床研究部, ⁵CREST, JST)
- 1PA-155 Functional dissection of MEF, an ets transcription factor
Takashi Koyanagi, Satoko Ise, Mary-Ann Suico, Zhuo Lu, Akinori Hisatsune, Takeshi Miyata, Hirofumi Kai (Kumamoto Univ., Fac. Pharmaceu. Sci., Dept. Pharmacol. Sci.)
- 1PA-156 Abelson ウイルスによる B 細胞腫瘍化過程における転写因子 NF-κB の役割
○中村 幸夫 (筑波大・医・基礎医学系)
- 1PA-157 食道がんにおける *L-myc* 遺伝子の多型と飲酒、喫煙との関連
○組本 博司¹, 濱嶋 信之², 松尾 恵太郎^{2,3}, 内田 信裕¹, 原田 英樹^{1,4}, 嶋田 裕⁴, 篠田 雅幸⁵, 石崎 寛治¹ (¹愛知がんセ・研・中央実, ²愛知がんセ・研・疫学・予防, ³名大・院医, ⁴京大・医・腫瘍外科, ⁵愛知がんセ・病・胸部外科)
- 1PA-158 c-Myc 結合タンパク質 AMY-1 の新規結合タンパク質 AAT-1 の解析
○行武 洋¹, 古澤 誠^{1,3}, 平 敬宏^{1,3}, 有賀 (井口) 早苗^{2,3}, 有賀 寛芳^{1,3} (¹北大・院薬・分子生物, ²北大・医短・生物, ³科技団・戦略)
- 1PA-159 新規 tumor suppressor としての c-Myc 結合タンパク質 MM-1 の同定と作用機作
○藤岡 優子¹, 平 敬宏^{1,4}, 佐藤 亜希子¹, 田中 伸哉², 西原 広史², 有賀 (井口) 早苗^{3,4}, 長嶋 和郎², 有賀 寛芳^{1,4} (¹北大・院薬・分子生物, ²北大・院医・分子細胞病理, ³北大・医短, ⁴科技団・CREST)
- 1PA-160 c-Myc-MM-1-コレプレッサー TIF1 による新規 c-Myc 転写抑制経路
○佐藤 亜希子^{1,3}, 平 敬宏^{1,3}, 有賀 (井口) 早苗^{2,3}, 有賀 寛芳^{1,3} (¹北大・院薬, ²北大・医短, ³科技団・CREST)
- 1PA-161 精子形成関連癌遺伝子産物 DJ-1 の SUMO-1 修飾による機能調節
○清野 千秋¹, 平 敬宏^{1,3}, 仁木 剛史³, 高橋 加寿子³, 有賀 (井口) 早苗^{2,3}, 有賀 寛芳^{1,3} (¹北大・院薬・分子生物, ²北大・医短, ³科技団・CREST)
- 1PA-162 Ets ファミリーがん遺伝子 PU.1 によるマウス赤白血病(MEL)細胞の分化のスイッチ
○山田 俊幸, 及川 恒之 (佐々木研・細胞遺伝)
- 1PA-163 In vivo interaction of PU.1 with HDAC-1 and TBP
○Fumiko Kihara-Negishi Hitomi Yamamoto, Mitsuhiro Suzuki, Toshiyuki Yamada, Tsuneyuki Oikawa (Dept. Cell Genet., Sasaki Inst.)
- 1PA-164 ヒト骨髄性白血病細胞株 K562 の分化誘導時の Ets ファミリー遺伝子の発現変化
○櫻井 拓也^{1,2}, 山田 俊幸¹, 木原 (根岸) 文子¹, 及川 恒之¹ (¹佐々木研・細胞遺伝, ²都立大・理・身体適応)
- 1PA-165 骨髄異形成症候群における *AML1* 遺伝子異常の解析
○今井 陽一, 黒川 峰夫, 伊豆津 宏二, 半下 石明, 牧 和宏, 小川 誠二, 千葉 滋, 三谷 絹子, 平井 久丸 (東大・医・血液内科)
- 1PA-166 *AML1* は PCNA と結合し PCNA のユビキチン化およびその分解を誘導する
○鈴木 光浩¹, 北林 一生², 大木 操² (¹佐々木研・細胞遺伝部, ²国立がん研・腫瘍ゲノム)

- 1PA-167 Analyses of Functional Domains of MTG8 Family Proteins
 ○ Fumiko Morohoshi, Sachiyo Mitani, Issay Kitabayashi, Yukiko Aikawa, Toshie Gamou, Misao Ohki (Nat'l. Cancer Ctr. Res. Inst., Cancer Genomics Div.)
- 1PA-168 ヒストンアセチル化酵素 MOZ 及び MOZ-CBP 白血病関連融合蛋白質による AML1 及び p53 依存性転写の制御
 ○北林 一生^{1,2}, 相川 祐規子¹, 横山 明彦¹, NguyenThi Lan Anh¹, 諸星 文子¹, 田矢 洋一³, 大木 操¹ (1 国立がんセンター・腫瘍ゲノム, 2 放射線研, 3 生物)
- 1PA-169 急性骨髄性白血病における t(8;22)転座により生じる MOZ-p300 融合ヒストンアセチル化酵素
 ○相川 祐規子¹, 北林 一生¹, 横山 明彦¹, 永井 雅巳², 嘉数 直樹³, 阿部 達夫³, 大木 操¹ (1 国立がんセンター・腫瘍ゲノム, 2 香川医大・一内, 3 京都府立医大・衛生学)
- 1PA-170 The functional analysis of the novel oncogene ETV6/ARG, identified from AML-M3 cell line (HT93A) with t(1;12)(q25;p13) and t(15;17)(q12;q21).
 ○飯嶋 良味^{1,6}, 奥田 恵子², 東條 有伸³, 瀬戸山 操³, Gary D. Kruh⁴, 榊 佳之⁵, 浅野 茂隆³, 佐藤 裕子⁶ (1 国立精神神経センター・精神保健研, 2 京都府医大・衛生, 3 東大・医科研・病態薬理, 4 Fox Chase Cancer Center, USA, 5 東大医科研・ヒトゲノムセ, 6 国立国際医療センター・超微細構造)
- 1PA-171 Isolation and characterization of a novel zinc finger protein, MEL1, which is associated with leukemogenesis.
 ○ Ichiro Nishikata¹, Kazuhiro Morishita², Seiichi Shimizu², Toshiro Nagasawa², Kazuhiro Morishita¹ (1 Miyazaki Med. College, Dept. Biochem, 2 Univ. Tsukuba, Inst. Clin. Med., Div. Hematology)
- 1PA-172 Tax に発現誘導されるセレクチン・リガンド合成酵素 Fuc-TVII の HTLV-121-bp 類似転写調節部に結合する因子のクローニング及び解析
 ○平岩 望, 神奈木 玲児 (愛知がんセンター・分子病態)
- 1PA-173 HTLV-1Tax による細胞周期促進機序の解析
 ○岩永 律子, 大谷 清, 中村 正孝 (東京医歯大・疾患遺伝子実験センター)
- 1PA-174 p21 は HTLV-1Tax の転写活性化能を亢進する
 ○川田 早苗, 有海 康雄, 下遠野 邦忠 (京大・ウイルス研)
- 1PA-175 HDAC1 と HTLV-1Tax との相互作用
 ○江後 猛, 有海 康雄, 改田 厚, 下遠野 邦忠 (京大・ウイルス研)
- 1PA-176 放射線誘発 scid 胸腺リンパ腫におけるレトロトランスポゾンの挿入によるがん遺伝子 Notch1 の異常 mRNA の産生
 ○辻 秀雄, 鶴飼 英樹, 勝部 孝則, 石井 洋子, 荻生 俊昭 (放医研・第3研究グループ)
- 1PA-177 マウス乳癌ウイルスの LTR 変異株(MLA-MMTV)は Notch1 遺伝子に挿入変異を起こす事により、T 細胞性白血病を誘導する。
 ○柳川 伸一¹, 李 種瑞¹, 松田 幸大¹, 本庶 佑², 石本 秋稔¹ (1 京大・ウイルス研・がん遺伝子, 2 京大・医・医化学)
- 1PA-178 Parkin 関連 RING-IBR タンパク質 RBCK1 のユビキチン結合活性と細胞内局在性の解析
 ○立松 健司¹, 小柳 智義¹, 良元 伸男¹, 鈴木 俊顕², 田中 啓二², 谷澤 克行¹, 黒田 俊一¹ (1 阪大・産研, 2 都臨床研・分子腫瘍)
- 1PA-179 Intracellular localization of TAF-I /SET-CAN/Nup214 associated with a leukemia
 ○ Shoko Saito, Kyosuke Nagata (Grad. Sch. Biosci. Biotech., Toky Inst. Tech.)
- (6d 高次生命現象, 老化)
- 1PA-180 *klotho* マウスにおける卵成熟不全の解析
 ○外山 隆介, 藤森 俊彦, 鍋島 曜子, 鍋島 陽一 (京大・院医・腫瘍生物)
- 1PA-181 マウスクロック 1 遺伝子産物の組織および細胞内局在とプロセッシング
 ○高橋 真由美, 鈴木 陽一, 黒柳 秀人, 中井 大輔, 清水 孝彦, 白澤 卓二 (都老人研・分子遺伝)

- 1PA-182 演題取消
- 1PA-183 単球からマクロファージの分化において認められる LXRα の誘導および LXRα のゲノム構造
○興梠 貴英¹, 和田 洋一郎¹, 杉山 暁¹, 浜窪 隆雄¹, 児玉 龍彦¹, 石井 雅巳², 油谷 浩一² (¹東大・先端研・分子生物, ²東大・先端研・ゲノム)
- 1PA-184 PKC- による細胞老化誘導
○片倉 喜範, 田平 有紀子, 中村 奈央, 三浦 巧, 上原 範久, 白畑 實隆 (九大・院・遺資工)
- 1PA-185 Analysis of Genes Regulated during the Process of Aging and Immortalization of the Epithelial Stem Cell lineage
○Leslie Bestilny, 菊地慶司, 森村 茂, 安本 茂 (神奈川がんセ・研・分子腫瘍)
- 1PA-186 フォークヘッド型転写因子 FKHR の核外移行への 14-3-3 蛋白の関与
○古山 達雄, 森 望 (長寿研・分子遺伝)
- 1PA-187 加齢に伴うストレス対応能の減少の一因としての glucocorticoid receptor
○阿部 量一, 後藤 佐多良 (東邦大・薬・生化学)
- 1PA-188 テロメラーゼによる細胞の不死化
○田原 栄俊¹, カール バッレット², 井出 利憲¹ (¹広島大・医・総合薬, ²NCI, NIH)
- 1PA-189 延命および不死化アストロサイト由来細胞株の作成とその機能解析
○角尾 進悟, 吉里 麻子, 田原 栄俊, 井出 利憲 (広島大・医・総合薬)
- 1PA-190 ヒト正常線維芽細胞 TIG-3 のテロメア長短縮に伴う増殖因子ならびにサイトカインの発現変化
○神崎 ゆかり, 尾上 史一, 井出 利憲 (広島大・医・総合薬)
- 1PA-191 加齢線維芽細胞における増殖因子並びにサイトカインの発現変化
○山中 祐介, 神崎 ゆかり, 尾上 史一, 井出 利憲 (広島大・医・総合薬)
- 1PA-192 新規老化関連遺伝子 7K-2 の取得と機能解析
○上原 範久, 片倉 喜範, 渡辺 保之, 三浦 巧, 白畑 實隆 (九大・院・遺資工)
- 1PA-193 Subtracted ライブラリーのマクロアレイ解析による細胞老化関連遺伝子の探索とその機能解析
○渡辺 保之, 片倉 喜範, 上原 範久, 白畑 實隆 (九大・院・遺資工)
- 1PA-194 テロメラーゼ陽性細胞におけるテロメア短縮機構
○吉崎 嘉一, 片倉 喜範, 白畑 實隆 (九大・院・遺資工)
- 1PA-195 細胞老化誘導における TAK1/TAB1 の関与
○三浦 巧, 片倉 喜範, 西村 修一, 神武 洋二郎, 田平 有紀子, 上原 範久, 田代 康介, 白畑 實隆 (九大・院・遺資工)
- 1PA-196 Werner 症候群細胞における DNA 二重鎖切断修復機構の解析
○菓子野 元郎, 児玉 靖司, 鈴木 啓司, 渡邊 正己 (長崎大・薬・放射線生命)
- 1PA-197 Werner 症候群細胞にみられる異常形質に対する相補性試験
○児玉 靖司, 菓子野 元郎, 長迫 信一, 中富 智子, 鈴木 啓司, 渡邊 正己 (長崎大・薬・放射線生命)
- 1PA-198 核小体内における Werner ヘリカーゼの機能解析
○白鳥 美和¹, 鈴木 貴久¹, 伊藤 千絵¹, 後藤 真², 古市 泰宏¹, 松本 武久¹ (¹エイジーン研究所, ²都立大塚病院)
- 1PA-199 プロモデオキシウリジン誘導性 VDUP1 の細胞老化への関与
皆川 吉, ○大塚 いずみ, 鈴木 敏和, 藤井 道彦, 鮎沢 大 (横浜市大・木原生研)
- 1PA-200 プロモデオキシウリジンによる細胞老化誘導機構の解析
○鈴木 敏和, 松村 直人, 道下 江利子, 柳沼 美佳子, 藤井 道彦, 鮎沢 大 (横浜市大・木原生研)
- 1PA-201 プロモデオキシウリジン感受性ヘテロクロマチン領域の同定
○大石 武, 鈴木 敏和, 柳沼 美佳子, 藤井 道彦, 鮎沢 大 (横浜市大・木原生研)
- 1PA-202 プロモデオキシウリジンによる細胞老化誘導機構の解析 II
○佐藤 渉, 鈴木 敏和, 藤井 道彦, 鮎沢 大 (横浜市大・木原生研)
- 1PA-203 5-ハロゲン化デオキシウリジンによる特異的細胞老化の誘導
○松村 直人, 道下 江利子, 鈴木 敏和, 藤井 道彦, 鮎沢 大 (横浜市大・木原生研)

- 1PA-204 5-ハロゲン化デオキシウリジンによって誘導される老化細胞のクロマチン構成蛋白質の変化
○道下 江利子, 松村 直人, 倉橋 敏裕, 荻野 秀樹, 鈴木 敏和, 藤井 道彦, 鮎沢 大 (横浜市立・木原生研)
- 1PA-205 マウス骨格筋細胞株における MyoD 遺伝子の BUdR による発現制御機構の解析
○荻野 秀樹, 内窪 友美, 道下 江利子, 鈴木 敏和, 藤井 道彦, 鮎沢 大 (横市大・木原生研)
- 1PA-206 プロブコールによるマクロフゼジ遺伝子発現誘導パターンの検討
○沖本 優子¹, 和田 洋一郎¹, 杉山 暁¹, 興梠 貴英¹, 松川 苗子², 野口 範子², 児玉 龍彦¹ (1 東大・先端研・分子生物学, 2 同・ゲノムサイエンス)
- 1PA-207 低酸素下低比重リポ蛋白質負荷による冠動脈および大動脈平滑筋における遺伝子発現検討
○和田 洋一郎¹, 杉山 暁¹, 興梠 貴英¹, 沖本 優子², 野口 範子², 児玉 龍彦¹ (1 東大・先端研・分子生物学, 2 東大・先端研・ゲノムサイエンス)
- 1PA-208 *C.elegans* における酸化リン脂質除去酵素の役割
○井上 貴雄^{1,4}, 青木 淳賢¹, 井上 圭三³, 杉本 亜砂子², 山本 正幸², 辻本 雅文⁴, 新井 洋由¹ (1 東大・院薬, 2 東大・院理, 3 帝京大・薬, 4 理研・細胞生化学)
- 1PA-209 *C.elegans* の電子伝達機能不全から生じる酸化ストレスと老化
○一宮 治美¹, 平川 伸洋¹, 安田 佳代¹, 津田 道雄¹, 大柳 善彦², 築瀬 澄乃¹, 石井 直明¹ (1 東海大・医・分子生命, 2 レドックス研究所)
- 1PA-210 *C.elegans* における DAF-16 を介した酸化ストレス耐性の獲得と老化への影響
○築瀬 澄乃^{1,2}, James Cypser³, Thomas E. Johnson¹, 石井 直明¹ (1 東海大・医・分子生命, 2 神奈川県立衛生短大・衛生技術, 3 コロラド大・行動遺伝研)
- 1PA-211 *daf-16* の哺乳類ホモログ AFX、FKHR、FKHRL1 の機能解析
○吉田 聖美¹, 岡田 由紀², 澤 洋文², 池田 恭治¹, 本山 昇¹ (1 長寿医療研究セ・老年病, 2 北大・医・分子細胞病理)
- 1PA-212 *C.elegans* 酸素依存性短寿命突然変異体の寿命に及ぶ温度と酸素ストレス
○安田 佳代¹, 築瀬 澄乃^{1,2}, 石井 直明¹ (1 東海大・医・分子生命, 2 神奈川県立衛生短大)
- 1PA-213 Analysis on the biochemical function of *C.elegans* Clk-1 protein
○Hiroko Miyadera¹, Hikari Takai², Kimie Murayama³, Hideto Miyoshi³, Naoaki Ishii⁴, Jiegfried Hekimci⁵, Kiyoshi Kita¹ (1 Tokyo Univ., Grad. Sci. Med., Dept. Biomedical Chem., 2 Juntendo Univ., Central Laboratory, 3 Kyoto Univ., Grad. Sci. Agr., Dept. Appl. Life Sci., 4 Tokai Univ., Fac. Med., 5 McGill Univ., Dept. Biol.)
- 1PA-214 新しいスクリーニング法によるショウジョウバエ長寿遺伝子間相互作用の解析
作田 和子¹, 松尾 隆嗣¹, 相垣 敏郎^{1,2} (1 都立大・院・理, 2 科技园さきがけ)
- 1PA-215 遺伝子強制発現系を用いたショウジョウバエ寿命変異体の同定
○成 者鉉¹, 小柏 匠¹, 相垣 敏郎^{1,2} (1 都立大・院・理, 2 科技园さきがけ)
- 1PA-216 ショウジョウバエミトコンドリアにおける老化にともなう変化
○由比 良子¹, 松浦 悦子² (1 お茶大・院ライフサイエンス, 2 お茶大・理・生物)

PB 会場

.....(4a 細胞の構造, 核内構造と核機能(染色体、クロマチン、核小体)).....

- 1PB-001 De novo 構築ヒト人工染色体における Position Effect Variegation(PEV)
○阿部 徳一郎^{1,2}, 山本 恭子^{1,2}, 岡崎 恒子^{1,2} (1CREST・JST, 2 藤田保健衛生大・総医研)
- 1PB-002 Dual Roles of the Non-SMC Subcomplex in Condensin Regulation
○Keiji Kimura, Tatsuya Hirano (Cold Spring Harbor Laboratory)
- 1PB-003 核マトリックス-アデノウイルスクロマチン複合体の試験管内複製系の構築
○下山 多映¹, 奥脇 暢^{1,2}, 永田 恭介¹ (1 東工大・院・生命理工, 2 理研)
- 1PB-004 酵母ツーハイブリッド法によるメチル-CpG-結合タンパク質 MBD2b に結合する新規 zinc finger protein の単離
○関亦 正幸, 本間 好 (福島医大・生情研・生体物質)